

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

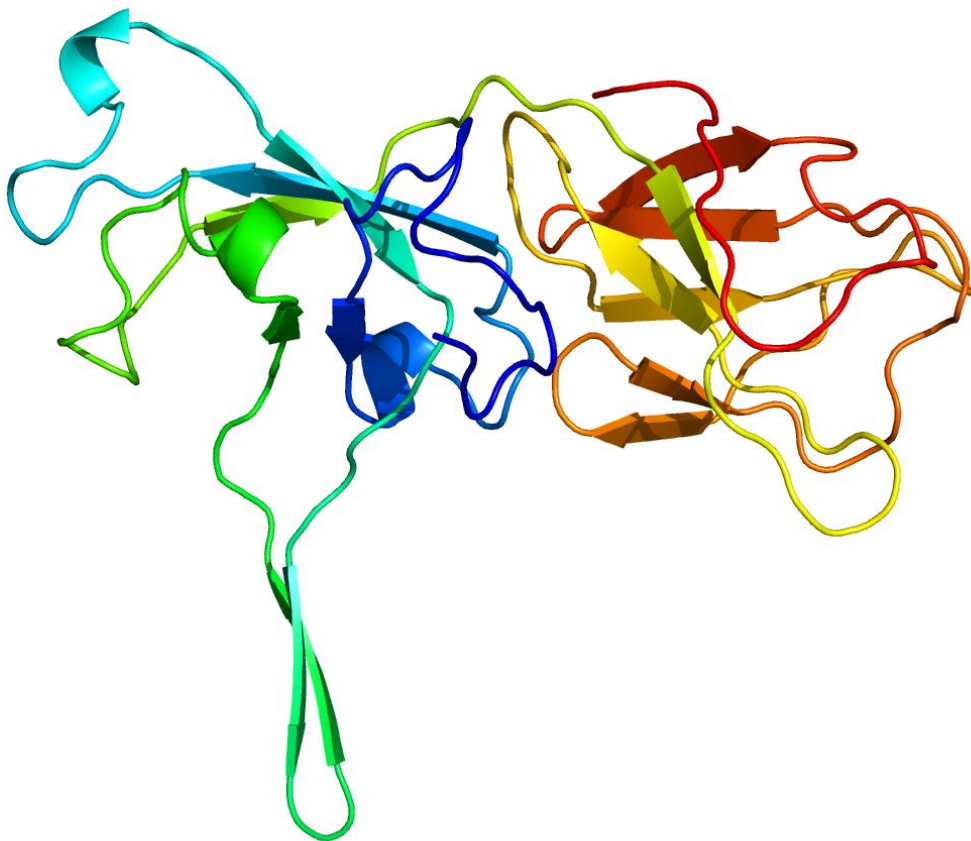
Locus: XP_015950007

Gene Model: XP_015950007.1

Description: AdEXPA-05

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

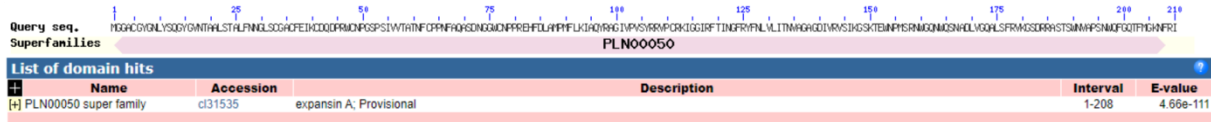
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-05

MGGACGYGNLYSQGYGVNTAALSTALFNNGLSGACFEIKCDQDPRWCNPGSPSIV
VTATNFCPPNFAQASDNNGWCNPPREHFDLAMPFLKIAQYRAGIVPVSYRRVPCRK
IGGIRFTINGFRYFNLVLITNVAGAGDIVRVSIGKSKTEWNPMSRNWGWQSNADL
VGQALSFRVKGSDRRASTSWNVAPSNWQFGQTFMGKNFRI

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-05

AACCACTCTTCTCTACATTGCAACACTGGTCTCTGTTTTTGGCTGCAGCCACTGCCA
GAATCCCCGGAGTTTACACCGCAGGTTCTGGCAGGGTGCTCACGCCACTTTCTA
CGGTGGAAATGATGCATCTGGAACAATGGGCGGTGCATGTGGGTACGGGAACCT
ATACAGCCAAGGGTACGGCGTGAACACGGCGGCGCTGAGCACAGCTCTGTTCAA
CAACGGGCTGAGCTGCGGGGCATGCTTCGAGATCAAGTGCAGACCAGGACCCGCG
GTGGTGCAACCCCGCAGCCCCTCTATCGTGGTAACCGCCACCAACTTCTGCCCA
CCGAATTTTGCCCAAGCCAGCGATAACGGCGGTTGGTGTAAACCCCAAGGGAAC
ACTTCGACCTCGCTATGCCAATGTTCTCAAGATCGCTCAGTACCGCGCTGGAATT
GTACCAGTCAGTACCGCCGGGTGCCATGCAGGAAGATAGGTGGAATCAGATTC
ACAATCAACGGTTTCCGTTACTTCAACTTGGTTTTGATCACCAACGTCGCGGGTGC
AGGGGATATCGTGC GCGTGAGCATAAAGGGATCCAAAACCTGAATGGAACCCCAT
GAGCCGTAACCTGGGGGCAA AATTGGCAATCCAATGCTGATTTAGTGGGCCAGGC
CCTCTCCTTTAGGGTTAAAGGCAGTGACAGACGCGCCTCTACCTCATGGAACGTG
GCACCATCTAATTGGCAGTTTGGCCAAACCTTCATGGGCAAGAATTTCCGCATCT
AAAAAAAAGGTTAATTTTTTAAAAAGATATTAATTATTATTTGTAGTTTTGACTTGT
TTGGGTTTTTAGTTTGGCGCCTTCAACTTTTCTCTATTTTACCGGGAAAAGTTTTT
GAAGCTGTGTTTGGGTAAAGTGTAAGTGGGTAGGGACCAAATGTTAAGAGAAG
GGTAGATAGGATAAAAAAAAAGTGAAAGTGACTTTATATAAATGTGAGTGACTG
AGTGGTATGTATGTTGGTGGAAATTTAGCTTTTGT

Nucleotide

>AdEXPA-05

ACTCATTCCAAGTACGAAATAAATAAAGAACTATAATTAGGAATAACCTTGTCT
TAAACTCTTAAAAGTACTAATCAA AATTAGACGGATGAGAAGAATAGCATCCAT

AGAGAATCATTCTTTTTCCGGGGAGACACGAAGGAAAAGCAAATATTCACCTTTA
AGAAATAATTAATTCAATTCTAAAGTTTGTATACCGGTCATTATTGCTAAATTTT
ATAATCAAATTCAGTTTTGCAAATTATAGTAGGTAAATAATGCAGACAAAATTCA
CACTATTTAACAATATCAAAAAATCAGAAGTAATCCCTTACAAAGGAAACCAAC
AAAATTAACCTTGAAAACATATAATAATAATAATAATAATAATAATAATATCTCAT
GTTCAAGCATTGCTGGGTAACAAATATTCCAACAATACCCCTACCCCATCACAC
TTTTTAGTAACAAACACATTCACAACCTCACCCCTCGATAATAATAAGAAAAAGA
AAAGACACAAAAGCTAAATTCACCAACATACATACCACTCAGTCACTCACATTT
ATATAAAGTCACTTTCACCTTTTTTTTTATCCTATCTACCCCTTCTCTTAACATTTTGG
TCCCTACCACTTACACTTTACCCAAACACAGCTTCAAAAACCTTTTCCCGGTAAAA
TAGAGGAAAAGTTGAAGGCGCCAAACTAAAACCCAAACAAGTCAAAACTACAA
ATAATAATTAATATCTTTTTAAAAATTAACCTTTTTTTTTAGATGCGGAAATTCTTG
CCCATGAAGGTTTGGCCAAACTGCCAATTAGATGGTGCCACGTTCCATGAGGTAG
AGGCGCGTCTGCTACTGCCTTTAACCCATAAGGAGAGGGCCTGGCCCACTAAATC
AGCATTGGATTGCCAATTTTGCCCCAGTTACGGCTCATGGGGTTCATTCACTTT
TGGATCCCTTTATGCTCACGCGCACGATATCCCTGCACCCGCGACGTTGGTGATC
AAAACCAAGTTGAAGTAACGGAAACCGTTGATTGTGAATCTGATTCCACCTATCT
TCCTGCATGGCACCCCTGAACCGCCCAATAAAAAAATATTAAAAAAAGTTATAATT
TATGATTCAACTATTCCGCAGATAATTAAAAAAATCTTCAAATAAATTACTGGTA
TGAAATATATTTAAAAATATAAAAAATATATTAAAAAATAAATTAATATATATTT
ACATATAAATATATAATAATTGATTTAATAATAAATTCATTACGTACACTTAATAT
TTTTTGTATTATGATTTAGTATAAAAAATTGAAAATAGAAAAATAAAAAATAACAAA
TAGTAGTATCAATCAAATCATCATAACTTAAGCTTTGACTGGGATTTTTTCTTTGG
AAATTTCCAGGTTAATCTATAGGGATTAAGGGATGTGGTAACTAGGATTTTGCTT
TAGGTGCAAGGTTATTTTGGTAATTACCCATTTACACGGAAAGTAATGGCCTATT
GGGTACATACTTACATTACATGGCTAAAACCTTTTTTGGATTATCTTTGAGCACT
TGAATTTTCTTATTCAATAATCAATACTAACAAAGGACAGTTCCAAAAGAATAAT
TAAAATTGAAATTGAAAAGAAAGCTCCCAGAATTATGCAATGCCAATGGGGCTTT
CTTTTATTCGGTTTGGGCGCAAATGGACGAAACTGCTGAGGAGGGGAGATTTTGG
TAGTAGTTCTTTTGTGGTTTCCCAAGAAAATCAGAAAGAACACAGAAGAAAACA
ATCAACTTAATAAAGCAAGATTTTCAACCCCATCTTCTGCAATTTCTGGTTGGTA
ATTGGTAGTACTGTATAAAGAGCAAGGCAATTGGGAAAGCCCGTTTTTGGAAATTA
TAATAAAAACGCCAAAAGCTCTTGAACCCTAAATCATATTTTTCAGGATTTTCTAT
AAATGAGTAGCAGACAATTCACCTCTATCGAAACTACACTAAAGAAAAAGGAAA
TGGTAGTATATCTCAAGTGCATTTAATTTCTATTAATAGTTTAATTCTAGTTCATTT
TAATTTTCTAGTTTTAAATGACAAAATATTAACCCAGTATAATTAAGACAAA
AACTAGAAAACAAAAGCATAAAAATAATTCCAAGTATAGTGTAATATACTCT
ACATTCTACAAGTTTCTTTTAGAAGCTAAAGCATAATAAAAACAGATCACGTCCA
GTAAATTAATTTAACAATTTTACAATCCATACAAAATTAACAACACGCTAAA
ATATGTTATAACACACCAAATTATGCAACCTAAAATGTTGCATAAATCTATAAA
ACAAAAGATTTTATTTTCAACCTTTTTCTTCGAAAGGAAATATTTTATTAATTT
TCTTAACACAACCTCTAAAACAAAGATTGTTGGGGTATAAAAAGCTGAAAATTTAGA
CTAAAAGAAAGAAAGTAATGTAAATGACTTTTTACCCTCAAGTAAGAGTCTAAG
ACATTATATATTTGAAGCAGAAGGACAAAATGACATATGAAATGAGGGGGTTT
GGGAACTCACCGGCGGTAGCTGACTGGTACAATTCCAGCGCGGTACTGAGCGATC
TTGAGGAACATTGGCATAGCGAGGTCTGAAGTGTTCCCTTGGGGGGTTACACCAAC
CGCCGTTATCGCTGGCTTGGGCAAATTCGGTGGGCAGAAGTTGGTGGCGGTTAC

