

IDENTIFICATION

Species: *Phalaenopsis equestris*

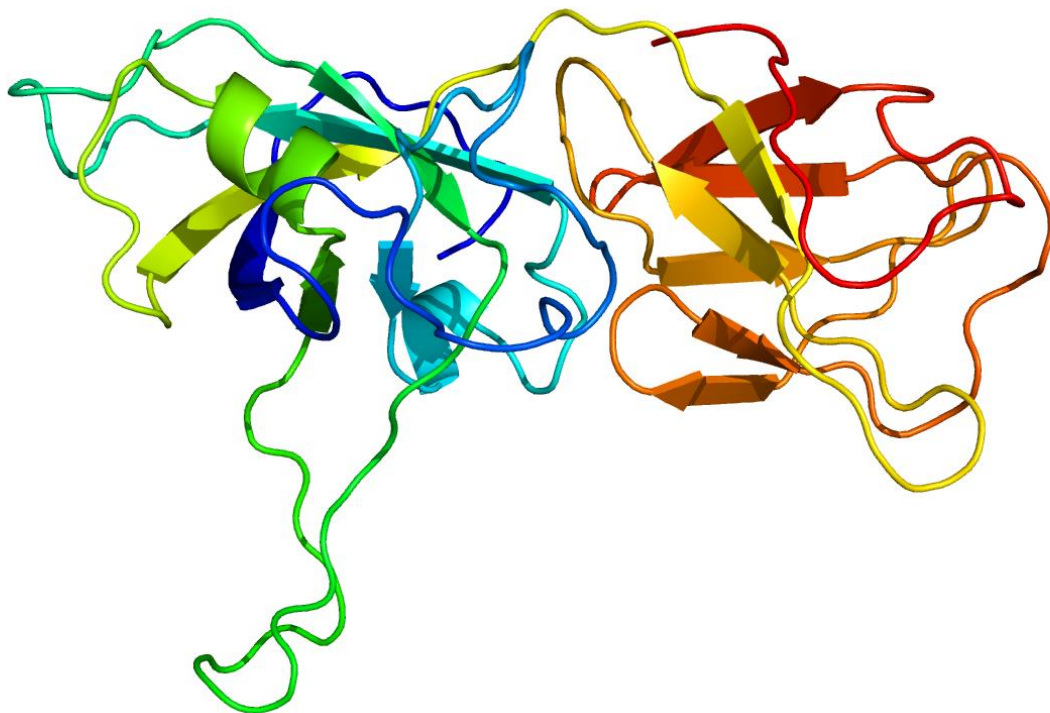
Locus: XP_020598607

Gene Model: XP_020598607.1

Description: PeqEXPA-01

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

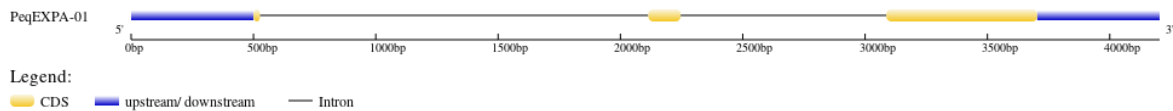
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Phalaenopsis+equestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05601>

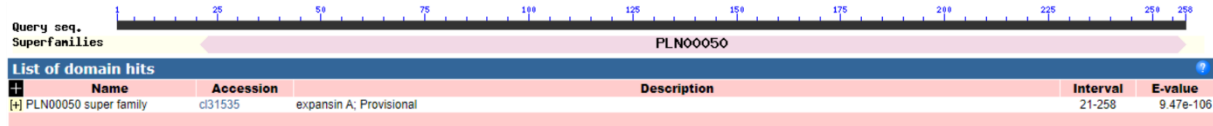
EXTERNAL RESOURCES

http://orchidbase.itps.ncku.edu.tw/est/Phalaenopsis_2019.aspx

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PeqEXPA-01

KTLILYPLFMNLFILCLSFIFLSAVRPIGADHGGWDTGHATFYGAMDGGETMGGACG
YGNLFEQGYGLETAALSTALFNSGLSCGACFQILCFNDKQWCAPGYITITATNFCPPN
YAKPNDNGGWCNPPLKHFDLSMPMFVRITKDYHAGIVPVLFRFVPCHKKGGIRFQM
QGNQWTPFVILNVGGAGDVREVWVKGGGGWSAMTRNWGQVWQTSEKLVGQTVS
FSVTTSDGRTVQSLNVVPPNWQFGQTFEGSQF

CDS (coding sequence)

>PeqEXPA-01

AAAGACTTTAATACTCATATACCCCTTGTTTCATGAATCTGTTTTTGATTTGTCTTTC
TTTCATCTTTCTCTCGGCTGTTAGGCCATTGGCGCTGACCACGGAGGATGGGATA
CAGGGCATGCCACCTTTTATGGTGCCATGGACGGCGGAGAAACCATGGGTGGAG
CTTGTGGATATGGCAACTTATTTGAGCAAGGCTATGGCCTTGAAACCGCCGCTCT
GAGCACTGCCCTTTTTAACAGCGGCCTCAGCTGCGGCGCCTGCTTCCAAATACTA
TGCTTCAACGACAAACAATGGTGCGCTCCCGGCTACATCACCATAACCGCCACCA
ACTTCTGCCCTCCCAACTACGCAAACCCAACGACAATGGCGGTTGGTGCAACCC
TCCCTTAAACACTTCGATCTCTCCATGCCAATGTTTCGTTAGGATCACAAAGGACT
ATCATGCCGGCATCGTCCCTGTCCTGTTCCGCCGCGTCCCTTGCCATAAAAAAGGT
GGGATCAGGTTCCAGATGCAAGGGAACCAGTGGACGCCATTTGTTATTATCCTCA
ACGTCGGCGGCGCTGGGGATGTTAGGGAGGTTTGGGTGAAAGGGGGAGGTGGGT
GGTCGGCAATGACCAGAAATTGGGGACAAGTTTGGCAGACCTCGGAGAAGTTAG
TAGGACAGACTGTTTCGTTTTTCGGTGACCACGAGCGACGGGCGGACCGTGACGTC
GTAAACGTGGTGCCGCCCAACTGGCAGTTTGGTCAGACTTTTGAGGGTAGCCAG
TTTTAG

Nucleotide

>PeqEXPA-01

ATTGAATCTTCTAGAAGGGTAGTTACTGGCACATAACGCTAGTCTGGGTGCTATA
TCTCTCATTACGCCCGTCTTTGGCGCTATAGCGCTAGGGTGCGGCGCTGTGGCGCC
ATATAAAATGCTCCAATTTTGCTCATTTTTCTCTTATTTTCTCTAAATGTCCATTTT
ATATAGCTGAAACAAAAACATGCAAATATCTTTCTTTAAAGTGCAATATAACT

AAAAACAAGTATAAAAATGATCATAAAAATAAGCACTAAAAACGGGTAATTTTAAG
GTGGATCAAAGAGTCCTTATGTAGGACAAAGGAGGAATAATGTATGAAGACTAG
GGACGAAGAAAAGTCATGTTTACTCAACAAACACACAATAAACACCCATGTAAC
CATTATGTTATTTTCGTTTCGCCAATGCTGAATGAAGGATGTGATGCAAAAAAATT
GAAAGCTTCCTAAGCCGATTAATTCAGTATATTGTCAAGGCTTTAATCTTTAATTG
TAAGAAAGACTTTAATACTCATATACCCCTTGTTCAAAAGATAGACAACATATGT
AATTATTTATTTCAAGTATCTCCTATGTCTATAAATAGAGGATCCTTTAATGAATG
AAGAGTTACATACTCTCCCTCTCATTCTTCTCCTATGCTATAATTCTTTGGGCATGA
TTTAATGAACAATTTAAGATTCAACAATCCTAGATAGAATTAATGCCTTCATGAA
CTTTCCAAAAGTTGAAAAATTGAAGTTTAATCATAGCAATAATTTTATTTGTGTCT
TTCAGATGCCACCAGTTAATTATGTGACAATGTTTCATTGCACTTTTTTATCTTAC
AACACTTCATCTTAAAATTTAGAATAATAATCGATGTGCGAGTAATAAAATATTC
ACTTGGAATTACCTTACAGCCTTTACATTCTTGATGATCTCTTTTTTTTCATTAGAAA
ATAATCAATTTGTGTTCTATTTGATCCACTCTTATAAATATTAATAATGCTCATCTC
TTTTCTTGAAGAAAATATTAGTATCAACAAAATCATAAGCTTAAGCAAAATCTAA
TATCATAATACCTTCTTCATTAATAAAATCTAAAACCATTGTCACCATGAATATTC
TAAAATCTTCTATAATTATACAGACATACCCATTTAAAGCTCCCCAAAAGTTAGTT
TAAATCTAATATTAGTTTCATTGACTAACTTCTTCGCATACATCCATCAATAATAT
GCAAACATTTGCATATTTGACACTACATCTGGGCAATGGTGTAGCGACACTTGTA
GACTTTTTATAGTTTTTCAGGTCACAAATCACATTTCTTCTGGAACGCTGTAGCT
TTTACATAATTATTTAAGCGATTTCATGTCATGATTTTTTAAACAAAATTTTTTGC
TCGTTGTTAAGAAAATTCTTGAGAGGCGAATGCCATCCGTGACACCTCCCTTGA
TTCCACCCTGCACTTAGACGATGTTTTATTGTTGTTCCAGCATTGAATTATATCC
TCAATTGTAATCTTTTTGAAATCTTTTTGAATAAACTCAACCCCTTATTCTGAAGC
CATTCCATTCAATTATTTGTGAAGTATTTTTTGATCGAGATATATGTGCATTGTATA
ATAAATATGTAAGGATATAAAGCATAAAATAAACTTTTATAAGGATGTACCAATG
CAACATAAATGAACATCTACATATATGTCTGCAAAGATATAAGCATATCGACCAG
CATAAAATATATGACAGCACGGTCCCAGGCACAGTTCAGTATGCCCTTATTTCA
ACTTCACTATGACTTCAAAACATAACCCAAATAATATATTTATTTTCCAAGTTAACA
AAGATGAAATGAAATAAATGGAATAAAATTTCTTAATATTATAAGGATTAAGAA
CTCATAAACATTCCTCCTATACCCAGCCAAAATTTTTCATCTAAGCTAGGATTGT
TAAGTATACTTTACCAAATTATATTAATTACACTAATTTTAGAAGGAACTAA
AAAGGAATTAGAGAAGAGCTGGCACATTGTTCTTATAAAAGCCAGTCGCTTCTCT
CTGTTTTTGAAGTGCCGAGGAGAAGAAAAGAGGAGGTGCTATTTTCGGGAGAGAA
ATTAAGCAATGAATCTGTTTTTGATTTGTCTTTCTTTTCATCTTTCTCTCGGCTGTTA
GGCCATTGGCGCTGACCACGGAGGATGGGATACAGGGCATGCCACCTTTTATGG
TGCCATGGACGGCGGAGAAACCATGGGTTAGCCTTTCTAGTACATAGCAGCCTTT
CTCTAATATACAAATTACGTTCAATTAGTTCGAAAGTCATAAGAATATTATTGTTTA
TTGTGTTGATATTGTTTGCTATGTTCAATTCAGCCAAAAGCTCTCGAGTTATAATG
AATGTTATACTCTCGTTTCTGTTTCTTAATTGAATTTTTTATCGTGACAGTAAAT
AAAAATTTATCATAATAATAAAATTATGCTCAAAATTTTTTATGGAATTTTCCGT
CATGAATTTGCAGCTATAATTGATTTGTGCTATTAAGGGCCAATGGCCGGCTTAG
AAAATACTTTTCTTCAACCTGGCCTCATAATTTTTAGTAACTACAAAAATCTTT
TATGTATATATATATATACATATATATTTTGAACCTTCGGCATATAGCACCTAGA
GATACATGCCATTCTTTAAGAAAATTTGAACAATAATGCAAAGCATAAGTATGAT
TGATTGATGCGTTCAAGGATTTTTTTTTAATTTTTTGAAGTATAAACTCGAAGCA
AAAATTTAGATAATCTATAAAATATTCGACATGTGGAACATAGTAATAATTTCTC

CTACGAAATGGACATTTTTCTAATATAAACAAGTTAAAACCAGTCTACAAAAGAG
AGCATAAAATCATGCATCCGCCAAAACCTTACCTAAAATTCAAAAAAAAAATAAT
AATGTGCCGCACGTTTACGGAACTTCTATTTTTTATGCCACAAAAGGCAGTAC
TTATACTTGTAGAATTGGTTCAGGTTGATGGATCCAAATTCCAGATCTAACATATC
CATATGTACGTGGCTTTATTGTTTGCCATGCAGGTGGAGCTTGTGGATATGGCAA
CTTATTTGAGCAAGGCTATGGCCTTGAAACCGCCGCTCTGAGCACTGCCCTTTTAA
ACAGCGGCCTCAGCTGCGGCGCCTGCTTCCAAATACTATGCTTCAACGACAAACA
ATGGTGGCCTCCCGGCTACATCACCATAACCGCCACCAACTTCTGCCCTCCCAAC
TACGCAAAACCCAACGACAATGGCGGTTGGTGCAACCCTCCCTTAAAACACTTCG
ATCTCTCCATGCCAATGTTTCGTTAGGATCACAAAGGACTATCATGCCGGCATCGT
CCCTGTCCTGTTCCGCCGCGTCCCTTGCCATAAAAAAGGTGGGATCAGGTTCCAG
ATGCAAGGGAACCAGTGGACGCCATTTGTTATTATCCTCAACGTCGGCGGGCGCTG
GGGATGTTAGGGAGGTTTGGGTGAAAGGGGGAGGTGGGTGGTTCGGCAATGACCA
GAAATTGGGGACAAGTTTGGCAGACCTCGGAGAAGTTAGTAGGACAGACTGTTT
CGTTTTCGGTGACCACGAGCGACGGGCGGACCGTGCAGTCGTTAAACGTGGTGCC
GCCCAACTGGCAGTTTGGTCAGACTTTTGAGGGTAGCCAGTTTTAGTTTAAACAA
CCCTAATGAATATCATTGAGATATATATATATATGNNNNNNNNNNNTATATATA
TATATTATTATGATCTACTGAGCATAATGTGTGCGTATAATGTAAGGGAAAATAT
AGAAAGAAAGCAAAAAGTTGACTGGTTATTTTAAAAAAGGTTGCATTGGTTAAGT
ATAGAGAAAATCGCGTTGACTTATGATTTCAATTGAATTTTATATGGCATTACAT
ATTAGCGGAGTGCTAATAAGGGAGAAATCAAATTTGTGTTTCCAAGTTTCCACT
TTAAAAAATGTCATATAACAACGTGTCATTCTATTTATGCGAAAATTCCTATTTA
TGAGTGACTGTATTTAAAGCAAAAACATGCCGGCAATTGAGTATAATTGTTGAC
TAGAGAAAAGAACAAGAGAGGATGCTTCGTTATAGGACGCGCGAATTAATTTAT
TAGTCGTTTCTGGAGTAATTGGAAAAGGTGTTGACTCCCAAGTGCAAAAAG