

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis ipaensis*

**Locus:** XP\_016206562

**Gene Model:** XP\_016206562.1

**Description:** AipEXPA-18

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: [https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome\\_assembly\\_id=315604](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

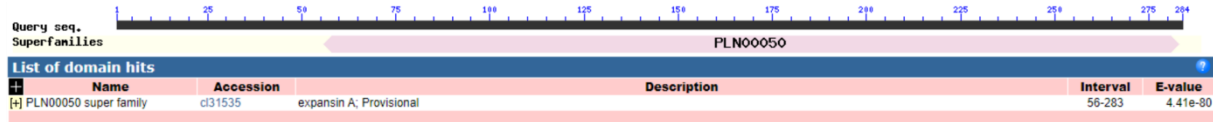
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AipEXPA-18

MASSSIILLVLVTFAIRDAHASVNSWSYAAHNNIVGRSTLAI FNHQQRPKFVSGQWM  
QAHATFYEGGSGTYGGACGYEDVVKDGYGMEIAALSTVMFKGGEACGGCYEIKCA  
SDSTQGCNNAGRGQSSIFVTATNLCPPNYNQASNNGGWCNSPREHFDLAKPTFLKIA  
QYKTGIVPVQYRRVPCKKWGGIRYTITGNPYFNLVKVWNVGGAGDVVGVQVKGDT  
KWKWIELKRNWGQKWETKAMLVGESLFRVKASDGRYSTSWHVAPKNWQFGQTFE  
GKNFK

### CDS (coding sequence)

>AipEXPA-18

AAAGATCATCATCAAGATCATCCTACATCACTATTC CATATCTCTATGGCCTCAT  
CATCAATAATATTGCTCGTTCTTGTTACATTTGCTATTCGTGATGCACATGCAAGC  
GTAAATTCATGGAGTTATGCAGCTCATAAACATAGTTGGACGTAGTACATTGG  
CTATTTTCAATCATCAACAACGCCCTAAGTTTGTATCTGGCCAATGGATGCAAGCT  
CATGCTACCTTTTATGAAGGAGGTTCCGGCACATATGGAGGAGCTTGTGGGTATG  
AGGATGTGGTTAAAGACGGTTATGGGATGGAGATAGCAGCATTGAGCACAGTTA  
TGTTTAAAGGTGGTGAAGCATGCGGTGGATGCTACGAGATCAAATGTGCATCAGA  
TTCAACTCAAGGATGCAATAATGCAGGAAGAGGACAATCCTCCATCTTTGTAACC  
GCAACAAACCTTTGCCCCCAACTACAATCAAGCAAGTAATAATGGAGGATGG  
TGCAACTCTCCACGAGAGCACTTTGATTTGGCCAAACCTACATTCCTCAA AATTG  
CTCAGTACAAGACCGGCATTGTCCAGTTCAATACCGCAGAGTACCATGCAAGAA  
ATGGGGAGGAATCAGGTACACCATAACTGGGAATCCTTACTTTAATCTAGTCAA  
GTGTGGAATGTTGGAGGTGCTGGGGATGTGGTGGGAGTTCAAGTGAAGGGTGAT  
ACGAAGCTCAAATGGATAGAATTAAGCGAAATTGGGGCCAAAATGGGAGACA  
AAAGCTATGTTAGTCGGAGAATCATTAACATTTAGGGTCAAAGCAAGTGATGGA  
AGGTACTCCACCTCATGGCATGTCGCCCAAGAATTGGCAGTTTGGTCAGACTT  
TTGAAGGCCAAAACCTTCAAATAAAATAGCAACATTAGTTTTTCGTATTTTAAGTA  
AAGCATTAAACAGTGAATTCAAGTTCCTCCTCCTTCTACATATCTTCTTAGCTTAC  
TATTGT

### Nucleotide

>AipEXPA-18

ATGATCTTGTTAAAAAATACAAATCTAGATATTATAATGGAGAAGTCTAGAAG  
TTAAGTAAATAAATCATGTATTAGAAATATCTAAGATTGGTATCTAGAAATATCT  
AGGTAAATATCTAAAAATATCTAAAATTTGGAATTATTTAGAATTAACCTATGGA  
GCCTATATATAGGCCATCATGGAGTTTGTGTGTAACCTAACAAACATATCAAA  
TTCTATTAGTCTTTGTACTCTCTCATTAACCTATCAATAATATAACTATCAAATTT  
CAAACCATTTATCTAAACTACTTATTCATCAAAACTATCCTTGCTACAAGGTTCAA  
GTCCATAATACACTAAACCAATGTCAAACCTATATCATAAAACTAACAAAGTTCTAT  
CAACCAAAGTTTAGTTTTGAAATTTTTTTGGATAAAAATAGTTTCTTAGTACCTT  
TCTTTGTTCTATTGAAATTATCTTCCTATGATTAGTATGATGATAACATGGGAAAA  
ACAATAGTAAGCTAAGAAGATATGTAGAAGGAGGAGGAACCTGAATTCACTGTT  
TAATGCTTTACTTAAAATACGAAAACTAATGTTGCTATTTTATTTGAAGTTTTTG  
CCTTCAAAGTCTGACCAAACCTGCCAATTCCTGGGGGCGACATGCCATGAGGTGG  
AGTACCTTCCATCACTTGCTTTGACCCTAAATGTTAATGATTCTCCGACTAACATA  
GCTTTTGTCTCCCATTTTTGGCCCCAATTCGCTTTAATTCTATCCATTTGAGCTTC  
GTATCACCTTCACTTGAACCTCCACCACATCCCCAGCACCTCCAACATTCACAC  
TTTGACTAGATTAAGTAAGGATTCCCAGTTATGGTGTACCTGATTCCTCCCCATT  
TCTTGCATGGTACTCTGCATGTGTTTCAATAAGCATCATAATTAGACATACATCAT  
GTGAGAATAGTTAACTTTTAAATCTCTCTTAAACACACATCTCAAACCTTTTTTAATA  
TGAAAGCAAGGTATTATTTTATTAGAGGCAATCTTATTCGAGTATTA AAAATTTC  
ATAGAAACCATGACTCTTTTCGTTATGATTACTCAACACACCTCAAACCCAAGAC  
TATTATCAATATGATTGACTAATGTGCATGTATTGATAGTTTCCTAGCATTGACT  
AATGTGAAATGTGCTTTAGGCTTATACCTATTAATATTTTTATGGAACTATATGT  
GATGTCATTTATTTTATGGAAATATTATGCACACAAAAAATCAGATACCAAATTA  
GATATTATATATTTGTGTATAAATATATGTTGTTGATTCATACACTTTTAATTTACT  
TTATATTTCAATATTATTATATAACAAGTAATTAATTTGAGGGGTAAATTTTAATGT  
ATATGTAAACCCTAAATCATATACCTAACATGGTTGATATAGAAATTATTGACCT  
GCGGTATTGAACTGGGACAATGCCGGTCTTGTACTGAGCAATTTGAGGAATGTA  
GGTTTGGCCAAATCAAAGTGCTCTCGTGGAGAGTTGCACCATCCTCCATTATTACT  
TGCTTGATTGTAGTTTGGGGGGCAAAGGTTTGTGCGGTTACAAAGATGGAGGAT  
TGTCTCTTCTGCATTATTGCATCCTTGAGTTGAATCTGATGCACATTTGATCTC  
GTAGCATCCACCGCATGCTTCACCACCTTTAAACATAACTGTGCTCAATGCTGCTA  
TCTCCATCCCATAACCGTCTTTAACCACATCCTCATAACCACAAGCTCCTCCTGCA  
ACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAACAATTGAGTTATACGTA  
TATTGTTAAGATCAAAGAGAAATACTTCTTTGTTAAACAAATGCACATATAAAA  
ATAACAAATTATTTTCGTAGCAAATAAATGTCACATGTGTTAGATACATAAATAATT  
TGTGTATTATTTATACTACTTAATAGTTTAAAGTTTTAAGATAAATAATTTTCATGAC  
ATAATAATTATTTTTGCTAGATAAATTTGATAATGCTACAATAATTAGGCTTATAT  
ATAATACTACTAATGATCATGATGTGTAATGTTGTAATTA ACTATGGATTTCTTT  
GATAAAATTGTATATTGATTAGTGGCAATGATTTATGGGTTATATATTAACATA  
CCATATGTGCCGGAACCTCCTTCATAAAAGGTAGCATGAGCTTGCATCCATTGGC  
CAGATACAACTTAGGGCGTTGTTGATGATTGAAAATAGCCAATGTACTACGTCC  
AACTATGTTATTATGAGCTGCATAACTCCATGAATTTACGCTTGCATGTGCATCAC  
GAATAGCAAATGTAACAAGAACGAGCAATATTATTGATGATGAGGCCATAGAGA  
TATGGGAATAGTGATGTAGGATGATCTTGATGATGATCTTTGATTTGGTTTTCTAT  
ATTTTCTCCGAGGTTGGTGTAGGAAATGTTGAACAAATTAATATGATTATAAAT  
ATGGGGTTTGTTTTTAAGATTGCAACTTTGTAGAACGGGTGCGAGTGCAACAACA  
CATGAGTTTTTTACTCTTAGCCACCATTTATTCATAATATAGGAACCATCCATTTG

ATTTTGATATTGTCCCTTACTCCCTATTATATCAACCTCTTTTGGTTATTCTTTAAT  
TTCTCTCCATACATGTCTTTAAATTATTTTCTTTTAGTTTAAAATATCATTATGTTA  
TGTTATAAAGCGTTGATTCCAGCAAATATTCTCACTATCAGTTAATATTTAACAG  
TCTCGTTACACATTTAATTTATTTTGACAACCAAGTTCAACCAAATTTAGTCAAAC  
TCAACAAAATCCACTCCTACAACACGAGAAATCATTTTTTTCTTCTTTTGCGCGTC  
ATTTTGCCTCTTCCTCCTTATTCTATTTGTACTACT