

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

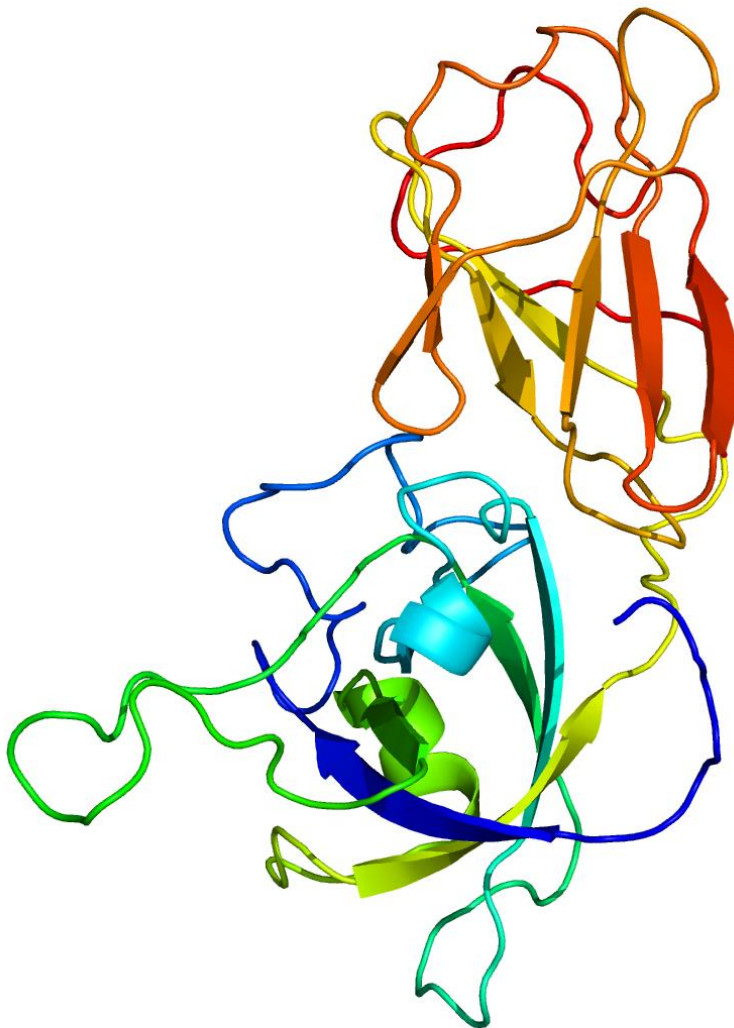
Locus: Migut.I00191

Gene Model: Migut.I00191.1.p

Description: MgEXPA-12

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

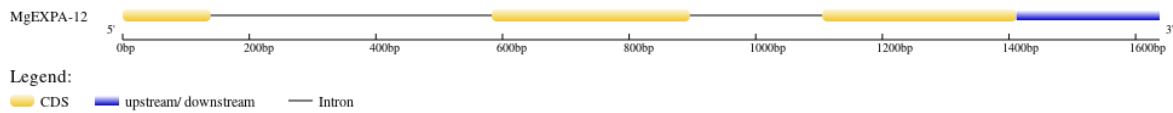
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

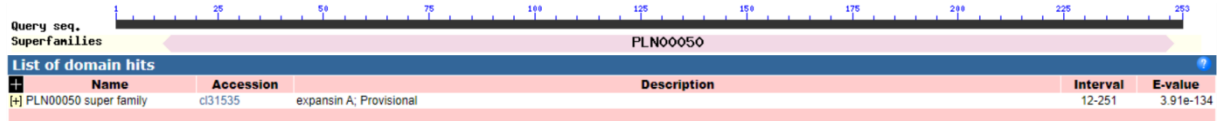
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPA-12

MGLRGFIAIACLLFLLSIIVANGGSEGWNDHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTTLFNNQSCGACFELKCVNDERWCLQSSIVVTATNFCPPNNALPN
NDGGWCNPPNQHFDSLQPVFQQIAKQEAGIVPILYRRVPCQKKGGIRFTVNGHSYFN
LVLITNVGGAGDVQSVSIKGSRTNWEPMSRNWQNWQSNNSLDGQSLSFKVTSDG
RTVECSVIPDGWSFGQTFIGGQFT*

CDS (coding sequence)

>MgEXPA-12

ATGGGATTGAGGGGTTTTATAGCAATTGCATGTTTGTTATTTCTCTTGCAATAAT
AGTAGCAAATGGCGGCTCTGAACGAGGGTGAATGATGCTCATGCCACTTTTTAT
GGTGGTGGTGTGCTTCTGGAACCATGGGTGGGGCGTGTGGGTATGGTAATTTGT
ACAGCCAAGGGTACGGTACAAACACAGCAGCACTGAGTACAACACTATTCACA
ATGGGCAGAGCTGTGGAGCTTGCTTTGAGCTAAAATGTGTGAATGATGAAAGGTG
GTGCCTCCAAAGCTCAATTGTGGTAAGTCAACTAATTTCTGCCCTCCAAACAAC
GCCTTACCGAACAACGACGGCGGGTGGTGAACCCGCCCAACCAACACTTTGACC
TCTCTCAGCCCGTTTTCCAACAAATCGCCAAACAAGAAGCCGGGATTGTGCCGAT
TCTTTATCGAAGGGTACCGTGCCAAAAGAAGGGTGGCATTTCGGTTCACGGTAAAT
GGTCACTCCTATTTCAATCTCGTCTTAATTACCAACGTCGGAGGCGCCGGTGTATG
ACAATCGGTCTCGATAAAAGGTTCAAGGACAAATTGGGAACCAATGTCTCGTAAT
TGGGGGCAAATTTGGCAGAGCAACTCTAATCTTGACGGTCAAAGCCTCTCGTTCA
AGGTCACCACCAGCGACGGCCGCACGGTGGAGTGCAGTGATGTCATCCCCGACG
GTTGGTCGTTTCGGACAAACCTTCATCGGAGGACAATTCACTTAG

Nucleotide

>MgEXPA-12

ATGGGATTGAGGGGTTTTATAGCAATTGCATGTTTGTTATTTCTCTTGCAATAAT
AGTAGCAAATGGCGGCTCTGAACGAGGGTGAATGATGCTCATGCCACTTTTTAT
GGTGGTGGTGTGCTTCTGGAACCATGGGTATGTATTTATGAATGTATGTATGTAT
GTATGTATTAATTAGTTGAAATGTTATGTTTCTCAAATAAATGAACTTGGTCAGA
AATCAGAACGCAATTTTCAAGATTTGTCGTTTTTCTTTGAAAATTTTCGACTATGG
AACAATTTATTTGTATTTTTTTTTCCATTCAAATTTGCAAATTTCAATTTTCGTT
TTTTATTTTAGTTTTTGGATCAGAATTGGAATTATTCTCGCATACAAATTAACA
ATTTAGAATTTCTATTATATAATTCAAATCCGATTCAAATTTTCATGTAAATTATC

TAAACAGTTTGCAACTTGGCTTAATTTAATATCTTTAACATTTCCAATTCGATT
TTTCTTGAATTGTTAATTAAGCCATGGAGTGAATTAAGTTGGTTAAATTGGTGGTT
ATTAATGAATTAATTAATTGCAGGTGGGGCGTGTGGGTATGGTAATTTGTACAGC
CAAGGGTACGGTACAAACACAGCAGCACTGAGTACAACACTATTCAACAATGGG
CAGAGCTGTGGAGCTTGCTTTGAGCTAAAATGTGTGAATGATGAAAGGTGGTGCC
TCAAAGCTCAATTGTGGTAACTGCAACTAATTTCTGCCCTCAAACAACGCCTT
ACCGAACAAACGACGGCGGGTGGTGAACCCGCCCAACCAACACTTTGACCTCTCT
CAGCCCGTTTTCCAACAAATCGCCAAACAAGAAGCCGGGATTGTGCCGATTCTTT
ATCGAAGGTATGATGTATAATCGTAAATATATTTATACGTATCTGCATAATTTATA
AAAATAAAATAAAAAAATACACTACTTTTCTTTTTTTGGTGTAGTACTGAAGGA
ACCAGCAGCTATAACTAGCTAACTGTATAGGTGCAATGGAAAAAATTACACTACT
TTATATTTATGGCGGCTCAATATTTTTGTGTATTTTACATAAATGTGTAGGGTACC
GTGCCAAAAGAAGGGTGGCATTCCGGTTCACGGTAAATGGTCACTCCTATTTCAAT
CTCGTCTTAATTACCAACGTCGGAGGCGCCGGTGATGTACAATCGGTCTCGATAA
AAGGTTCAAGGACAAATTGGGAACCAATGTCTCGTAATTGGGGGCAAATTTGGC
AGAGCAACTCTAATCTTGACGGTCAAAGCCTCTCGTTCAAGGTCACCACCAGCGA
CGGCCGCACGGTGGAGTGCAGTGATGTCATCCCCGACGGTTGGTCGTTCCGACAA
ACCTTCATCGGAGGACAATTCACTTAGAATAATCTATTTTCGATATTAATATAGG
AAATTGCACGTACGTGTTTTTTTTGAACGCTACGTGAAATAAATTAGGGTTGAGAA
TTGGAAGAGCTTTATTATTACATAAGCTCGAACCAATTTGGGTGTTTTTCATAATG
TTGATGAAGTGTATTTATGTCTTGGTCTTTCTTTTAATGTAAGATTTAAGACAGATA
TTTTGGCAGTGATTTAGGTTCCGGGTGAATTC