

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

Locus: Ca_01059

Gene Model: Ca_01059

Description: CarEXPA-09

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

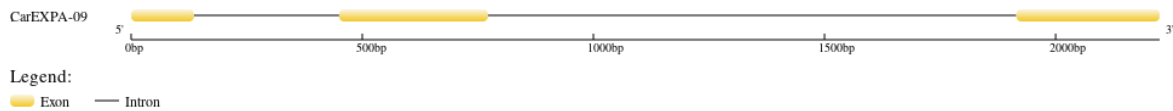
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

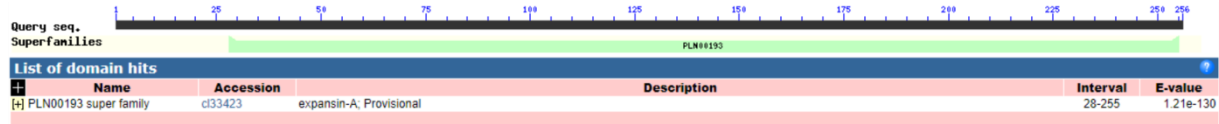
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-09

MEKFIICVLIMLLMNLVTTELRVESAVWLQAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLNT
DGYGIKTAALSTALFNDGKSCGGCYQIVCDARQVPQWCLKGTSITITATNFCPPNYAL
PNDNGGWCNPPRPHFDMSQPAFETIAKYRAGIVPIFYRRVGCKRSGNMRFINGRDY
FELVLISNIGGGGEISKVWIKGSKMNKWESMSRNWGANWQSLSYLNGQSLSFVQLS
NGKTRTAINVAPSNWRFQSYKSNVQF*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-09

ATGGAAAAATTCATTATATGTGTTCTTATTATGTTGTTAATGAATTTAGTCACTAC
AGAACTCAGAGTAGAATCTGCTGTTTGGCTACAAGCTCATGCAACTTTCTATGGT
GGAAGTGATGCCTCAGGAACAATGGGGGTGCATGTGGATATGGAAATCTGAAC
ACAGATGGATATGGTATAAAAACAGCAGCATTGAGTACTGCTTTGTTAATGATG
GAAAGTCATGTGGTGGTTGCTATCAGATAGTTTGTGATGCAAGGCAAGTTCCTCA
ATGGTGTCTTAAGGGCACTTCCATCACTATTACTGCCACAACTTTTGTCCACCAA
ACTATGCACTCCCTAATGACAATGGTGGTTGGTGTAAATCCCCAAGACCACATTT
TGACATGTCTCAACCTGCATTTGAGACCATAGCCAAGTATAGAGCTGGAATTGTT
CCATTTTCTACAGGAGAGTTGGGTGCAAAGAAGTGGAAACATGAGATTTACCA
TAAATGGAAGAGATTATTTGAGCTAGTGCTTATAAGCAACATAGGTGGAGGAG
GAGAAATATCTAAAGTTTGGATCAAAGGGTCAAAAATGAATAAGTGGGAATCAA
TGTC AAGGAATTGGGGTGCTAATTGGCAGAGTCTAAGTTATCTCAATGGTCAGAG
TTTATCCTTTAGAGTTCAACTCAGCAATGGGAAGACTCGAACAGCTATAAACGTA
GCACCTTCCAATTGGAGATTTGGCCAGTCTTACAAAAGTAACGTTTCAGTTCTGA

Nucleotide

>CarEXPA-09

ATGGAAAAATTCATTATATGTGTTCTTATTATGTTGTTAATGAATTTAGTCACTAC
AGAACTCAGAGTAGAATCTGCTGTTTGGCTACAAGCTCATGCAACTTTCTATGGT
GGAAGTGATGCCTCAGGAACAATGGGTAAC TTTTATTTGTATATCCTATAATTTA
TAAATAAATAAATAAATAAAA ACTAAAATCTCTATTTTTTAAATTA AACACCAA
TTGTCATTTTTAAATTCACGTTGTTTTATTTCATTTTTTAACTTCTTTAGGATG
ATTTTATCTTGAGAATGCCAACTCTTGACATTTTTTATGCAAATATTTTGAAAATG

TCACGACTGAAAGACGAAAAAAAAAATATAAATTGCAAACACAAAATAGAAATTA
ATATATTTAAGTCATAATGAAACTATGGCAAGTATATAACTTGGTTTGAATTATCT
TGTAGGGGGTGCATGTGGATATGGAAATCTGAACACAGATGGATATGGTATAAA
AACAGCAGCATTGAGTACTGCTTTGTTTAATGATGGAAAGTCATGTGGTGGTTGC
TATCAGATAGTTTGTGATGCAAGGCAAGTTCCTCAATGGTGTCTTAAGGGCACTT
CCATCACTATTACTGCCACAAACTTTTGTCCACCAAACTATGCACTCCCTAATGAC
AATGGTGGTTGGTGTAAATCCCCAAGACCACATTTTGACATGTCTCAACCTGCATT
TGAGACCATAGCCAAGTATAGAGCTGGAATTGTTCCCATTTTCTACAGGAGGTAT
GTTTTGCTGTTAATCAATGCCATGTTTTCAATCCTTTCATTTGTTTAATATCAACTA
GCCAAAATACTTTAAACATCTTTAAATAACTATATCTTCCTTGTGCGAAGTAGTAAG
AGACTTAGACACCTTAGGAGTTTGATATATGACTCCTACTTATAGGGAAAAAAT
ATAGTTGGAAAGGTAGAATAAGCATGTTTCATAGATCGAGTAAAAATGACCAAAT
TGGTAAAATCGATCTGGATCGACTTAGAATAACAGTTTGGGATGGATGAATTTGG
TTTTTAAAACAAGAAAATCAGTTATTTAAATTGGATATTGGATAAAAATCGGATC
AGGTCTCAGGAAAACCAAAAACCCAATTTCTCCAATAATTTTTTTAATAATTTTAA
CTTTTGTAAACTTTAGATTTTAGAAGACTTAGTCCATGGATCGAAACAAAATTTA
TTTATTATTTAGCATCTTGCACCTTGATTATTTTTTATATTTGAAAATATTTTATG
TTCTTTCTAGGCCCTACAACCTTGGTTGTACTCATGTGTACAAGTATTTTATGATG
AAATTTATAACTTTGATATTTATTGTATGTATATATATTTTTGATGCTAAAACAAT
AGTGAAAATATGTAATATTATGTTTTAGGAAAAAATATGCTAAGCTAATTCCTTT
ACTAAGAATATGATTTTTAAAAGATTTAAAAAAGAGTTGAATAAACCAAATAA
AAAATAAGCAGTTTGACCAAATCGATCAAATGTTGTAATGATGGTTTACTTTTC
AGATTTGAATCAAAATCTCCGACAGAGTTTAAACATTAATTTTCACTAAATACGA
CTCAAATTGACTTATATACAATTTTACTAATAAAAATCTCAACCATTAGATCAATTT
GTACGACTTAACAATTGAGATTTGATATCAAGAATTGAATTGTTGTGCGAACATAA
TGGGACAACATAATTAATAATTATTATAATTTTGAAGCATGATCCTAAAAAAAATA
CATTCTTAATCAATCACAAATCATTTTATATATGTTTTTTAAAGTAACTATAGGTT
AACATTTTTAATATTACGCGTAACAATTAATTCATACATATAAATATTATATGTA
TTAAGCGCACTTTTGTGGTATTTATGCAGAGTTGGGTGCAAAGAAGTGGAACA
TGAGATTTACCATAAATGGAAGAGATTATTTTGAAGCTAGTGCTTATAAGCAACAT
AGGTGGAGGAGGAGAAATATCTAAAGTTTGGATCAAAGGGTCAAAAATGAATAA
GTGGGAATCAATGTCAAGGAATTGGGGTGCTAATTGGCAGAGTCTAAGTTATCTC
AATGGTCAGAGTTTATCCTTTAGAGTTCAACTCAGCAATGGGAAGACTCGAACAG
CTATAAACGTAGCACCTTCCAATTGGAGATTTGGCCAGTCTTACAAAAGTAACTG
TCAGTTCTGA