

IDENTIFICATION

Species: *Phalaenopsis equestris*

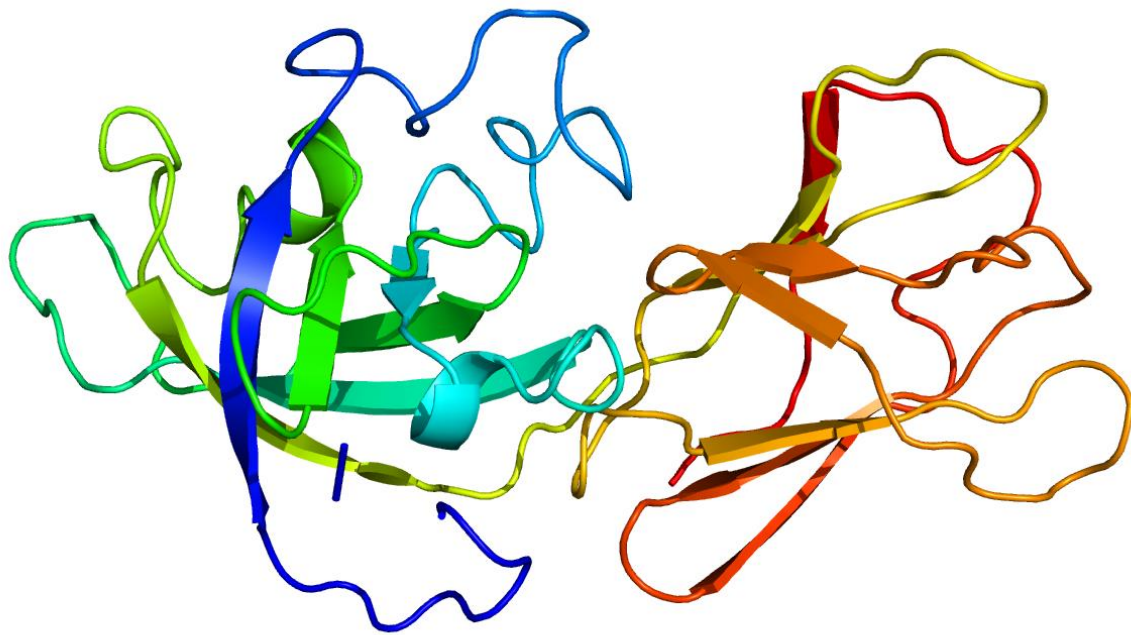
Locus: XP_020576896

Gene Model: XP_020576896.1

Description: PeqEXPA-05

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

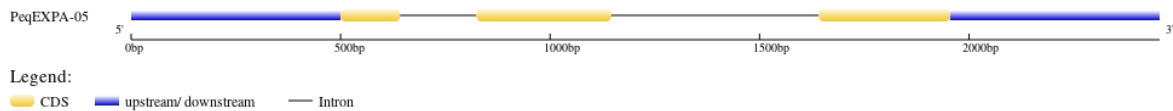
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Phalaenopsis+equestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05601>

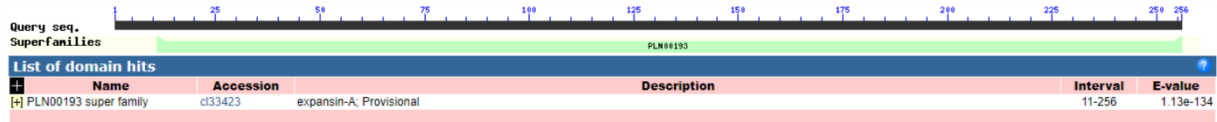
EXTERNAL RESOURCES

http://orchidbase.itps.ncku.edu.tw/est/Phalaenopsis_2019.aspx

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PeqEXPA-05

MKTNGCKNGGALLPLLTF LCSVISAFAGSWMPATATFYGGSDASGTMGGACGYGDL
YKDG YGIKNSALSTALFNDGASC GECFQIVCDAKKSPQWCKRGT FITVTATNFCPPNT
NLPSDNGGWCNPPRQHFDMSQPAWETIAIYKAGIVPVL YRRVRCRRSGGVRFTINGK
DYFELVLISNVGGSGRVSSVWIKGSKTDWMIMSRNWGMNWQSNSYLNQSL SFRV
QTDDGK LKTFSNVAPSNWNFGDTFVTSIQF

CDS (coding sequence)

>PeqEXPA-05

ATGAAGACGAATGGTTGTAAAAATGGAGGTGCTCTGCTGCCTCTTCTAACATTC
TCTGCTCAGTAATCTCAGCCTTCGCCGGCAGCTGGATGCCTGCCACCGCCACCTTC
TACGGCGGAAGCGATGCCTCCGGCACAATGGGAGGAGCTTGC GGCTATGGAGAC
CTGTACAAAGATGGATATGGAATTAAGAACTCAGCGCTGAGCACTGCGCTCTTCA
ACGATGGAGCCTCTTGTGGAGAATGCTTTCAGATTGTGTGCGACGCCAAGAAGTC
TCCTCAGTGGTGTAACGAGGCACTTTTATCACTGTAACAGCCACCAATTTTGGC
CTCCGAATACCAATCTACCCAGCGATAATGGCGGATGGTGCAATCCTCCGAGACA
GCACTTTGATATGTCTCAGCCTGCTTGGGAGACCATCGCCATCTATAAAGCTGGG
ATCGTCCCTGTTTTATACAGAAGGGTTCGGTGCAGAAGGAGCGGAGGTGTGAGAT
TCACCATTAATGGAAAGGATTACTTCGAACTGGTTCTGATAAGCAACGTGGGAGG
GAGCGGTAGGGTTAGCAGCGTGTGGATCAAAGGCTCCAAGACAGATTGGATGAT
AATGAGCAGAACTGGGGTATGAACTGGCAGAGCAATTCTTATCTTAATGGCCAG
AGCCTCTCCTTCAGAGTTCAGACTGATGATGGAAAAC TCAAACCTTCAGTAATG
TCGCCCTTCAAAC TGGAAATTTTGGCGACACTTTTGT TACCTCGATT CAGTTTTAA
GATTCAG

Nucleotide

>PeqEXPA-05

TTTTGGTTATTTTTTGGAA GATTTATAACAAAAGTTTTAAATAATTAATGAATCA
ATTTTTTAAGTTTATTGAACATGTTTTCTTAATTCATTTAGCAAATAGCTATATAT
AGTTTTTTTATTTATTTAATCAACATGTGAAAGACGAATGCAGCTTGCATGAAAA
ATTAACGTCTAATTAAGTCAACAAGTCATTAAACAATCATTACTTATCTTAGTT
TGACTTAACCAAAAAAATCATAATAAATAAATATTAGTATAATTGTGATCAGC

CTTGTACGTTTATTATCAACATGTTAAATATATTTGCAAATAATAATAATAATGAT
TGTTATAAGAATGCGTTAAGATTTGTTATGCTAAAAAATAATCATTAAACAGAAA
TTTACATTTTTTTATAAGATTTGAGCCAAAATATAGGCTTCTATTTATAGGTAAAA
ACTAGAAACAATCAGCCAATTTTATTCTAGTGTTTTTGAGAGAGTTGGAAGAAT
GAAGACGAATGGTTGTA AAAATGGAGGTGCTCTGCTGCCTCTTCTAACATTTCTC
TGCTCAGTAATCTCAGCCTTCGCCGGCAGCTGGATGCCTGCCACCGCCACCTTCTA
CGGCGGAAGCGATGCCTCCGGCACAATGGGTAATCAATATTATAGCTATTATATT
TAGTTTATATCATCTAAATCTTTCATATCATATCAAACATATCATCTTATTGACTTT
TGAGATGTGGAACACACCTTTTCATATATAAATAAGGTGCCTTTAGCTATATGAA
AATACATTAGAATTGAGCATCGTTCTGTTCTGCAACTACTGTAGGAGGAGCTTGC
GGCTATGGAGACCTGTACAAAGATGGATATGGAATTAAGA ACTCAGCGCTGAGC
ACTGCGCTCTTCAACGATGGAGCCTCTTGTGGAGAATGCTTTCAGATTGTGTGCG
ACGCCAAGAAGTCTCCTCAGTGGTGTAAACGAGGCCACTTTTATCACTGTAACAGC
CACCAATTTTTGCCCCTCCGAATACCAATCTACCCAGCGATAATGGCGGATGGTGC
AATCCTCCGAGACAGCACTTTGATATGTCTCAGCCTGCTTGGGAGACCATCGCCA
TCTATAAAGCTGGGATCGTCCCTGTTTTATACAGAAGGTTCGTAATTACAGGAAAC
TGGAATATTTACATATATACCATTTTTAATTTTATGTTTTACATATCTAACAGTC
AAA ACTCCAATTTTTACATACTTGACGTTTTACCTATGCATGAAAATCTGTATTTT
ATTTTTTAGAATTTAAAATGGTGGCATATTTTATATATTATGAAAGATTTGGGTGA
TATAAATGTAAAAATAAATATAGGTGTTAGAGATGTAAATATATAGGATTTGG
GTGGTATGTAGGCAGAATGTTACTCTCTGATTCAAACGGAGGTTGTAGATTGCA
GTCTTCCCAAAA ACTTTTCTTTTTTTTTGGTAATGGATTCATTATATGCTGTAAATC
CGAGATTTCTAAGCAAAACAGTGAAGGAATTGTGAAAAACTAAAATTTACCAA
TCCCAGACTTAAAAGTTGCATTTTTTACTTACAAAGAACACA ACTTTTAAATTTGG
ACACAGCACTCAAATGAGCTTTATGACAGCAGGGTTCGGTGCAGAAGGAGCGGA
GGTGTGAGATTCACCATTAATGGA AAGGATTACTTCGAACTGGTTCTGATAAGCA
ACGTGGGAGGGAGCGGTAGGGTTAGCAGCGTGTGGATCAAAGGCTCCAAGACAG
ATTGGATGATAATGAGCAGAACTGGGGTATGAACTGGCAGAGCAATTCTTATCT
TAATGGCCAGAGCCTCTCCTTCAGAGTTCAGACTGATGATGGAAA ACTCAA AACT
TTCAGTAATGTGCCCCCTTCAA ACTGGAATTTTGGCGACACTTTTGTACCTCGAT
TCAGTTTTAAGATTCAGTTCGGCCATATCTTCTTCGTTTGATATATCTGTGAGTTT
TTCATTTAGTTCTTTTCAGATCAGGAACTGAAGGCGTTATGAAAGTTCTGATTTAT
TTGGTTCATGCAATTAATAATGAAGATTTGCATACATTTACATAATTCCTAAGTC
AGTATTTACATATCTAATACCTAAATTTTAATTTTTATATATTGATGCCACCTTGCT
TTTACATAAAAGGTGTATTTCATACTTTTAAAAGTTAAAAAAGTGGTATTTTTTAT
GTGAGACGAAAGATATGGGTGCCGCAAATTGAAAAAGTAGTTTAGATGTTACAT
ATGCAAATACATAGGAAGTGGGTGGTATGTATGTAAATGCCCTAACGCAAAAAGT
GGTGTAGTTTATAGGAGTGACGCTGAGTTCTAGACCGTTTATGTGAAAGCCTAGA
CAGATTATGCATACAATTTTGAAACGGGGTATTTACACACATACCGCCCAATTCA
TATGAATTGAAATATCT