

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

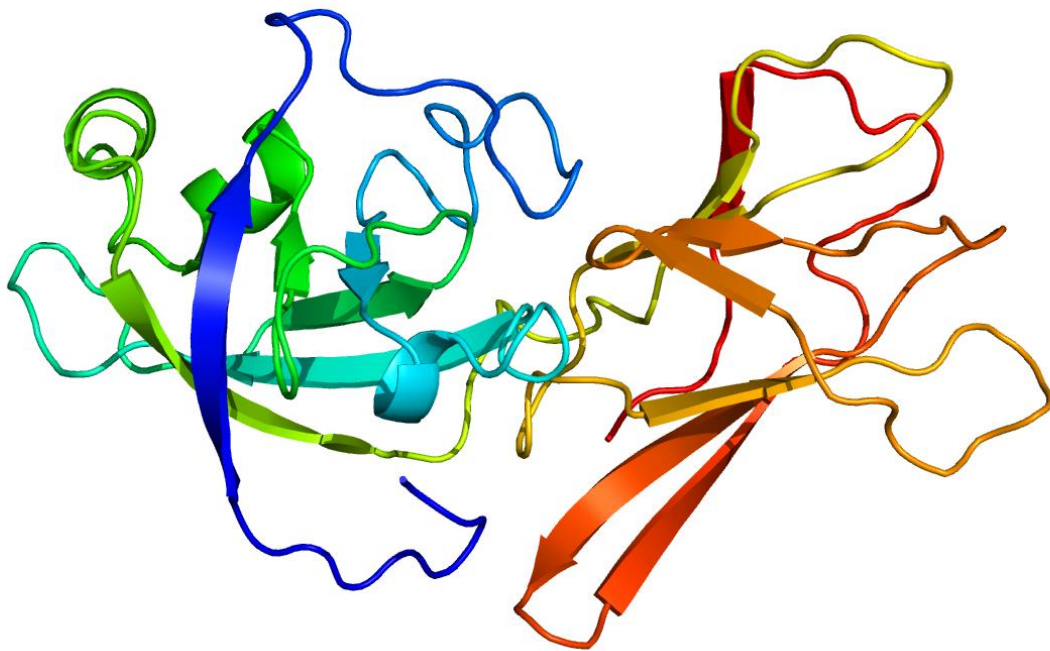
Locus: XP_016187884

Gene Model: XP_016187884.1

Description: AipEXLA-01

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

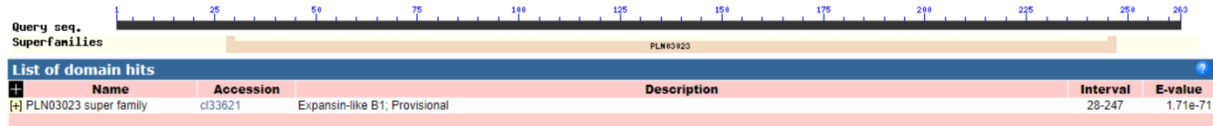
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXLA-01

MAFFVRFSLLLLLLSSSATACDRCVHQSASFSSKASALSSGACGYSELALSLSAGNL
AAAVPSIFRDGAACGACFQIRCKDPKLCCKSGTRVVLTDLNKDNKTDFVLSTRAFQS
LALKGKAQHLLNLGILDIEYKRVPCEYKNKNLAVRVEESSRKPNYLAIKFLYQGGQT
DIVAVDVAKVGSSNWSFLSRNHGAVWDTSRVPEGALQLRLVVTAGFDGKWIWAQK
EVLPADWKNQVIYDSGVQITDIAQEGCATCDDGSWP

CDS (coding sequence)

>AipEXLA-01

TTGTGTAGCCGCGTGTGTTGTTGAATGTTGATGCTGACGTGGCTTATTCATTCATTC
ATCCCTATAAAACAGAGTGTATGTTATCATCAATGAACACATTAAGAAATCGAC
ATGGCTTTCTTTGTTTCGCTTCTCTCTGTTGTTGCTTCTTCTTTCTTCATCTGCCACCG
CTTGTGATCGTTGCGTCCACCAATCCAAGGCTTCTTTTTTCTCCAAAGCCTCCGCT
CTGTCATCTGGGGCGTGTGGTTATAGTGAATTGGCACTCTCGTTAAGTGCTGGAA
ACCTTGCAGCTGCTGTTCCCTCCATCTTCAGAGATGGTGCTGCTTGTGGTGCGTGC
TTCCAGATTAGATGCAAGGACCCAAAGCTCTGCACAAAATCAGGAACCAGAGTG
GTTCTTACTGATCTTAACAAAGATAACAAAAGTATTTTGTCTTAGCACCAGAG
CCTTTCAATCTTTGGCTCTCAAAGGAAAAGCTCAGCATCTTCTCAACCTTGGCATT
CTTGACATTGAATACAAAAGGGTACCTTGTGAGTACAAAACAAGAACCTGGCT
GTTCGCGTTGAAGAATCAAGCAGGAAGCCAAATTACTTGGCTATTAATTTTTGT
ATCAAGGTGGTCAAAGTACATTGTAGCCGTTGATGTAGCTAAGGTTGGGTCGTC
AAACTGGAGTTTCTTAAGCAGAAATCATGGGGCGGTGTGGGACACAAGCAGGGT
TCCAGAAGGGGCATTGCAGTTAAGGTTGGTTGTAACGGCAGGTTTTGATGGGAAG
TGGATTTGGGCACAGAAGGAGGTTCTTCCGGCTGATTGGAAAATGGTGTCATCT
ATGATTCTGGTGTTCAAATCACTGACATTGCTCAAGAAGGTTGTGCCACTTGCGA
TGATGGTTCTTGGCCATGACATCAACAAATATATATATTTCTCATCTATTATAGT
TATAGAATACTAGTCAGTATATAGTTAGTTATACTACACTAAGTTTCAATTTCA
TTCATTGTTATTATTATTGTGGTATATTATATAGGACTATATATAATTATATACCT
CTACCTTGAGAAATTAATTAACAATAAAAGTAGATTACCTTGGAAAACCTTCA

Nucleotide

>AipEXLA-01

TTTTAAAATATCTAATTCTACCAATTTAGTTTTTTTAGAACCTTGATTGTTTGATAA
ATTAATTAACATATCAATCGTTCTAATAGTTTATAGTATCATTTTTACATAAAAA
CATCTTTATTA AAAAGTACCCCTTAAATAAATTAGTAAATGGTGAGTAACATAGG
TGTAGATAAGAATTAAGAAACCACCAAGGAATGTAGCTAAACATATTAGAAAGT
CAAAAGTCAAAACGTTATTACTGCTACTACATTACGCGGTACTCTACTCCACTCTA
ATGGCTCTAAGCAGTTAAAGAAACTGGATAACACAGCTGTTTAGGATTGGCACAT
AGTACACCCCACTAAGTCAGACACAGTTACCATTTTAGTCATATTTATTAATAAA
CACATTCAAAGTTTTGTATTTCAATTTCTTTTTATAGTGAATTAGGGAGATAAGAAC
CGAGTGAAATAAAAAAAAAAAGTCATAAAGTAAGTGTAAC TATTTGTCTTTGATG
GTTTGTGTAGCCGCGTTGTTGTTGAATGTTGATGCTGACGTGGCTTATTCATTCAT
TCATTCCCTATAAAAACAGAGTGTATGTTATCATCAATGAACACATTAAGAAATCG
ACATGGCTTTCTTTGTTGCTTCTCTCTGTTGTTGCTTCTTCTTTCTTCATCTGCCAC
CGCTTGTGATCGTTGCGTCCACCAATCCAAGGCTTCTTTTTTCTCCAAGCCTCCG
CTCTGTCATGTGAGATTTCTAGCCATCTATCACTTTCATTCATTCCATTTCCATTT
CATTTGTGTTATTAATCCTTTGAATATATTATTATTATTGCAGCTGGGGCGTGTGG
TTATAGTGAATTGGCACTCTCGTTAAGTGCTGGAAACCTTGCAGCTGCTGTTCTT
CCATCTTCAGAGATGGTGCTGCTTGTGGTGCGTGCTTCCAGATTAGATGCAAGGA
CCCAAAGCTCTGCACAAAATCAGGAACCAGAGTGGTTCTTACTGATCTTAACAAA
GATAACAAA ACTGATTTTGTCTTAGCACCAGAGCCTTCAATCTTTGGCTCTCAA
AGGAAAAGCTCAGCATCTTCTCAACCTTGGCATTCTTGACATTGAATACAAAAGG
TATCAAAAATAATTTTAATTATTTAATTGTTGTTATTCTTCACGGATTGTATAATTAT
ATTTGATTTTTTTTATAACTATTAAGACAGTTGATGTGACGATATATAATTAGATAT
ATTA AAAATTA AAAATTTTAAATTATTTAATAATTTTTTAATTATTATGCATAAGTTG
GATAAGATAATATTTTATACTTTTTTCGTTTTGTTTTGGTATGTGAAATTGTGAAT
GTCCCAGTGCTCACCTACCGGGGCTGCTGGCACCGGCCACCGCAAAAAGCGA
ACATCCATGGTGGACCATAGTTTCAAAAATTATTTTATTCTAGTAACACTTAACAG
CAACGGTCTATGTCTCTATGTTGTATTACATAATATTATATAATGCGGTGTATTGT
GTATAGTATAAGATTTGCTATGGACGTTCAAGCATCGTATAGATTTAGAAATATT
TCAATTAAGTTTGACTTAATTA AAAATACTTACTTGTTTTTATTTATGGATGAATTTA
ATGGAGCAGGGTACCTTGTGAGTACAAAACAAGAACCTGGCTGTTCCGCGTTGA
AGAATCAAGCAGGAAGCCAAATTACTTGGCTATTA AAATTTTTGTATCAAGGTGGT
CAA ACTGACATTGTAGCCGTTGATGTAGCTAAGGTACGTTACATTACATGTTTATT
AAAACATCAACTCACACAATGTTACTTCCGTTAGAGATATAACTATTTATGTGTCT
GTAACGTAGGTTGGGTCGTCAA ACTGGAGTTTCTTAAGCAGAAATCATGGGGCGG
TGTGGGACACAAGCAGGGTCCAGAAGGGGCATTGCAGTTAAGGTGGTTGTAA
CGGCAGGTTTTGATGGGAAGTGGATTTGGGCACAGAAGGAGGTTCTCCGGCTGA
TTGGAAAATGGTGT CATCTATGATTCTGGTGTCAAATCACTGACATTGCTCAA
GAAGGTTGTGCCACTTGCATGATGGTTCTTGGCCATGACATCAACAAATATATA
TATTTCTCATCTATTCATAGTTATAGAATACTAGTCAGTATATAGTTAGTTATATA
CTACACTAAGTTTCAATTTCAATTCATTGTTATTATTATTGTGGTATATTATATAGG
ACTATATATAATTATATAACCCTCTACCTTGAGAAATTA AAATTAACAATAAAAAGTA
GATTACCTTGGAAA ACTTCATCCTCTCTATTTTTTAGATACTTGTTTATGTGAAAA
ATATTACCTTGAGAAAAATATACGTGCTAACATCAATCTCTATGCCATTGAGTAA
CTAATATATTA AAAATTTAAAATTTTAACTTAAGCCTTAAGGATTATTTGACAGTTA
ACAAGACATTCACACCCTTAGTGCGTTTACCAAATGGTATTTTCGTACATCAAT
TTAATAATTACCACTTACAATAAAAGAATTTGAGTTATCAGGGGACCAATACTT
TTTAGTAAAAATATCGCAGTTATTAGTTTAAATATAAGCAAACTGAGGAAAAAA

ATTGATACTACTTTTTAAATTTATCTAAATGTATAACTATGTTTCAATATATAAAG
CTTTTTATCTCATCAATTTATTTAAAATTAAGCTCTCAAATTTATTCCTCCAAGAGA
AACTGTTTCTACAAATTAATTATTACACTAAATAAAGATTTTTTTTTTCGGGATCTT
TCACTATTAAGAATCTAAT