

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

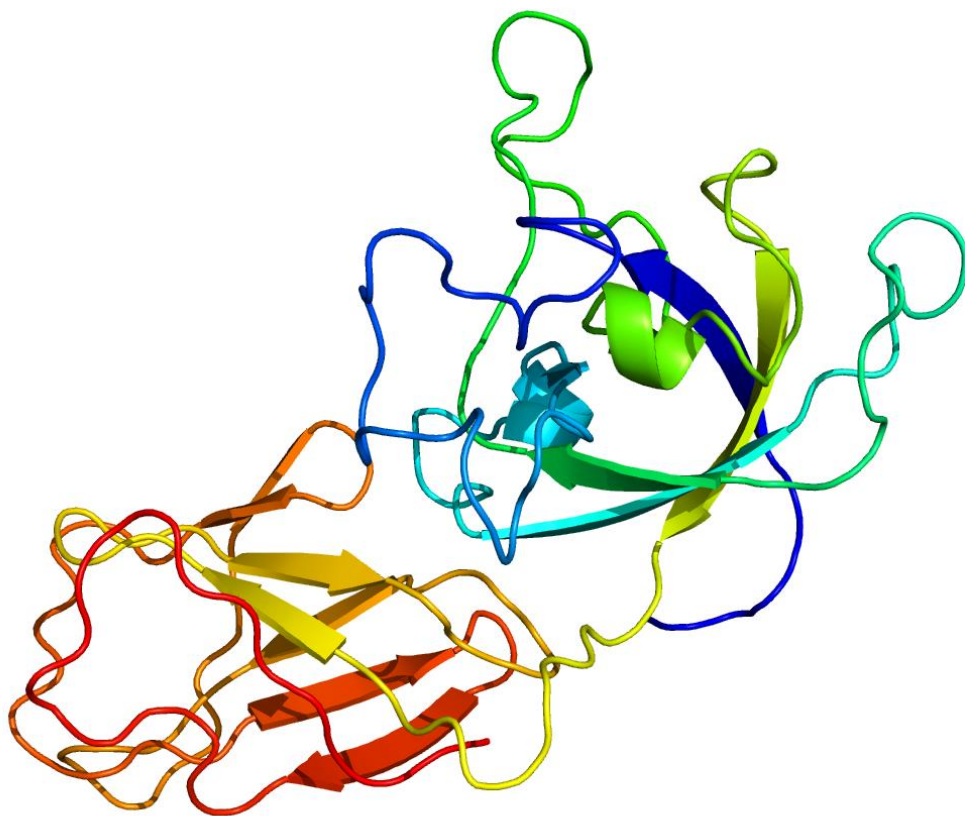
**Locus:** Medtr2g097030

**Gene Model:** Medtr2g097030.1

**Description:** MtrEXPA-04

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

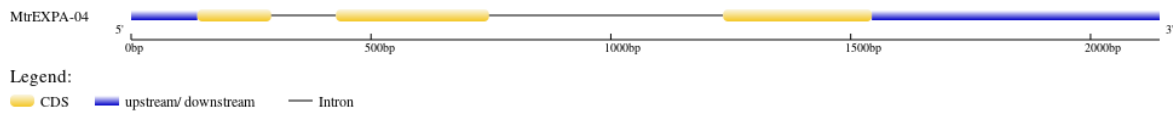
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

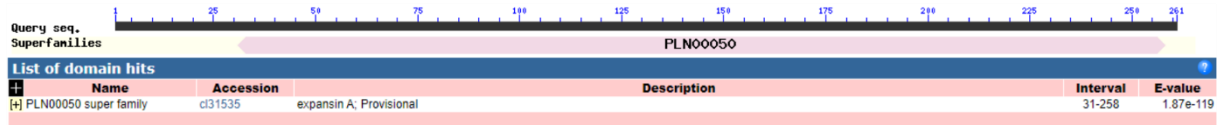
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MtrEXPA-04

MGMVSMVYVVTLIMSLTMWMVDARIPGVYNGGAWQTAHATFYGGSDASGTMGG  
ACGYGNLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGSCFELKCANDKQWCHSGSPSIFITAT  
NFCPPNFAQPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPFLKIAEYRAGIVPVAFRRVPCRKRGGI  
RFTINGFRYFNLVLISNVAGAGDIVRTYVKGTQTGWMPMSRNWQNWQNSVVLVG  
QALSFRVTGSDRRTSTSWNIAPHNWQFGQTFTGKNFRV\*

### CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-04

ATGGGAATGGTGAGTATGGTTTACGTTGTGACTCTTATTATGTCATTAACAATGTG  
GATGGTAGATGCTAGAATCCCAGGTGTTACAATGGTGGTGCATGGCAAACAGCT  
CATGCCACTTTCTACGGTGGCTCCGATGCTTCGGGCACCATGGGAGGAGCATGTG  
GTTATGGAAACTTGTATAGTCAAGGTTATGGAGTTAACACAGCAGCATTAAAGCAC  
AGCACTATTCAACAATGGACTAAGTTGTGGTTCTTGTTTTGAATTGAAGTGTGCA  
AATGACAAGCAATGGTGTCACTCTGGTAGCCCTTCCATTTTCATCACAGCTACTA  
ACTTTTGTCTCCTAACTTTGCTCAACCTAGTGACAATGGTGGTGGTGTAAACCCT  
CCTCGTCTCACTTTGATCTTGCCATGCCATGCTTAAATCGCTGAATATCG  
TGCCGGAATCGTCCCTGTAGCCTTTCGCCGGGTGCCATGTAGAAAGCGTGGTGG  
ATTAGGTTACAATTAACGGATTCCGTTACTTTAACTTAGTCCTAATCAGCAACGT  
TGCAGGTGCAGGGGATATTGTGAGGACCTATGTTAAGGGCACTCAAACAGGGTG  
GATGCCAATGAGCAGAACTGGGGGCAAATTTGGCAATCAAATTTCTGTTTTGGTA  
GGTCAAGCTTTGTCCTTCAGAGTTACCGGTAGTGACCGTTCGCACTTCCACTTCTTG  
GAACATTGCTCCACATAATTGGCAATTTGGTCAAACCTTCACTGGAAAGAATTTT  
CGTGTTTGA

### Nucleotide

>MtrEXPA-04

ACCATTGCCCACTCTCACTCACCCTCGTTCCACCCATATCTCTTTCTCTCTGTTCC  
ATATCTCTGCTTTTTCTCTATTTTCTTGTCCTCCACTGTCCAATATTTTAACTAAAT  
CTAAGAAGAAGAAAAAACAGTGATGGGAATGGTGAGTATGGTTTACGTTGTG  
ACTCTTATTATGTCATTAACAATGTGGATGGTAGATGCTAGAATCCCAGGTGTTTA  
CAATGGTGGTGCATGGCAAACAGCTCATGCCACTTTCTACGGTGGCTCCGATGCT

TCGGGCACCATGGGTATGTCTAGTACTTTAATAATGTAACACACTAACATAACAT  
AACATGTTATATTCAGTCTTTGTGCGCTTGGATTGGTAAATAAAAAAATTAATGTT  
AACTTTGTTGTGACTGTTTCGGCTTTTTGTGTGTTTAGGAGGAGCATGTGGTTATGG  
AACTTGTATAGTCAAGGTTATGGAGTTAACACAGCAGCATTAAAGCACAGCACTA  
TTCAACAATGGACTAAGTTGTGGTCTTGTGTTTGAATTGAAGTGTGCAAATGACA  
AGCAATGGTGTCACTCTGGTAGCCCTTCCATTTTCATCACAGCTACTAACTTTTGT  
CCTCCTAACTTTGCTCAACCTAGTGACAATGGTGGTGGTGTAAACCCTCCTCGTCC  
TCACTTTGATCTTGCCATGCCTATGTTCCCTAAAATCGCTGAATATCGTGCCGGAA  
TCGTCCCTGTAGCCTTTTCGCCGGTTTGTACCCACCCTTATTTTTAGCTTAAATG  
ACTTGAATCTTAAATGGTTTTTGTGTTGATAGATCTCAATGATAAGGAAAAAATAG  
TAGAATTAGAAGTGTATAGATAATGGGCGAATAAATTGGCAAACCATGTTTGA  
ATAAATAACTAATTTGCAGCTCCACAATTATCATCATAATTGATTATATATAAACC  
CTAAAAAAGTGCTCGTATATAATCTATTTTAATAATAAGAGAAAATTAAGTTAA  
GCAATTTTCCTATAAGTCCACTTTAAAGAGGTTAAGAAAGTAAGCTTAAAGTAGT  
TTATGAAGGATGTCATAAGCTTTTGTAAAAAATAAATGTTATATTTTATTTGCAT  
AAGTTCTCCTATACATTTCCAAACAAAATTATGTCAATCCAAACATGCCCTATAT  
TAGGCTTAATTACTTGGCTAAAGAACACTAGTATAACTAATTAATTTTTGTTATGT  
TGATTATGCAGGGTGCCATGTAGAAAGCGTGGTGGAAATTAGGTTACAATTAACG  
GATTCGGTACTTTAACTTAGTCCTAATCAGCAACGTTGCAGGTGCAGGGGATAT  
TGTGAGGACCTATGTTAAGGGCACTCAAACAGGGTGGATGCCAATGAGCAGAAA  
CTGGGGGCAAATTTGGCAATCAAATCTGTTTTGGTAGGTCAAGCTTTGTCCTTCA  
GAGTTACCGTAGTGACCGTCGCACTTCCACTTCTTGGAACATTGCTCCACATAAT  
TGGCAATTTGGTCAAACCTTCACTGGAAAGAATTTTCGTGTTTGATTAATGGTTAA  
TTGCCACGTAGGTCATTGGTCAAAGTTCACATTGTTATTTCTATTTTTTAATATAT  
AATGTGACAACAAAAGTAGTACTACAATACAATGTTGTTCTGTTTTTTGTTTTCC  
ACCAATTGTGTTTTTGGCGCGCAATTTTACCATAGATTGGTGTCTTTTTGACTAG  
GTTGTTTTGAAGACTGTGACGGATTAAGGGGAAAAAGTTGGTTATTATAGAAATG  
TGTGTCAAAGAGGATAATTAAGTGAGTGGAACTTTTGTGAGTTTTGTTTGTGTGC  
TTTTTAGATTTTTATGAAAAATGGAAAAGATTAGGGTAGAGTTATTTGGAAAGGA  
TGAAAAGAAAGTGTAGGAAATGTTGAAGTGGCTAGGCCAAAAAATGGTAGCCCG  
CAGCTTAATTAGTTATACAATTTATACGCAGCTATTATATCTGCATTGTTCTATGT  
ATCCATGGAAGTGTGTTGGTGGTAACCCTGTGAAAGTTCAAATTTGGAAATTTCT  
TCTTTTTTTATTTATTTTTATATTCTTCAATTTTACCCTTTGAGTGGGGATGTAGT  
ACTAGAAGTATCATAATGTTTGTGGGAAGAAAT