

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

Locus: XP_015079370

Gene Model: XP_015079370.1

Description: SpnEXPA-16

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

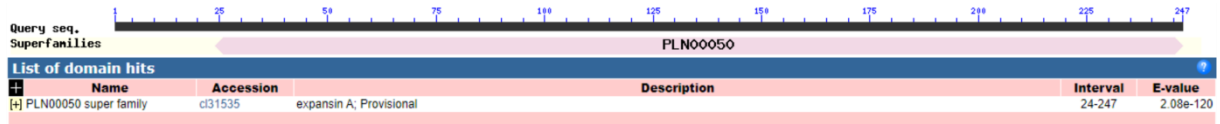
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-16

MASLPLVFFFLSFCFYSTFADYGGWQTAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQG
 YGTNTAALSTALFNGLTCGACYELTCNNAQWCLQGTITVTATNFCPPNPSLPNNN
 GGWCNPPLQHFDLAQPAFLQIAKYKAGIVPVSFRRVPCMRKGGIRFTVNGHSFFNLV
 LVTNVGGAGDIQSVSIKGSNTGWQAMSRNWGQNWQSNLNLNGQSLSFQVTTSDGR
 TLISNNAAPNNWQFGQTFEGAQF

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-16

AGA ACTTGGTCAATAACCCTTCGTCATATCAATCCCCTCCACTCATCTCTTA
 TCCTCTTCTTAGTTTTAATTTACTCAATGGCTTCACTTCCACTTGTCTTCTTTTT
 AAGCTTTTGCTTCTATTCTACTTTTGCTGATTATGGAGGATGGCAAAGTCTCATG
 CCACTTTCTATGGAGGGGGTGATGCCTCTGGCACAATGGGGGGTGCTTGTGGATA
 TGGA AATTTGTATAGCCAAGGGTATGGA ACTAACACTGCAGCACTAAGTACAGC
 ACTATTCACAATGGTTTAACTTGTGGTGCTTGTATGAGCTCACTTGCAACAATG
 CAGCTCAATGGTGTCTCCAAGGGACTATTACTGTCACTGCAACTAATTTTTGTCCT
 CCGAACCCGTCTCTACCTAACATAATGGTGGTTGGTGCAATCCTCCTCTCCAAC
 ATTTTGATTTAGCACACCTGCTTTCTTGCAAATTGCTAAATACAAAGCCGGTATC
 GTCCCTGTATCTTTTCGAAGGGTGCCCTGTATGAGAAAAGGAGGAATAAGGTTTA
 CAGTAAATGGACTCATTTTTCAACTTGGTTTTAGTGACAAATGTTGGAGGTGCT
 GGTGATATTCAATCAGTTTCAATTAAGGGTCTAATACTGGATGGCAAGCAATGT
 CAAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCTAATCTAAATGGTCAAAGTCT
 TTCATTTCAAGTCACTACAAGTGATGGAAGGACTCATTAGCAACAATGCTGCA
 CCAAATAATTGGCAATTTGGACAACTTTTGAAGGGGCTCAATTTTAATTTATTTA
 CTATAAAGCACAAATTGAGGGGTTTTCAACTTGTAAATTTGTATATGCCATAAAAG
 GGGTGAGTAGGTTTGGGAGAAA ACTCCTTATGGTGGGGGGTTTGGCTCTATTGCT
 GTGGTGGCTGGTTTGCACCCGCTTAGGCCTATTAGTAATTTTATTTTATTTTACA
 ATTTAGAGATATTTGATTAGTGGCCATTTATGGATTTGAAGGTCACTTGAATATC
 ACATAGATTTGTCTATTAGTAGTTCCTAATTCATTGTGTAAGCAGAATTAGGGCA
 ACTTAATGTCATCATGTTATCCTTCTTTATAATTGCTTTGGTACA

Nucleotide

>SpnEXPA-16

AACAAATGGTTCTCATACTCTTCCTTTCTCTCTTCGTGTATTTTCACACGATGTCTG
CATTATAATTCTAACTAAATTCAAATCCGGTAAGATCCACTTGAGGGTAATACTG
CCAACAAGTTCATATCGAAATCTTTGATTAAGGGTGAATAATTTACCAACTGC
ATTATAACTCATGTTGGTCTAATACTTTTTCTTTCTATTTTGGTTTCTTACTTGGTG
TTCGGAATCTGCATTGAAGCCCCGACTAAATTTGAATGGCGCACTTCAGGGCTCA
TGCAGGGGTGTGGCGCTCCCAACAGAATTTTCTTCATATTCAAAAATTTAAACCT
GGAATTTCTGATTAATAATGAAGCAATCTTGCAATTGCACCACAACCTCACGTTGG
TCTAATACTCTTTCTTTCAAGACGTGGACACTTTAAACTTGCCACTTTCTTCTATA
ATTAATTAGCATATCTTATGCCTAAAATTCAGCTTCTATTTTTTTTGTGTATAAATA
GAACTTGGTCAATAACCTTCGCTCATATCAATTCCCACTCCCACTCATCTCTTAT
CCTCTTCTTAGTTTTAATTTACTCAATGGCTTCACTTCCACTTGTTTTCTTCTTTTA
AGCTTTTGCTTCTATTCTACTTTTGCTGATTATGGAGGATGGCAAACCTGCTCATGC
CACTTTCTATGGAGGGGGTGTGCCTCTGGCACAATGGGTATATCCGCTTGTACTT
TCTTACTTTCCATCAAACCGACTCAAATACATCAGTGGTCTAAAACAAAATTCAA
ATAGAGGCGTATATATTTTTGTAAAGTTTATTATAACCAATTATTTAATTTTTCTT
GAAACATAATATTCAAGATTTGTCTAACTTATATTACTTCTTTTACAAATAATACT
TGATATTTTTAACAATATACATTTTTTTCAAGAAAATGAGGCGCTCAAATTGGGG
GCTAAGACAATTGAGCAGCTCCTGCTTTCCATATAGTTTTTTCACATTAATAATCAGG
TTAACTATACATTATTTATTAATAAAAATTAACCTTATAAGTGTAAGAATTTGTACA
TTACTAGTGGACTTTTTGACTTAGTTTTAACTGATAACATGTCATATTTTCAAGA
TTACTATTATGGACGTTGTTAGTGTATAAAAATTAACCTTGTGTAGTATAATAAC
ATATATGGTTGTCCAAACAAATGCAGGGGGTGTCTTGTGGATATGGAAATTTGTAT
AGCCAAGGGTATGGAACAACTGCAGCACTAAGTACAGCACTATTCAACAAT
GGTTTAACTTGTGGTGCTTGTATGAGCTCACTTGCAACAATGCAGCTCAATGGTG
TCTCCAAGGGACTATTACTGTCACTGCAACTAATTTTTGTCTCCGAACCCGCTC
TACCTAACAATAATGGTGGTTGGTGCAATCCTCCTCTCCAACATTTTGATTTAGCA
CAACCTGCTTTCTTGCAAATTGCTAAATACAAAGCCGGTATCGTCCCTGTATCTTT
TCGAAGGTAAACTTTAGTATTGACCTAATTATTATTAATAAAAAAAGTAACGAG
TTCAGTTGAACATGTAATAATATGTTGAATTTTGTTTACAGGGTGCCCTGTATGAG
AAAAGGAGGAATAAGGTTTACAGTAAATGGACACTCATTTTTCAACTTGGTTTTA
GTGACAAATGTTGGAGGTGCTGGTGATATTCAATCAGTTTCAATTAAGGGTCTA
ATACTGGATGGCAAGCAATGTCAAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATT
CTAATCTAAATGGTCAAAGTCTTTCATTTCAAGTCACTACAAGTGATGGAAGGAC
ACTCATTAGCAACAATGCTGCACCAAATAATTGGCAATTTGGACAACTTTTGAA
GGGGCTCAATTTTAATTTATTTACTATAAAGCACAAATTGAGGGGTTTTCAACTTG
TAATTTGTATATGCCATAAAAGGGGTGAGTAGGTTTGGGAGAAAACCTCCTTATGG
TGGGGGGTTTTGGCTCTATTGCTGTGGTGGCTGGTTTTGCACCCGCTTAGGCCTATTA
GTAATTTTATTTTATTTTACAATTTTAGAGATATTTGATTAGTGGCCATTTATGGA
TTTGAAGGTCACTTGAATATCACATAGATTTGTCTATTAGTAGTTCCTAATTCATT
GTGTAAGCAGAATTAGGGCAACTTAATGTCATCATGTTATCCTTCTTTATAAATTGC
TTTGGTACATTTACTTCTTCTATATCTTTCTTTGTGTTTGCCTTTCTCAGGGATGGT
TCGACAGTGTTAAAAAAGATATTCGTCTTAGACCCCAAATTTAAGGGGGA
CTCATTTTTAATAGTAATAGGTTATAAGTTATTTTTTTTTAATAAATATTGAATATT
ATTTGTAAAAAAGTAACTTTTCATGAAAATGAAAAATTATTTGAAGAAAATT
GATATATTTGGAGTACTATATCTCATGAAAATAATTTTGAATAAGAATGATTAT
ATTATCAATTGAAAAC TAGAACAAATCAATTATATAAAAGTTCTTAACAATTCAA
ATTTAAGGCCCATTTAATTTTTATTTAAGCGACTAATATGTTTGAGCTACTCGT
AACCTTTCTCATTTGACTAATTTGCTTCTATAGGCAAGGCAAGTGAATAAGATCA
ATATAACAGTTACGCTAATCCTTTCAAACCTATAAGTTGGTCAAACCTAGCTTGTA
AGTATTGTT