

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

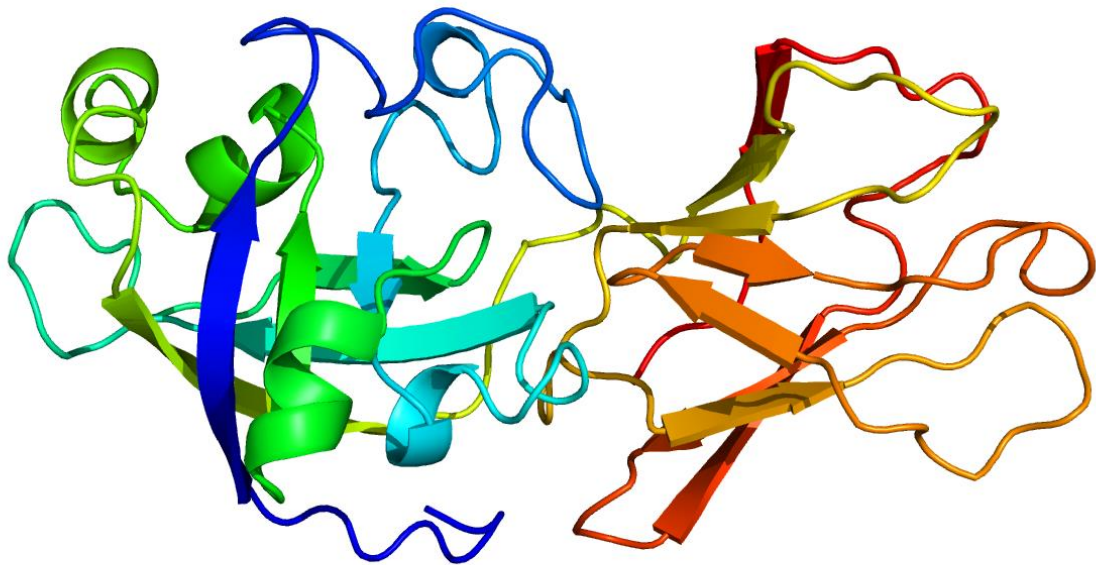
**Locus:** XP\_011076957

**Gene Model:** XP\_011076957.1

**Description:** SinEXPB-04

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

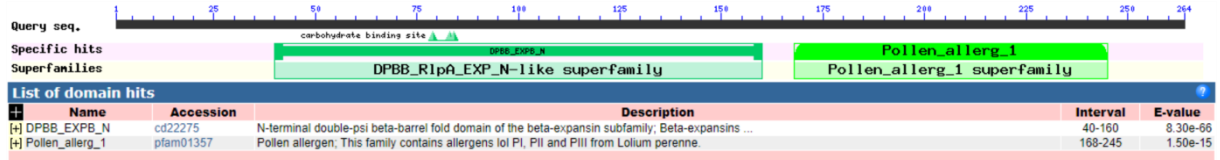
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPB-04

MSNYRSYRFGTILVILLIVSDYYLCVNSESINASVLGFAPAIAATWYGDPGPGSVGGAC  
GYGRDVENPPYYALVSAGNNNLFKSGKGCSCYQVKCTQNAACSGNPVTVTIADEC  
PGSCNNDPIHFDLSGKAIGVLAKPGQANALRSAGRINIEYQRVPCYYKGTSTITFKIDPG  
SNANYLAFGVQYINGDGEIGSMQLLPSNSKNPLVMQQVFGATWKANIPNGIKGPYSV  
AITSLESRKTVTAYNSIPVDWSPGKYYISKVNF

### CDS (coding sequence)

>SinEXPB-04

ATGTCTAATTATCGAAGCTATCGTTTTGGA ACTATTCTCGTGATTTTGTGATCGT  
AAGTGACTATTACCTTTGCGTAAATTCCGAATCAATTAATGCTTCTGTTCTTGGTT  
TCGCGCCAGCTATAGCAACATGGTATGGGGACCCCATTTGGACCTGGAAGCGTAG  
GGGGAGCTTGTGGTTATGGACGTGACGTAGAAAATCCTCCATACTACGCGTTGGT  
TTCTGCGGGAAATAATAATTTGTTTAAATCCGGAAAGGGTTGCGGAAGTTGTTAT  
CAGGTGAAATGCACACAAAATGCAGCATGCTCGGGAAATCCAGTTACTGTAACA  
ATTGCAGATGAGTGTCCAGGTTCTGCAACAATGACCCCATTCACCTTTGACTTAA  
GTGGAAAAGCTATTGGTGTGTTAGCAAAGCCTGGCCAAGCTAACGCATTGCGTAG  
CGCAGGACGAATCAACATTGAATATCAAAGGGTGCCGTGTTACTATAAAGGGAC  
GAGTATAACGTTCAAGATCGATCCAGGCTCCAACGCTAACTATCTAGCTTTCGGA  
GTTCAATATATCAACGGAGATGGTGAAATTGGTTCTATGCAGTTATTACCTTCAA  
ATTCGAAGAATCCACTGGTCATGCAACAGGTCTTTGGTGAACCTGGAAAGCTAA  
TATACCTAATGGAATAAAGGGCCCTTATTCAGTGGCAATAACGAGTCTTGAGTCG  
AGAAAACAGTCACAGCATAACAATTCGATTCCGGTTGATTGGTCTCCAGGAAAAT  
ACTATATTTCAAAGTTAACTTTTAG

### Nucleotide

>SinEXPB-04

TTGTGAAACTATGGCAGAAATGATTAACTGATGCCATCAAGACTGTTGACAATT  
GTATGTTTTCCAATTTGACAGATCCAAATCGAGACAACATTAAGTTCTTTCCTTAA  
ATATTTTCAAATAGTAACAAAGATGTAAAAAGATAAAAACAATAGTAAAGAAAG  
AAAGACTTTTATCATGTTCTATATATTGACAAATACCTACTTTTTGTTGATGCAAT

CAGAATCTTTACATCTTTCTAAGTTTTCTAATTTAACATGAATTCACTATCAAATT  
CTTTAGAGAATATTATTCAATTATTGATGGCAGATTTAATTCTAAATTTAGGATAA  
ATGATTCTATTGTA CTATTATTATTTCTTGTTCTGAAATGTGTAGTCTTATTTTAGT  
TGTTTCGTAAATAAGGTATGTGTCATATCTTTAATAGTATAAAAAGGTCTAGCCAT  
GGAGTGCTCAGTAAAGTATTTTGTGTACTACGTACTTGTGCAAATCACACATCAT  
GTCTAATTATCGAAGCTATCGTTTTGGA ACTATTCTCGTGATTTTGTGATCGTAA  
GTGACTATTACCTTTGCGTAAATTCCGAATCAATTAATGCTTCTGTTCTTGGTTTC  
GCGCCAGCTATAGCAACATGGTATGGGGACCCCATTTGGACCTGGAAGCGGTAATT  
TTAGATAATTTTATGAACTTCACATACGAAATTACATAAAATCTATATATGTATGT  
GAGTTGTATAAAAAGTACCTGAAGTATTTACATGGTTCGTACAAA ACTTATATACT  
TGTTATTGAAGTGATTATTCATATCGTTCAGTAGGGGGAGCTTGTGGTTATGGAC  
GTGACGTAGAAAATCCTCCATACTACGCGTTGGTTTTCTGCGGGAAATAATAATTT  
GTTTAAATCCGGAAAGGGTTGCGGAAGTTGTTATCAGGTTTGGAAAATTTTTCTTGT  
ATTGTCATTTTCGTGATGTAGTGTA AAAAATGGATGTATCATATTCTAAATCCGCTG  
CTCTTTATATATATGTATCTTGGAATATTGTGAAATGTTGTCATTCACGATTTCTGT  
TGTGGTATGCATATCATTTGGTGTAGATATTCGATATAAATAAGGTTCTTTTTTTT  
CCCGATCAACGATAAACATTCATTCTATCCATGATAGAATAATTTTAAAAAAATT  
TATTCTTCATGTATTTTATTTAACAATATTAACCTCAATATTGTGTATTAACATTAT  
GTGTTATGTAAGGTGAAATGCACACAAAATGCAGCATGCTCGGGAAATCCAGTTA  
CTGTAACAATTGCAGATGAGTGTCCAGGTTCCCTGCAACAATGACCCCATTCACTT  
TGACTTAAGTGGAAAAGCTATTGGTGTGTTAGCAAAGCCTGGCCAAGCTAACGCA  
TTGCGTAGCGCAGGACGAATCAACATTGAATATCAAAGGTAAGAAACATATCGT  
ACATGTAAAATTTCAA AACACTTACTTTACTTTCTCTATCTTAAATTTATTAATTCT  
AATTCTTTTTGGACTTATCAAACGAGGCTTTAGATTTACTCTTTTAATTCTTTCTT  
TCCCTCTAAAAAAAGTTATAATAATGCAACTATTAATTTTGAATTGTTACTCTT  
GAAGAGAATATCACAAAACGTATATAACAATTTTAGTGAACTTATTTTAATTATG  
TGCAGATCCAAGTAGATATTTATACTCGGAGTACTTTCTTTTATGGATCGAACATA  
CTAGCTGTCATATGAAAAATTATGTACATATTTTCATTATCTCTGGATTTTCAGGG  
TGCCGTGTTACTATAAAGGGACGAGTATAACGTTCAAGATCGATCCAGGCTCCAA  
CGCTAACTATCTAGCTTTTCGGAGTTCAATATATCAACGGAGATGGTGAAATTGGT  
TCTATGCAGTTATTACCTTCAAATTCGAAGAATCCACTGGTCATGCAACAGGTCTT  
TGGTGCAACCTGGAAAGCTAATATACCTAATGGAATAAAGGGCCCTTATTCAGTG  
GCAATAACGAGTCTTGAGTCGAGAAAAACAGTCACAGCATACAATTCGATTCCG  
GTTGATTGGTCTCCAGGAAAATACTATATTTCAAAGTTAACTTTTAGTTTTACTG  
TTTGTGGGTAATTGTTCAAGTTTTTCAGACAGTTTTTTTTAAGGTTGAATGAACACT  
TCTATATTATGTAGTTATATTGTGAGCCAAACATAGTGGCTTCGTAATAATTCTAT  
TATGTCTATAACTACTTTATTGCTGCATTTGCTTAATTTCCCAAAGGAAAAAC  
ATTGGTCAAATTCAAATTATTGTAGTTAAGACATACTTATAAGACGACTTATTAT  
CAAAGTAGCAGTACTACAAATTTTGAGAATGATCAACCAA ACTTATTTTGGA ACT  
CTTTTACTAAA ACTAAACAAGGTCGGATGACGATTGGAGGCCATCAACCATCATA  
CACATGTCACGCACTTGTATGGGTTGCACATTATAACCAATCACTAATTACAATT  
TAATCTTATTGAAATAAATTTATTTTTAGTTTTTCATTAACCATTTTTCATCAATAG  
TTAATAATTATAAAAAGTCTATTATAAAAATTAGATGAATATTA