

## IDENTIFICATION

**Species:** *Amborella trichopoda*

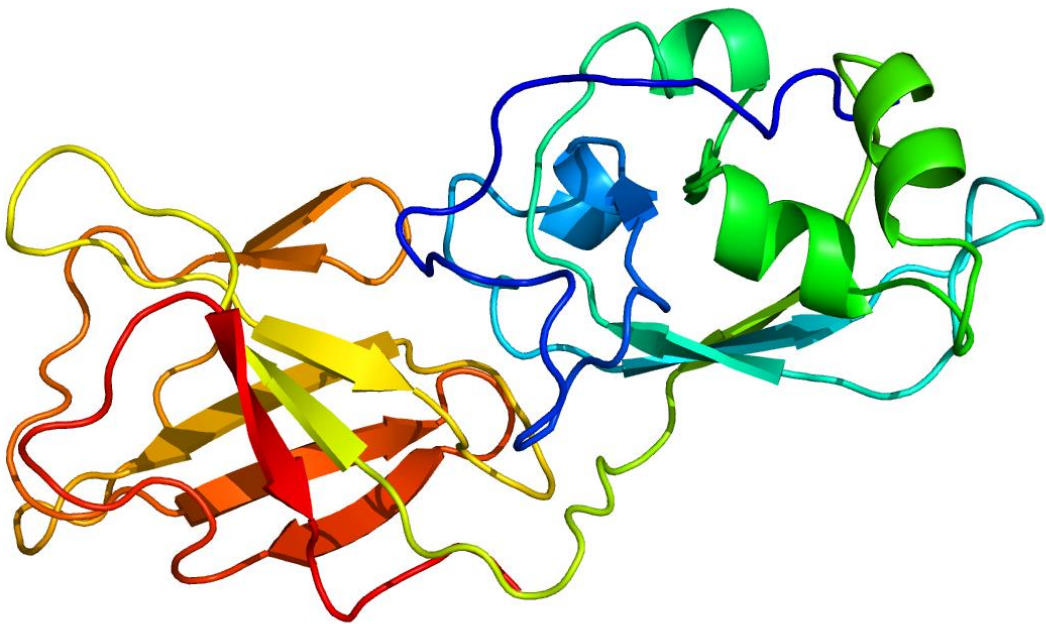
**Locus:** evm\_27.model.AmTr\_v1.0\_scaffold00009

**Gene Model:** evm\_27.model.AmTr\_v1.0\_scaffold00009.394

**Description:** AtrEXPB-01

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

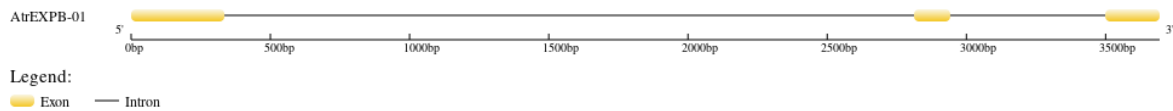
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Atrichopoda\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Atrichopoda_v1_0)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T02990>

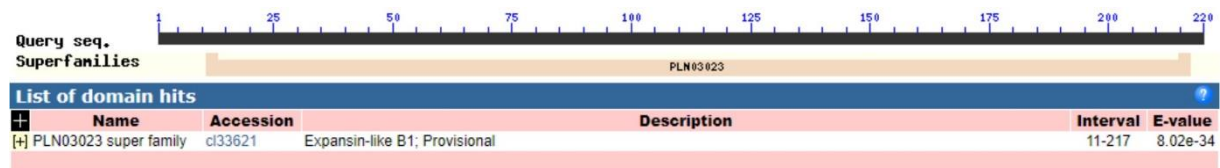
## EXTERNAL RESOURCES

[https://plants.ensembl.org/Amborella\\_trichopoda/Info/Index?db=core](https://plants.ensembl.org/Amborella_trichopoda/Info/Index?db=core)

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AtrEXPB-01

MHLCALFCEGGACGYGTLVDVRPLKARVGA VSPVLFKAGEGCGACYKVKCLDTNM  
CSRRAVTIIVTDECPGGYCSGGKTHFDLSGS AFGRMAVAGNGGSLRNRGEIPVIFRRT  
KCKYPGKNIAFHVNEGSTEYWLSLLVEFEDGDGDV GSMQIKEAGSGTWLQMSHLW  
GATWCFVGGPLSGPLSVKITTLSSKRSL SARVIPRNWSPKATYTSRLNFF\*

### CDS (coding sequence)

>AtrEXPB-01

ATGCATTTGTGTGCTTTGTTTTGTGAAGGTGGAGCTTGC GGCTATGGAACACTTGT  
AGATGTGAGGCCACTGAAGGCTCGAGTCGGGGCGGTGAGCCCGGTCCTCTTCAA  
GGCTGGCGAGGGCTGCGGCGCCTGCTACAAGGTGAAATGTCTCGACACGAACAT  
GTGCTCGAGGCGGGCCGTCACCATTATCGTCACCGATGAGTGCCCGGGTGGATAC  
TGCTCCGGCGGGAAGACACACTTCGATCTGAGCGGCTCCGCCTTCGGGCGCATGG  
CCGTCGCCGGGAATGGCGGTTCACTGAGGAACCGAGGCGAGATTCCGGTCATTTT  
CAGGAGAACCAAGTGCAAGTATCCAGGAAAAAACATTGCCTTTCATGTAAATGA  
GGGATCAACAGAGTATTGGCTCTCACTATTGGTTCGAGTTTGAAGACGGGGATGGT  
GATGTTGGATCCATGCAGATCAAAGAGGCCGGTTCAGGGACATGGTTGCAAATGT  
CTCATTTGTGGGGGGCAACCTGGTGTTCGTGGGGGGTCCACTTTCAGGTCCCTTG  
TCTGTGAAAATAACGACTTTATCAAGCAAAGAAGTCTCTCTGCAAGGGACGTTA  
TTCCCCGTAAC TGGTCTCCCAAGGCCACTTACACTTCTCGCCTTAACTTTTTCTAA

### Nucleotide

>AtrEXPB-01

ATGCATTTGTGTGCTTTGTTTTGTGAAGGTGGAGCTTGC GGCTATGGAACACTTGT  
AGATGTGAGGCCACTGAAGGCTCGAGTCGGGGCGGTGAGCCCGGTCCTCTTCAA  
GGCTGGCGAGGGCTGCGGCGCCTGCTACAAGGTGAAATGTCTCGACACGAACAT  
GTGCTCGAGGCGGGCCGTCACCATTATCGTCACCGATGAGTGCCCGGGTGGATAC  
TGCTCCGGCGGGAAGACACACTTCGATCTGAGCGGCTCCGCCTTCGGGCGCATGG  
CCGTCGCCGGGAATGGCGGTTCACTGAGGAACCGAGGCGAGATTCCGGTCATTTT  
CAGGAGGTGATTTTTTTTCTTCTCTCTCTAGACATGGTTTTGAGGTGTTTGTTTGAA  
AAAGGTTGGGAGTGAGTTCTCTGTTTTTTTTGGTGGTAAATTTATTTATTTATTTT

GGTTTTCTATTTTCTTTCTTGGTTTAGTAATGTATTATGTTCCCCAAAATGGTTTTT  
CGTTGTCGAGTTTTCACTTAGTTTATTTGGTTTTCTTTTTACTGTTAATTTTTCTGA  
TTTATGTTTTTTTTATTTATTGATTTTTCCAAATTTAGCTTATTCCATTTGGTTTTAT  
GGTTTTTTGGGTAATAATTTTTCCAATTTTTTTTTAATTTCCCAGTTTATTTGGAT  
TTTTATTATAATTTTCCCATGGTTTATTTGTGTTTCTAGTAGAAAATTTTCTACT  
TTATTTGGTTAATTTTCCCTAGTTTATTTGGATTTTTATTTATAGTTTTCCCATGATT  
TATTTGTGTTTTTAGAAGCAAATTTTCTACTTTATTTGATTTATAGGGTTTCTTGA  
GTTTTTGACCGAGAATGCTAATTTGGTTTTCTAGGGGTAATTTTAAATTAATTAT  
TTAGATATAAACTGTATTTGGGGCCACTTTTTAGTTAGGTTTCTTAAGATTTTTATT  
ATATATTTTCTCATAGTAATTTTTTTTTATTTAGAACTTTTTGTTTAGGTAATAGG  
AATATAGCGAATTTTCTAAAGTAAGAAGAAAAATAGCAAAGTCTCTCCTATTTGA  
TGGCTAGATTCTTGTCAATTAATTTGGTGAAGTGGTTTTGTTGTGTGTGTGTGTGT  
TTCTTTTTGGTTTTACAATTTTTTTGAAGGGTGCAGCTGGCATAACGAATTCATCTG  
TAGCTGTAGAGCTAAGGTGCACATTCAAATTAATTTTATCATGATATATAATTTT  
GATGTAAAATATTTTTAGGATTATCTCAAATCTATTTTTATGTTTAATTATAAAA  
TTTTAAATTTCAAAAATGGTTAAACTCAAGTAGATCTATAAACACATGAAAATCT  
TGAAAATTGATGGTGTAGATAATATGTTGTAAAATACACTATTTTTTATACTTAAA  
ATCCTTTTTATTTTTCGTGGCCATACATCTCAACATCGAGATGATCAATCAAAGGGT  
TTTTCAACATTAAAAACCTTTCCGATGGAAATTTTGAGGTGTATCCATAGTTT  
TACCTTATAAGGTTGCATCCTTATACAACTTTTTCTTTTTTTGAAACTCCATAAC  
AAACGAAGTCAAAGGAAATTTGTCTGAAGATGAACTATTTGACATGTCACTTTTT  
TAATTTTATGTAAAAGAATTTTCACTCTCAAGACACATGAGCATGAAGACATATAAT  
CATGTGCAATCATGAGCTAATATATAAGTTCAACCCTACGAAGTAAGTAAAGCAT  
CACCTCATAACTTATCAATGATTACAATTCAAGTATCGGAAAGCTTTTACATCATC  
TCGACTCAAACATTAAGTTATAAAAAAAAAAATTAGATTTCAAGCTCTAAAAATAG  
TGTATGTAATAACAAATTATTTAAACCATCCATTTTACCCTAGAAATAAGTGTTCA  
CATATGAGAAAGATTTGTACCATTTTTTTTAGTTTCAAAGTTTATTATTGGTGTGA  
AAATTGATTTTAGAGCCAACATAGAGATTTATTTGCCTAAAGGTTTTTTGGGGAT  
TTGAGGTGAAGCTTTATTTTGTTTTCGTAAAATCCTAGACGGTATAGAAACCTCAT  
CCTTTAATAAAAATTTCCCTTAACTAATTATTTGTACTTGTAGGCTTATTATTATAA  
ACTTTTCCACCATTATGGCTAGAAAGTTCTTACTCATTGTTTATGGGTGCGGTTTC  
AATAAGGTTACAACCTTAAACAATCCAATTAAGGCGCACTTCTAAATTTTATTAT  
AACATGTAATTTTGGTATAAAAAGTTTCGTAGGATTATCTAAAAATGGTATTTTCAT  
ATCTAATTATAAAAATTTTAAACTCCAAAATAGTTAAAATCATGTAAATCTATAA  
AAAATGTGAAAATCTTGAAAATGGACGGTCTAGATAATGTGTTGCAAGATGCACT  
ATTTTTACAACCTTAAAATATATTTTTTTAACATATTCATATATCTTGATGTCAAG  
ATGATCAATTAGAGGGTCTTTCAACATTAGAATAACCTTTTTCCAATGGATTTTTG  
TGGTGCATATGTATTTCTACATTTTAAAGTTGCAACCGTATATAAACTTTTCCTTT  
ATTTATTTATAACAATATGACTATTTGATTTTTTAAGTCATCATCACCGTTGCCTTTGA  
ATGTGAAATTGTGCGGTTAAACTTGAAGTCTTAACTTAAAATTATAACTTGAATTC  
CGTGACACATTTTAAAGGTGTAAAATTTACATCTAACAAATTATGGTAATTACAAC  
TTTATTGTACCAAAGTAGATGGTTCGAAAGAGTATAATATTTCTATTTATTTATT  
TTATTCAACAGAACCAAGTGCAAGTATCCAGGAAAAAACATTGCCTTTCATGTAA  
ATGAGGGATCAACAGAGTATTGGCTCTCACTATTGGTTCGAGTTTGAAGACGGGGA  
TGGTGATGTTGGATCCATGCAGATCAAAGAGGTATGTTCACTTCGTTGTTATTGG  
AAAAAGGAAAGCATTCTATTTTCCCTCCACACATAATTTTACATATATTTTATGTG  
CTTAGAGACCCACATATGTCTAACAGTTGTAGTTGAAGGTGAGTCGAAAACAAT

GATACATAACTATGCTACTCAACCATAACTAATATGTAAAATTATTATCAATTTAC  
TCTTAGATTTTTTTTATTAAATATATCCCCAAACATATATAAATTTAGAGTATAAGT  
GTGTGGAGTCTCATGAAAAATCTACCAAAAATTCCTTTACTTTGTTTCAGTATTT  
CAAAATCTTGGTAAATGTGGTAGATCCTTCACCCACAAATAATATAAAGTCGTA  
ACTAATCTTTCTAATCAAGCAATCGTTTTTTTTACTAAATGAGTAAGCAATTATCA  
TCATCGTTTATTTGATCCTTATCACAATTATTTGAGCTTGATTACACGAATCTTAA  
TTTTAACATTTATGAAACAAATGTGGCTAAAATTTTAAGGGGCATGGAACCTAAC  
ACAACCATTTTTTTTTTTTTGTTTTTTGTGCAGGCCGGTTCAGGGACATGGTTGCAA  
ATGTCTCATTTGTGGGGGGCAACCTGGTGTTCGTGGGGGGTCCACTTTCAGGTCC  
CTTGTCTGTGAAAATAACGACTTTATCAAGCAAAAGAAGTCTCTCTGCAAGGGAC  
GTTATTCCCCGTAACTGGTCTCCCAAGGCCACTTACACTTCTCGCCTTAACTTTTT  
CTAA