

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

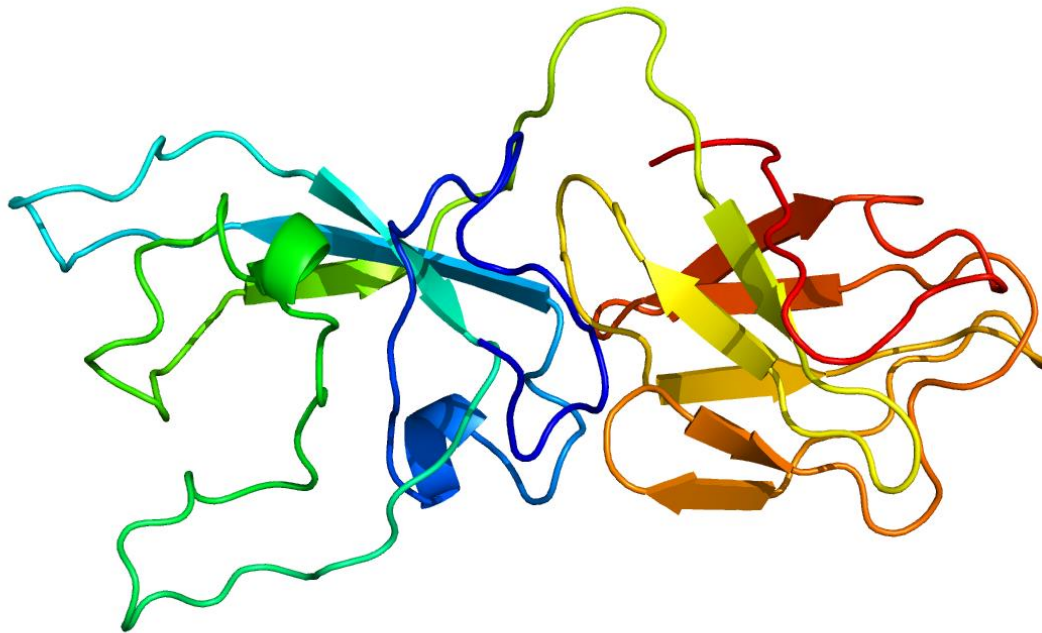
Locus: Ca_15654

Gene Model: Ca_15654

Description: CarEXPA-04

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

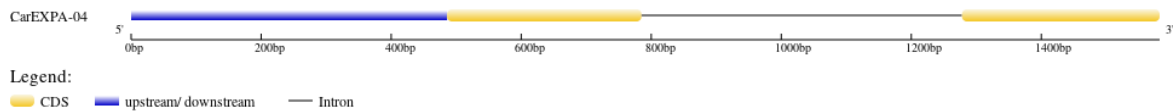
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. MGGACGYGNLYNQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMRCLGDSKWCKPNTIVV
Superfamilies PLN00050

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN00050 super family	d31535	expansin A, Provisional	1-201	1.86e-111

SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-04

MGGACGYGNLYNQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMRCLGDSKWCKPNTIVV
TATNFCPPNSNGGWCNPPLQHFDMAEPAFLQIAQYKAGIVPVSFRRVSCIKGGIRFTI
NGHSYFNLVLITNVAGAGDAYAVSIKGSKTSWQSMSRNWQNWQSN SYLNGQSLSF
KVTTSDGRIVTSYNVAPANWQFGQTFQGGQF*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-04

ATGGGAGGTGCATGTGGTTATGGAATTTATACAATCAAGGATATGGAACATAACA
CAGCAGCTCTAAGCACAGCTTTGTTCAATAATGGTTTGAGCTGTGGATCATGTTAT
GAAATGAGGTGTCTTGGTGACTCAAATGGTGCAAACCTAACACCATTGTTGTTA
CTGCCACAACTTTTGTCCACCAACAGTAATGGTGGTTGGTGTAACTCCTCCTCTT
CAACACTTTGATATGGCAGAACCAGCTTTCCTTCAAATTGCTCAATATAAAGCTG
GAATTGTGCCTGTTTCATTTAGAAGAGTGTATGATAAAAAAGGGAGGAATAAG
GTTCAATCAATGGCCATTCTTACTTCAACTTGGTTTTGATACCAACGTCGCGG
GTGCAGGTGATGCCTATGCAGTGTCAATCAAAGGGTCCAAACTAGCTGGCAATC
CATGTCAAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCCTACCTCAATGGACA
AAGCCTCTCTTTAAAGTCACCACTAGTGATGGTAGAATTGTGACAAGCTACAAC
GTGGCACCAGCTAATTGGCAATTTGGTCAAACCTTCCAAGGGGGTCAATTTTAG

Nucleotide

>CarEXPA-04

ATGGGTGAGTTTTAGCTTCTATCTTTGTTAACATAAACCAATGTTCTAAATTGTGG
TATATCACAGTCAAGCTGCGATCTTTAATAATTCTTCTGTTCTCTTTTAATTGTCATT
TTAAGATTATTTATATGTACTAAAAAGTTTAATAAATTTTGTAGTTTTAGATATT
ATTGACAAATAAATAATTAATTTCCATTGAACTTTAAAAATAACAAATAAATAGA
AATAAAAGTTTATTTACAAAACGACAAATAAACAAGAACAAAGTATCAATAAAA
AATCTCCGTCAAATATGGTTGATGCAACCTCAATAAGAATCTCATCGTTGTTGCA
AAGGCCTTGAAACCGGTAATGTTGTGGCCATATCGATGCCATGTAACCTTTTCTC
CAAAACCCTGCAAAAATTATTGGTTTTTTCTTTATTGGAGAATATAGTAATTATTC
TTGAGATGATTGTGTTTACTTGTGTTAATTTGATACATGCAGGAGGTGCATGTGGT
TATGGAAATTTATACAATCAAGGATATGGAACATAACACAGCAGCTCTAAGCACA

GCTTTGTTCAATAATGGTTTGAGCTGTGGATCATGTTATGAAATGAGGTGTCTTGG
TGACTCAAAATGGTGCAAACCTAACACCATTGTTGTTACTGCCACAAACTTTTGT
CACCAAACAGTAATGGTGGTTGGTGTAATCCTCCTCTTCAACACTTTGATATGGC
AGAACCAGCTTTCCTTCAAATTGCTCAATATAAAGCTGGAATTGTGCCTGTTTCAT
TTAGAAGGTACGTGAAAGACATCAATTTGGTAATGTTTTCAAGCTTTACAAATGT
TCTATTCAATGTTTTAAAAACAGGCCAAATCAATTGGTTCAACTGGTAGAATCAA
GAATATTGGTCACTTGGTCGGTTGGTTTGATCTCGGTTATATTGCAGTCTAGTTGA
GTCAGACCGACAAATGGATAATTGAATTAGATTATTCTATTTGTTATATCTTTGTG
TCAATCTAGTTGAATTCGTCTAGTTGAATCAGACTGACAAGTGGATCAATAGAAT
TAGATTATTCTATTTGTTATATCTTTGTGTCAGTCTAGTCGAGTCAGACTGACAAG
TGAATCATTGAAATTTAAAATTTAAAACAAAATCAGGTAGACATTAGTTATCCTC
AAATGAGTAACATAAAAAAAGGGAGGAATTTATGAGCTTGAGATCCTTAGTTATT
TGTTGTTATAATTTTCTGCAAACCTTACTTTGTTTTTCTTATTTGTTGATGATGGAAG
AGTGTGTCATGTATAAAAAAAGGGAGGAATAAGGTTCACAATCAATGGCCATTCTTAC
TTCAACTTGGTTTTTGATCACCAACGTTCGCGGGTGCAGGTGATGCCTATGCAGTGT
CAATCAAAGGGTCCAAAACCTAGCTGGCAATCCATGTCAAGAAATTGGGGCCAAA
ATTGGCAAAGCAATTCCTACCTCAATGGACAAAGCCTCTCTTTTAAAGTCACCAC
TAGTGATGGTAGAATTGTGACAAGCTACAACGTGGCACCAGCTAATTGGCAATTT
GGTCAAACCTTCCAAGGGGGTCAATTTTAG