

## IDENTIFICATION

**Species:** *Lactuca sativa*

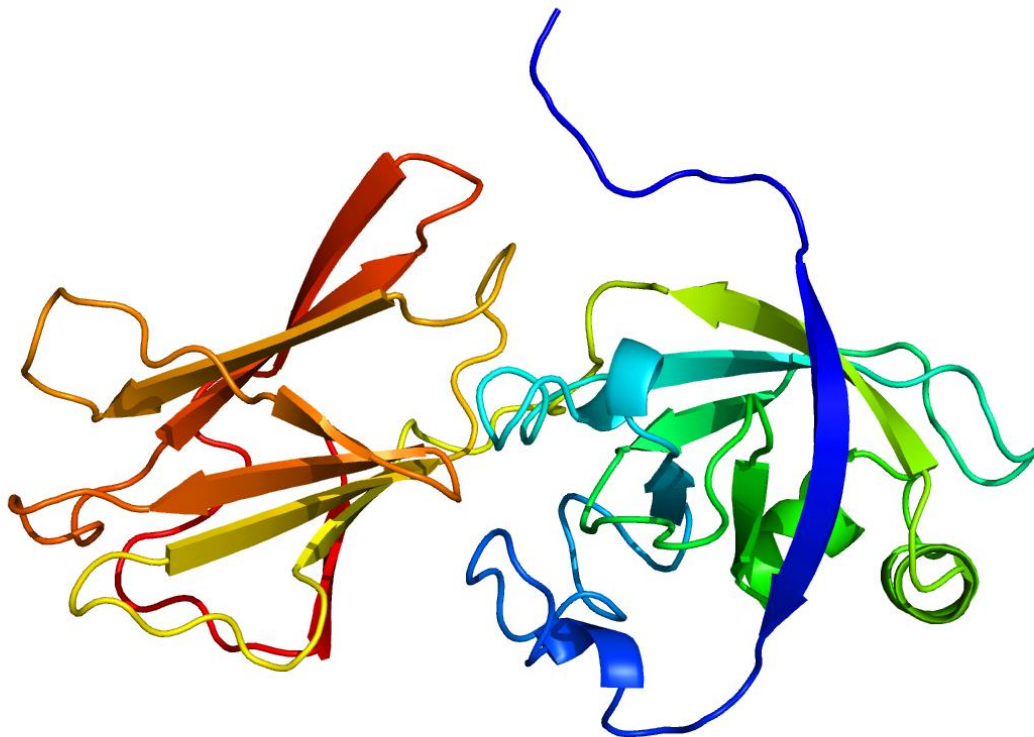
**Locus:** Lsat\_1\_v5\_gn\_8\_121820

**Gene Model:** Lsat\_1\_v5\_gn\_8\_121820.1

**Description:** LsEXLA-03

**Family:** Expansin Like Alpha

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Lsativa\\_V8](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Lsativa_V8)

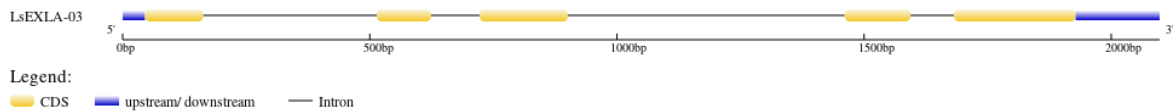
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05352>

## EXTERNAL RESOURCES

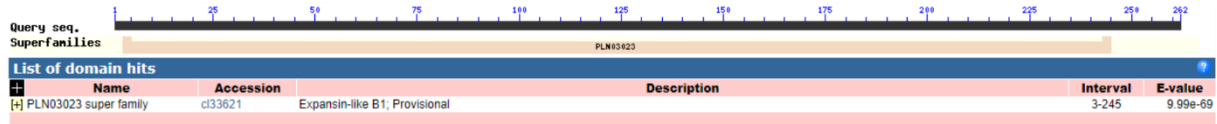
<https://lgr.genomecenter.ucdavis.edu/>

<https://www.lettucegdb.com/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>LsEXLA-03

MGFFYLFFLLISISSTTNACDRCLHQSKAAFFSKASSLSSGACGYGSSAASFYGSHLAA  
AVPSLYKSGSGCGACFQVRCLDSKLCSTGTQVIVTDENKNNETDFVLSGRAFMAM  
ANKNMGKNLLKVGVANVEYRRVPCDFKGNFTVRVEESTQKPNYLALKFLYQGGQ  
TEIVAADIAQVGSSSWTYLTRSHGAVWDTSRAPAGALQLRLVVTSGYDGKWIWAQS  
VLPADWKIGGVYDSGVQIDDVAQEGCGECDEQIWN\*

### CDS (coding sequence)

>LsEXLA-03

ATGGGATTCTTCTACCTCTTCTTTCTTCTCATTTCATTTCCATTTCTCCACCACAAATGCT  
TGTGATCGATGCCTTCATCAAAGCAAAGCTGCCTTCTTCTCCAAAGCTTCTTCTCT  
TTCTTCTGGAGCATGTGGGTATGGTTCCTCTGCCGCTAGCTTCTATGGTAGCCACC  
TTGCTGCTGCTGTTCCCAGCCTTTACAAATCCGGGTCGGGTTGTGGTGCTTGTTC  
CAGGTGAGATGTCTGGATTCTAAGCTGTGTAGCAAACCGGAAGTCAAGTGATAG  
TAACTGATGAGAATAAAAACAATGAGACAGATTTTGTGTTGAGTGGTAGAGCTTT  
CATGGCCATGGCTAATAAGAACATGGGCAAAAACCTTGTGAAAGTTGGCGTTGCA  
AACGTGGAGTATAGAAGAGTACCATGTGATTTCAAAGGCAAGAAGTTCCTGTA  
AGAGTTGAAGAATCGACTCAAAGCCTAATTATCTTGCCTCAAATTCCTATAACC  
AAGGTGGTCAAAGTCAAATCGTTGCCGCTGACATTGCGCAGGTTGGTTCGTCAAG  
CTGGACTTATTTGACCAGAAGTCATGGGGCTGTTTGGGACACCAGTAGAGCTCCG  
GCGGGTGCCCTGCAACTCCGGCTGGTGGTGACCTCCGGCTATGACGGAAAGTGGA  
TTTGGGCCAGAGTGTGTTGCCGGCTGACTGGAAGATCGGAGGTGTTTATGACTC  
CGGCGTACAGATCGATGATGTAGCTCAAGAAGGATGTGGTGAATGTGATGAACA  
AATATGGAATTAA

### Nucleotide

>LsEXLA-03

TTACCTTCTTATTCTTCTTCTTCTTCCAAACACACACTAAACTAAATGGGATTCTTC  
TACCTCTTCTTTCTTCTCATTTCATTTCCATTTCTCCACCACAAATGCTTGTGATCGATGC  
CTTCATCAAAGCAAAGCTGCCTTCTTCTCCAAAGCTTCTTCTTCTTCTTGTAAAGAA  
ACTTTTAATTATATCATCTTCTTTACTTTGTAATGGATGATCAATTTGATCACGAC  
CCATATGGATTTGCAATTGATATAATCGATTATTAGATTGACCCAGAAAAGATTT

CTTGAAATAAACTTGTGGGTGTTCAAGAACCGACGTTTTTTTAAATAAAATTTTGCTG  
TAAAAATTAGTCTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTAATTAATGAGTGAATCACTTTCTTG  
ATGATCATCGATTATGACCCAACCTGCTTTTTTAATTGCAAAAATTAATTTTGAGAT  
CGACCCAGATAAATTTCTTGACATAATTTAATGGGTATTAATTAATTTCTGATAT  
TAATGCAGCTGGAGCATGTGGGTATGGTTCCTCTGCCGCTAGCTTCTATGGTAGC  
CACCTTGCTGCTGCTGTTCCAGCCTTTACAAATCCGGGTCGGGTGTGGTGCTTG  
TTCCAGGTTCCGGAATTCTTATATTTACATTCTTAGCCTCGGTGTTTAGCATATTGT  
TTGTGTGAATTTGTATGTTGAATTGGGGGTATGGATGTAATTTTGCAGGTGAGAT  
GTCTGGATTCTAAGCTGTGTAGCAAACCGGAACCTCAAGTGATAGTAACTGATGA  
GAATAAAAACAATGAGACAGATTTTGTGTTGAGTGGTAGAGCTTTCATGGCCATG  
GCTAATAAGAACATGGGCAAAAACCTTGTTGAAAGTTGGCGTTGCAAACGTGGAG  
TATAGAAGGTGAGTTTGAAGCAATTGGTACAATAATATATGCAAAATGTACAAGT  
CTTTTTGAGTCTTGGTTGCACTTTGTACAATCATAAATACATAAAGTACAACCCTT  
TTTAAGGTTTAGTTGCCATTGATAGTTTGGTAGAATCATGCATAGTTAAAATACAT  
GCACAATGAACATCTCTTTTTTAGTCTATATGGCTCATGGTATAATCATACTTGCA  
TAAAGTACAACCCTTTAACGATGCATAACTATAAAGTACAACGTTTTCTAGTTTT  
AGTTGCCATAAAAGTACAACCTTTTTGAGTTTTAGTTCTATTTGGACAATCATAACC  
TATATGCATAAAGCAAACACCCCTTTAGTTTTAGTTGACATTGGTACAACATGTAT  
AAATTGTGACTTCTTTTAATTTTAGTTATCATTGATTATCCCATTTAAAGTTCACTC  
TTGCTTAAATGTAACCTTTTCAAATTGTATTTAAAAAAAACAATTTCTATTCCATA  
ATAATACGTTTCATAATTGTTTTACTTCAAGTTTTTTTTGACCTGATTTTCGTCTCCCTT  
AAAACAGAGTACCATGTGATTTCAAAGGCAAGAACTTCACTGTAAGAGTTGAAG  
AATCGACTCAAAGCCTAATTATCTTGCCTCAAATTCCTATAACCAAGGTGGTCA  
AACTGAAATCGTTGCCGCTGACATTGCGCAGGTTAGTCACAAGCCATGCATCACA  
AGTTGTACAATCATGCAATACACTTGTACTTTCCCTCTAATTCATGGTTTTGACTTTC  
TTCTGTAGGTTGGTTCGTCAAGCTGGACTTATTTGACCAGAAGTCATGGGGCTGTT  
TGGGACACCAGTAGAGCTCCGGCGGGTGCCCTGCAACTCCGGCTGGTGGTGACCT  
CCGGCTATGACGGAAAGTGGATTTGGGCCAGAGTGTGTTGCCGGCTGACTGGAA  
GATCGGAGGTGTTTATGACTCCGGCGTACAGATCGATGATGTAGCTCAAGAAGGA  
TGTGGTGAATGTGATGAACAAATATGGAATTAACTTTTTTTTTTTACACAAAATGTT  
AAATTGGGTTATAAGTTAATGATATAGAATTCACAGTAAAATAAAATTATATTGT  
AGATGGAGTAAGTAAATCTTGTGGAGTAGATGATATATTAGGTCCGATCGAGTTG  
GAGTTAACAAATGTATGAACTTATTATTACATGATAT