

## IDENTIFICATION

**Species:** *Sesamum indicum*

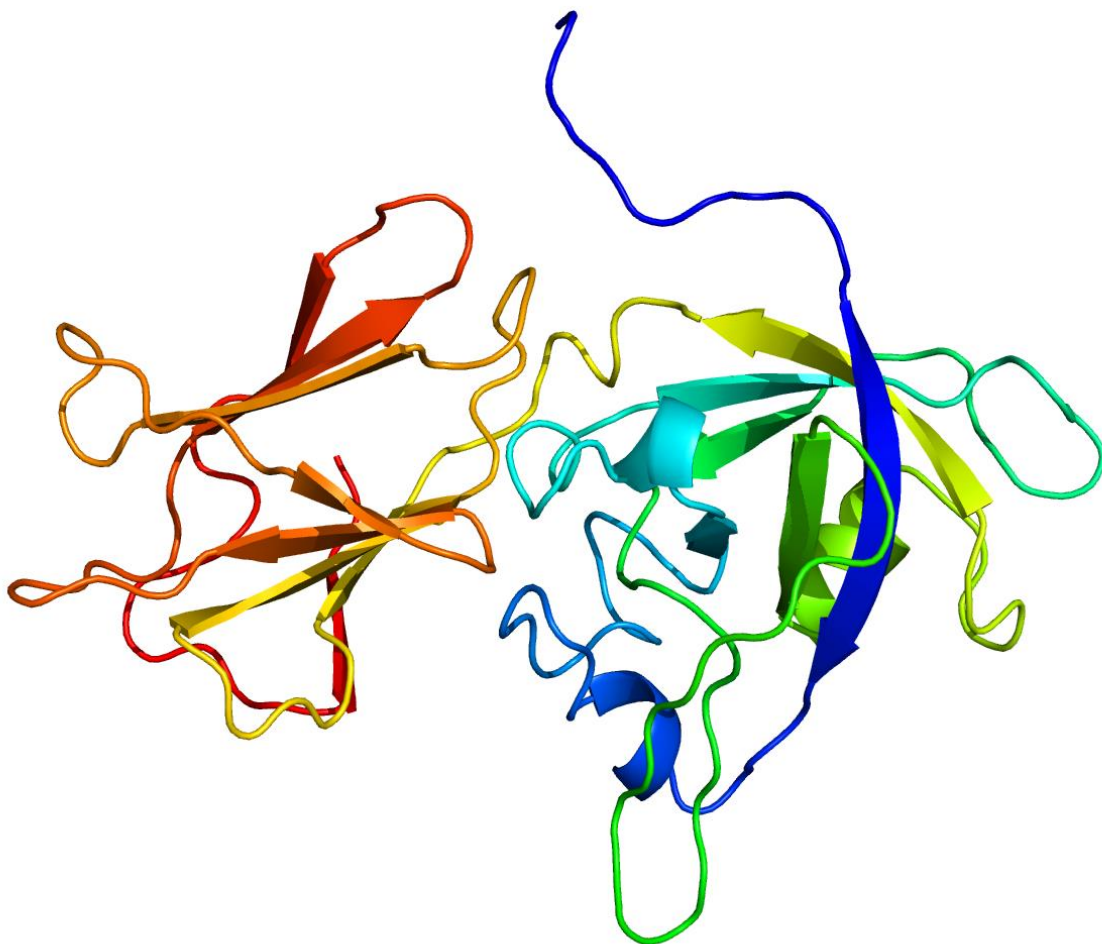
**Locus:** XP\_011087233

**Gene Model:** XP\_011087233.1

**Description:** SinEXPA-15

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

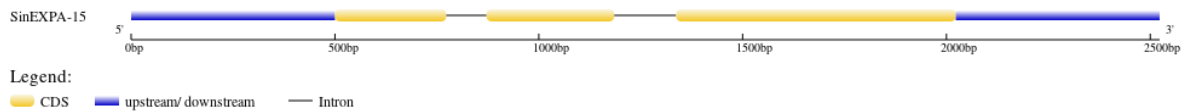
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

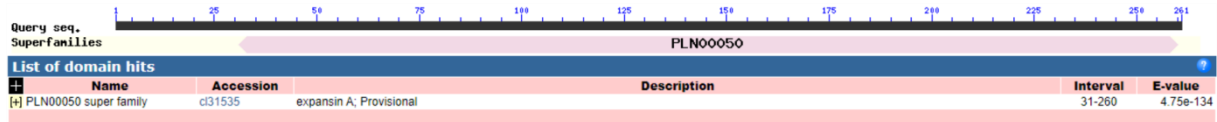
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>SinEXPA-15

MLLEEVMRGAHIVLIIAPFLSLLPLSNHSHINGQGRWIKQAHATFYGGGDASGTMGG  
ACGYGNLYSQGYGTNTAALSTAMFKNGEKCACFELKCVNNQRWCLGSSVVVTAT  
NFCPPNYALPSNAGGWCNPPHHHFDLSQPVFQQIAKYEAGIVPVLRYRRVACQKRGGI  
RFTINGHSYFNLVLTINVGGAGDVHSVSIKGSRTNWEPMSSRNWQNWQSDSYLNGQ  
SLSFKVTTSNGRTVFCNNVAPADWSFGQTFGGQFT

### CDS (coding sequence)

>SinEXPA-15

ACTTCTCACACACATTACATTTTCCTGTACTGAGTTTTCTTATAGTTTAAGGTA  
GAGGAAAACAGCAAAAATCAAAGTACACACATATACATATATATTTGTTATGT  
TACTGGAAGAAGTGATGAGGGGGGCTCACATTGTCCTAATTATTGCACCTTTCCT  
CTCTTTACTTCCACTCTCAAATAGCCATGGAATTAACGGACAAGGAAGAATATGG  
AAACAGGCTCATGCCACTTTCTATGGAGGTGGTGATGCTTCTGGAACATGCGGTG  
GGGCTTGTGGGTATGGGAATTTGTACAGCCAAGGATACGGTACAAACACAGCAG  
CGTTGAGTACAGCCATGTTCAAGAATGGAGAGAAATGTGGGGCTTGTTCGAGCT  
TAAATGCGTGAATAACCAAAGGTGGTGCCTGGGAAGCTCGGTTGTTGTTACGGCT  
ACCAATTTCTGCCCTCCAAATTACGCCTTACCAAGCAATGCTGGGGGGTGGTGCA  
ATCCTCCACACCACACTTTGATCTCTCTCAGCCTGTTTTCCAGCAAATTGCCAAG  
TATGAAGCTGGGATTGTACCTGTTCTTTACAGAAGGGTAGCATGCCAAAAGAGGG  
GAGGCATCAGGTTACAATAAACGGCCACTTACTTCAACCTGGTTCTCATCAC  
CAACGTTGGAGGTGCTGGTGATGTCCACTCCGTTTCAATCAAAGGCTCACGGACT  
AACTGGGAACCCATGTCCAGGAAGTGGGGCCAAAAGTGGCAGAGCGATTCTTAC  
CTCAACGGCCAGTCCCTCTCGTTCAAGGTCACCACCAGCAACGGTCGCACCGTGT  
TTTGCAACAACGTAGCCCCGCTGACTGGTCTTCGGCCAAACCTTCACGGGCGG  
ACAATCACTTAACTTCATCAACCTTCACGACTATGTGGGAAGGAAAGAATACC  
AAGTTAATTGTCGAAGTTTTGCCCTTACGTCTGAAAACCTTTGTTCTGTTAGGTAGT  
TACTGTTGTCTGGTAGCTATGCATGTAACTAAGCCAAATTGCATAGAATAATG  
TAGTCAGAAATGGGGAGAGCTAAGGTTTTATTTAAGAATTGGTATTATATCCAT  
GAAGGGTTCTGTCTTAGGATTGATGGAAATTTGGCAGTGGTTAGGTTTTTTATCAC  
CACTTGCCGCTACGTCTTCATGGAGTAGCTAGCTTGCTGTTTTTTTCTCTTGTA

CCTCTGTGAGTTGTTATTTTCAACTTTGTAATTGTTTTATTTGAAAGTGGGTGTTTG  
CA

## Nucleotide

>SinEXPA-15

AATCTCAAGTTGAACAAGCAACTTAAATAAACTCAAAATTTGATTTTCTTCTAAA  
GATTTAAATTAATTTATCATGTGTGAGCCAAAAATATTCACTATATTTGTTTTCAT  
TTTTAAATTATCTTCAGGACGAGTCAAACATATCCAATGTTTGCCATCATTTAAA  
AACACCTTATCTAAGTATTTTTAACTGTTTTAGCATAAATATATACATTTTTATAC  
ACATATATATATACATAAATATACATAAAAAAACATGATTTGACAATAAATAGT  
AGTTTTTGTCTTCCAAAACACAACATTAACATACGATACTTATTTAAATTATCT  
CCAAAATAAATCCAATATACATAATATCTCTAACACACACTTATTTATCTTTAT  
TTTTCTCCATATATTCCTATAAAACACAACAAAACACTCACCAAAATCAAAATTC  
TGACTTCTGTCCGTAACCCCACTCTGCCCATATTCTAACCTCTATACCAAGCCTA  
CTTCTCACACACATTACATTTTTCTGTACTGAGTTTTCTTATAGTTTAAGGTAAG  
AGGAAAACAGCAAAAATCAAAGTACACACATATACATATATATATTTGTTATGTT  
ACTGGAAGAAGTGATGAGGGGGGCTCACATTGTCCTAATTATTGCACCTTTCCTC  
TCTTTACTTCCACTCTCAAATAGCCATGGAATTAACGGACAAGGAAGAATATGGA  
AACAGGCTCATGCCACTTTCTATGGAGGTGGTGATGCTTCTGGAACATGGGGTAA  
TATATCAACTTCCTCATATATACATGTATATTCATGAATTTATACAAAATTGAAT  
GGTAGTGATTGATTTCAAGAATGATGAATTTGGATGCAGGTGGGGCTTGTGGGTA  
TGGGAATTTGTACAGCCAAGGATACGGTACAAACACAGCAGCGTTGAGTACAGC  
CATGTTCAAGAATGGAGAGAAATGTGGGGCTTGTTCGAGCTTAAATGCGTGAAT  
AACCAAAGGTGGTGCCTGGGAAGCTCGGTTGTTGTTACGGCTACCAATTTCTGCC  
CTCCAAATTACGCCTTACCAAGCAATGCTGGGGGGTGGTGCAATCCTCCACACCA  
CCACTTTGATCTCTCTCAGCCTGTTTTCCAGCAAATTGCCAAGTATGAAGCTGGGA  
TTGTACCTGTTCTTTACAGAAGGTGTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTATATATA  
TATATATATATATATATATATATATATTTATACGTATATTGCAATATTACTTTTTGGTAT  
ATTTAAGTTAATTTAATTCGTTATGCTAAATTGTTACATATATAAATTAATTTTTTT  
CAGGGTAGCATGCCAAAAGAGGGGAGGCATCAGGTTCAATAAACGGCCACTC  
TTACTTCAACCTGGTTCTCATACCAACGTTGGAGGTGCTGGTGATGTCCACTCCG  
TTTCAATCAAAGGCTCACGGACTAACTGGGAACCCATGTCCAGGAACTGGGGCCA  
AACTGGCAGAGCGATTCTTACCTCAACGGCCAGTCCCTCTCGTTCAAGGTCACC  
ACCAGCAACGGTCGCACCGTGTTTTGCAACAACGTAGCCCCCGCTGACTGGTCCT  
TCGGCCAAACCTTACGGGCGGACAATTCACTTAACTTCATCAACCTTACGAC  
TATGTGGGAAGGAAAGAATACCAAGTTAATTGTCGAAGTTTTGCCCTTACGTCTG  
AAAATTTGTTCTGTTAGGTAGTTTACTGTTGTCTGGTAGCTATGCATGTAAACTA  
AGCCAAATTGCATAGAATAATGTAGTCAGAAATGGGGAGAGCTAAGGTTTTATTT  
TAAGAATTGGTATTATATCCATGAAGGGTCTGTCTTAGGATTGATGGAAATTTG  
GCAGTGGTTAGGTTTTTTATCACCCTTGCCGCTACGTCTTCATGGAGTAGCTAGC  
TTGCTGTTTTTTTCTCTTGTAACCTCTGTGAGTTGTTATTTTCAACTTTGTAATTG  
TTTTATTTGAAAGTGGGTGTTTGCAATAGCTTATGGTTTTTGTAAAAATAAGTTT  
AGATTAGCTTTATGTTTTTGAACACTTAAATTAATTCATTTAAACCACAAGTTA  
TAACTTCACCTTATTAATATTTTTCAACTGCTTTTAAAGTTTGTCTTACTATCTT  
ATTTTCAAACACTCAATTTCAATTTTTTCTACTTTTCACTTTTATTTAAAATACTAC  
CAACTTTCCTGCAACTAAAGTTACAATCCAACATAAAAATCTTTAAATATACATC

TAAACTACAAAGTAAAATGTTTTAAGATGATACTTTATTATGCCTTAATCTTGTT  
ACTTTAAACTCCAAAAACACCCCACAAGGACAAAGTGTTTGTACAAAAATCAAG  
AAACTCAAAGCCTCCCTGCCAACAATAGATATATCTGGAACACTACATGGCATC  
TAAACTCTCCCATCTCATTTCCAATATTATAATTCATAACGCAGTCCATGAGGTTA  
ATTACAAAAGAATGTTCAAGTA