

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

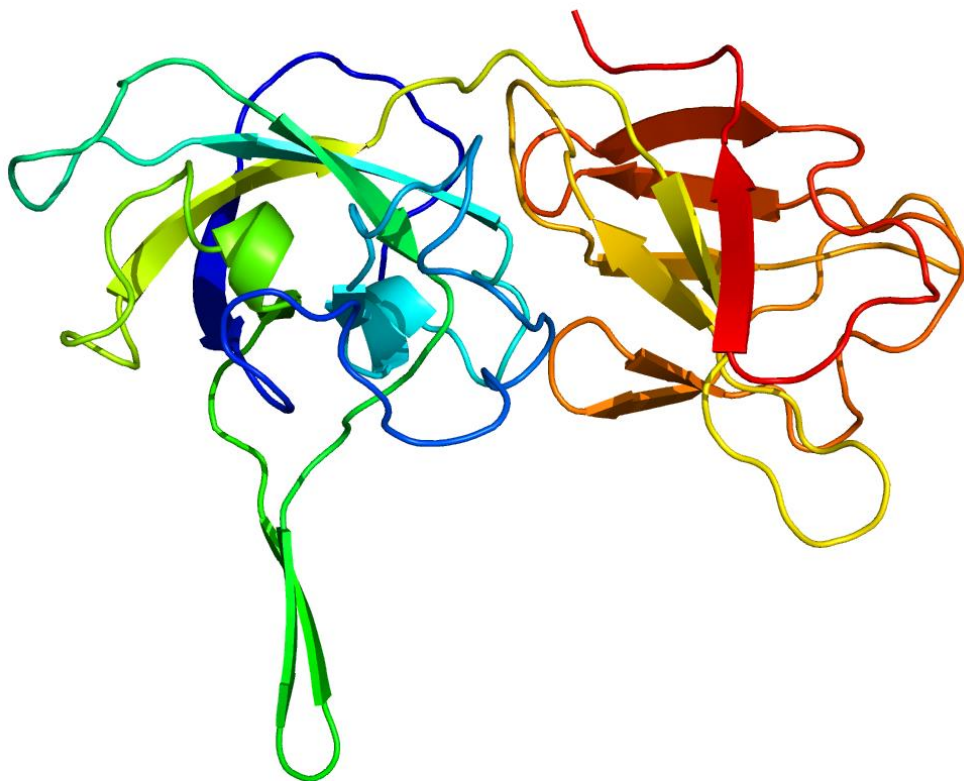
Locus: XP_009776122

Gene Model: XP_009776122.1

Description: NsEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

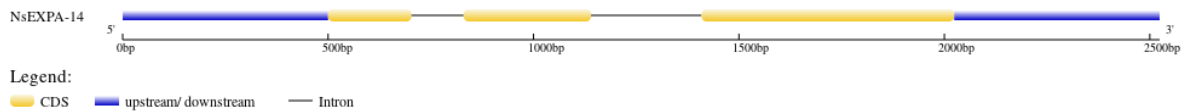
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

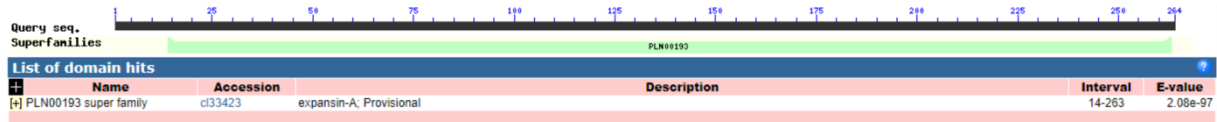
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-14

MASFICRWILSFFLIATMALINQAIASGYTTPKFKAMPWKLAYATFYGDETASETMG
GACGYGNLNSGYGTATAALSTVLFSNGYSCGQCFQIQCVKSKFCYKGFVVATNL
CPPNWAQDSNHGGWCNPPRQHFDMAKPAFMKIAQWKAGIVPVMYRRVPCIKKGGI
RFAFQNGYWLLVYVMNVAGGGDVESIWVKGSKTGWMKMSHNWGASYQAFATL
SGQSLSFKLTSYTNHETIIASNVAPSNWHVGMAYQAKVNFH

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-14

TCTGAAGTGAAACATTAGGAAACAAGCAACAATGGCATCTTTCATCTGCAGATGG
ATATTGAGTTTCTTCCTCATTGCGACAATGGCACTTATTAACCAAGCAATAGCCTC
TGGCTACTATAACCACCCTAAGTTTAAAGCCATGCCTTGGAAGCTTGCTTATGCCA
CGTTCTATGGAGACGAGACTGCTTCTGAGACAATGGGTGGAGCTTGTGGATATGG
GAATTTGTTCAATTCTGGTTATGGAACAGCAACTGCAGCATTGAGCACAGTGTTA
TTAGCAATGGATATTCATGTGGGCAATGCTTCCAAATACAATGTGTGAAGTCTA
AATTTGCTACAAAGGATTTACGACCGTTACAGCCACAAATCTCTGCCACCCAA
TTGGGCCCAAGACTCCAACCATGGTGGCTGGTGAACCCTCCACGTCAGCACTTC
GACATGGCTAAACCTGCTTTCATGAAAATTGCTCAATGGAAAGCTGGCATTGTCC
CCGTTATGTACCGCAGGGTACCTTGCATTAAGAAAGGCGGGATTCGGTTCGCATT
CCAAGGAAACGGTTACTGGTTATTGGTATACGTGATGAACGTCGCTGGAGGGGGC
GACGTGGAAAGCATATGGGTGAAGGGAAGCAAAACAGGGTGGATGAAAATGAG
CCATAATTGGGGAGCATCATACCAGGCATTTGCAACACTTTCAGGACAATCTCTT
TCGTTCAAGCTCACTTCCCTACACAAATCATGAACTATTATAGCTTCTAATGTTGC
ACCTTCTAATTGGCACGTAGGCATGGCTTACCAAGCCAAAGTCAACTTCCATTAG
TCATGTGATGGGTAAATATTGGCCAATGCAGATTAGTCGGGCCAATGAGTTCTA
ATAATTTCTCTAAGCCCTCTAGTAATCTTGAGCCTCAACCAAAGGCCGCATTTCT
TTGGCTTTTCACTATCTGGCCCCCGGAGGAGTGGTGCTATGGTTTTCTTCTACAA
AAGTCTTGCTATAGTTTTTACCGCAGACTTTTAGTTTTATTTAAGATTTTGTACCT
AGTCTTTCACACCTGATCGAAGGATTGTACAATTCTTGCAATGCTGAAATAAAAC
ATAATATGATCGTTTATAGTTA

Nucleotide

>NsEXPA-14

ATTGATTCTGCCGTTGAATTTATCTGATTTCCATCTTCTACTTGCCACGTATCCATG
CATACCAAACCTCTCTCCTCGTCTTATTATTTTTTAAATTAGTTATTCCTTCTACCCT
TCAAGATTTCTTGAAGTTGTTTGTCTGGATGGCCAATGCAACTAATCATATCAAATT
CATAGAATTTAGAATTATCTTTTTAGTTCAATGTTTCGCCAACATTCTAAGAACATT
TCTATTGTTAGGAAAAAATGAATCTAACAAACAGTACGGCTAAGCACAAATAGC
ATAAAACCTGCTCGCACGTTGCCAAAAGCAAATTAATGTCAAACCTTGTAGTTT
GGTTACGTGGTATAAAGATAAATAAATTCTATTCTATAACGAAAAAGTTGACTTT
ATAGCCTAACATGTTCTGTTGGGGGCACGAAGGCTACATTTTGTATACCTTAAGAC
ACAACTATAAAAGGCCTAATTAAGTTACAAGTCAATTAAGCCATAACAAAATTT
TCTGAAGTGAAACATTAGGAAACAAGCAACAATGGCATCTTTCATCTGCAGATGG
ATATTGAGTTTCTTCCTCATTGCGACAATGGCACTTATTAACCAAGCAATAGCCTC
TGGCTACTATAACCACCCTAAGTTTAAAGCCATGCCTTGGAAGCTTGCTTATGCCA
CGTTCTATGGAGACGAGACTGCTTCTGAGACAATGGGTGCGTTACACTAGCCAAT
CAATTATCCCTCGATTCCAAACTAAATCAGACAGTCAATGAATTTTAACTTATTGT
AGCAGGTAATCTATCTTATTTTTCAAGTAACTAATTCGACTCGTTATTGCAGGTGG
AGCTTGTGGATATGGGAATTTGTTCAATTCTGGTTATGGAACAGCAACTGCAGCA
TTGAGCACAGTGTTATTTAGCAATGGATATTCATGTGGGCAATGCTTCCAAATAC
AATGTGTGAAGTCTAAATTTTGTACAAAGGATTTACGACCGTTACAGCCACAAA
TCTCTGCCACCCAATTGGGCCCAAGACTCCAACCATGGTGGCTGGTGC AACCCCT
CCACGTCAGCACTTCGACATGGCTAAACCTGCTTTCATGAAAATTGCTCAATGGA
AAGCTGGCATTGTCCCGTTATGTACCGCAGGTATGTTACGTATAAATTACACTA
AAAAGTATAAACATTATTTACAGTGATAGTATATATAAGTTAAATCAAGATTTAA
GAATCAATATTAAGGACGAGTGAGATTGCTCTAGTGGTTGAGCACCTCAATAATC
AACCAGTAGGTTAAAGGTTCAAGTCATGTAATTTTAAAGAACTCCTTAATATTTG
AACTTTGTACCTCTGTAGCTAACCTTGCATTATTTCTTGCACTCTAATTAATATG
GTGTTACTTTCTTGTGATTTGCAGGGTACCTTGCATTAAGAAAGGCGGGATTCCGT
TCGCATTCCAAGGAAACGGTACTGGTTATTGGTATACGTGATGAACGTCGCTGG
AGGGGGCGACGTGGAAAGCATATGGGTGAAGGGAAGCAAAACAGGGTGGATGA
AAATGAGCCATAATTGGGGAGCATCATAACCAGGCATTTGCAACACTTTCAGGACA
ATCTCTTTCGTTCAAGCTCACTTCCTACACAAATCATGAAACTATTATAGCTTCTA
ATGTTGCACCTTCTAATTGGCACGTAGGCATGGCTTACCAAGCCAAAGTCAACTT
CCATTAGTCATGTGATGGGTTAAATATTGGCCAATGCAGATTAGTCGGGCCAATG
AGTTCTAAATAATTTCTCTAAGCCCTCTAGTAATCTTGAGCCTCAACCAAAGGCC
GCATTTCTTGGCTTTTCACTATCTGGCCCCCGGAGGAGTGGTGCTATGGTTTTCTT
CCTACAAAAGTCTTGCTATAGTTTTTACC GCAGACTTTTAGTTTTATTTTAAAGATT
TGTACCTAGTCTTTCACACCTGATCGAAGGATTGTACAATTCTTGCAATGCTGAAA
TAAAACAATAATATGATCGTTTATAGTTACTATAATTTCTCTTTCGAGTTTTGTAC
TATCACTACAAAAAAAAGAAGCAAATTTGCGACCGTCAAATCGGTTCGGAAATC
GGTCGGAATCGGTTCGATGTTTTTCCGACTGAAAAGTGTCAGTTGGAAACACGTGA
TCGCAATATATTTGCGACAGATCAGTCAAAAATTTGCGACGCTTTCAGTTTGCAA
AAATATGGGGACATTTGAATTTAAGACATTTGCGACGGAATTAGCCGCTAAATTT
GCGACTGATTTAGTCGCTGACCAGAATACAAAAATAAACACAAATTAAGTTTTT
GATTGATTTTCGTCGGAAAATTAATAAATAAATAAATTTTAAATTAATTATTCCGA
TTGAAACAGTTGTAAATATTGAGTATTAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATTTCTCC

ATTGCGACTAATTTAGTCGCAAATCTTAAATAGATTTTGTTAGAAATTCTCAATT
TGTGACTGAATCGGTCGCAAATCTGGGTAATT