

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

**Locus:** XP\_015945084

**Gene Model** XP\_015945084.1

**Description:** AdEXPA-26

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

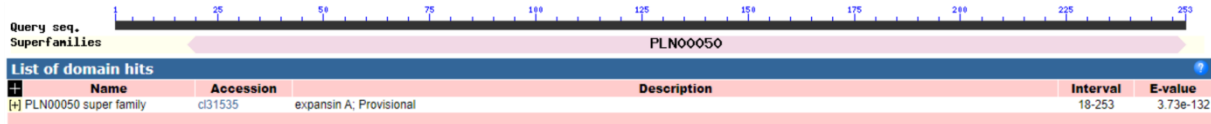
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-26

MAIIAASAIISLLFVALNLCLRGTADYGGGWQGGHATFYGGGDASGTMGGACGYGN  
LYSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEMRCNGDPKWCLPGAITVTATNFCPPNFA  
LSNDNGGWCNPPPLQHFDLAEP AFLQIAQYRAGIVPVSFRRVPCVKKGGIRFTVNGHS  
YFNLVLITNVGGAGDVHSVSIKGSKTGWQTMSRNWQNWQSNSYLNQSLSFQVT  
ASDGRITTSYNVAPSNWQFGQTFEGSQF

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-26

CAAACCCTTTTGCTAAGCATTAAAGCAACAAGCAACAAGCAACAAGCAACAATA  
AAGCATCTCTCTCTTTCTCTCTCTCATATCCTAGATCCCGTTAGCTTTCTAGTAGCT  
AGCACCACACGACAATGGCAATTATAGCAGCCTCTGCCATCTCCCTTCTCTTCGTT  
GCTCTCAATCTATGCCTTAGAGGCACATTTGCTGACTATGGTGGAGGATGGCAAG  
GTGGCCATGCCACATTTTATGGTGGTGGAGATGCATCCGGCACAATGGGTGGTGC  
TTGTGGCTATGGAACTTGTATAGCCAAGGATATGGGACTAACACTGCAGCACTC  
AGCACTGCTCTATTCAACAATGGCTTGAGCTGCGGGTCTTGCTATGAGATGAGGT  
GTAACGGTGACCCCAAATGGTGCCTCCCCGGCGCCATCACCGTCACCGCCACGAA  
CTTCTGCCACCTAACTTTGCCTTGTCTAATGACAATGGTGGCTGGTGAACCCCTC  
CCCTCCAACACTTTGATCTTGCTGAGCCTGCTTTCCTTCAAATTGCTCAATACAGA  
GCCGGAATTGTCCCCGTTTCTTTCAGGAGAGTCCCCTGTGTCAAGAAAGGAGGAA  
TAAGGTTTACAGTTAATGGACACTCATACTTCAACTTGGTTCTGATTACAAATGTG  
GGCGGAGCCGAGACGTTCACTCGGTGTCTATCAAGGGATCGAAGACAGGGTGG  
CAAACCATGTCAAGGAACTGGGGCCAGA ACTGGCAGAGCAACTCATACTCAAT  
GGCCAGAGCCTCTCCTTCCAAGTCACAGCCAGTGATGGCAGAACAACTACTAGCT  
ACAATGTTGCTCCTTCCAATTGGCAATTTGGACAAACATTTGAGGGGTCACAATT  
TTAGAAACCCCAATTCAAACCTTTGTTTGTGCATGTAATATAGTATTGCCATTTG  
CTTTTTGCTTGTGGAGTTGGGAGAGTGTGGGAGTTAAAAGAAAAGGAGAGGTA  
GAATTAGGAGGGAGGAGTTAAAAGTTAAAAAGTAAAAAGGCCAACATGGTCTTT  
ATGCTGTGGTGGCTATATGGCACCCGCTAGGCCTAAATATATATAATATATAGTT  
GTTTTTGTGTCACGGGATATATGAATATCTCATTGTCATTGATCATCATCCCCTAG  
TTGTTATGTTATAGGTGATGGTGTATCCCAAATTTCTCAATAGCTTTGTATATTTGAT

CCCCAAATGGTAGAAAACTAAGTTGGGGGCGATTTGATTCAATATCATGCTGCT  
TTTTATTGCAA

**Nucleotide**

>AdEXPA-26

AATCATATATTATTAGATATAATTTACATCATTAAAAATACTAATAATAACTAAT  
TAATAATTACAAATTACAAAATTTATTAACCTAACACTTTTCTTAAACAAATAATT  
GAAGTAACCATCCAACAAATCTAAATTGATTAAAGAAAAACCATATTACTATATT  
AGTACTGGTTTCATACATAAGCATATATATTAGTTAATTAAGAATATGATATGAG  
AAAAGAAAAACAAGAGGGGAAATGCATGTGCCATGTGGGGCCGTAGATTAAGC  
AGTTGGTAGTGAATAACCGAAACATGTGCATGTGCGCCTTGATTCTTGCAACTC  
TCGACGATGTGATGAATACGTGAATGAGAGAGCGAGTGAGAGCGAGTGATTGAA  
AGTCGAAACCCTTTCTTGGCTCATAACTTGTCTTTTCCAACCCCATATAACCCAC  
ATACATAGTCCCTAATGCCCTTAACCTTATGCTAAAGTTTTCTATATAAGTACCA  
AGCCAAACCCTTTTGCTAAGCATTAAAGCAACAAGCAACAAGCAACAAGCAACAA  
ATAAAGCATCTCTCTCTTTCTCTCTCATATCCTAGATCCCGTTAGCTTTCTAGTA  
GCTAGCACCACACGACAATGGCAATTATAGCAGCCTCTGCCATCTCCCTTCTCTTC  
GTTGCTCTCAATCTATGCCTTAGAGGCACATTTGCTGACTATGGTGGAGGATGGC  
AAGGTGGCCATGCCACATTTTATGGTGGTGGAGATGCATCCGGCACAATGGGTAT  
GCTCATTAAAGTGTACTCTACATAATCACCTATGGTTTTAAATAACTATGTCTA  
AAAAAATTAGTACATCAATATACTATTTAAATATATTAATTCTTTAATGCCTAGTT  
TCATCTAAATTGGTAATTATTGTTGAAAAATACTATAACAACCATATTACGTAC  
ACCTAACAAAATCAATCACTATATTAGCTATTTGTACATAATACATTTAGAATAC  
AACATACACATTAATAAATAAATTAAAAAAAAAAATTTTTTGCATACACTAATTAT  
TGTGCCTAGCCTTTTTATTTGGACATATGGGGTCCCAAGGTGGTGCCTTTTAAGGG  
TTTGAATCAAGCATTATTTAGACTTTCTTTAATGAGAGTTAATGATTGCAGGTGG  
TGCTTGTGGCTATGGAACTTGTATAGCCAAGGATATGGGACTAACACTGCAGCA  
CTCAGCACTGCTCTATTCAACAATGGCTTGAGCTGCGGGTCTTGCTATGAGATGA  
GGTGTAACGGTGACCCCAAATGGTGCCTCCCCGGCGCCATCACCGTCACCGCCAC  
GAACTTCTGCCACCTAACTTTGCCTTGTCTAATGACAATGGTGGCTGGTGCAACC  
CTCCCCTCCAACACTTTGATCTTGCTGAGCCTGCTTTCCTTCAAATTGCTCAATAC  
AGAGCCGGAATTGTCCCCGTTTCTTTCAGGAGGTAAATTCCGATAACGGTCTCTG  
GACAGAAATACAAAACTTTTAATTATTTTATCCAATGAGTAAAGCCACATAGC  
TTCATCATAAATACCACATTGGATTTGCTTAACTACCCAATGTGAGACTTGTA  
TTTTCTAAGCTCTTTTAGCTCTAAGTATTGACTAGAATCATGCATTGACTTTTTTT  
TGTGTGTGAAACAGAGTCCCCTGTGTCAAGAAAGGAGGAATAAGGTTTACAGTTA  
ATGGCACTCATACTTCAACTTGGTTCTGATTACAAATGTGGGCGGAGCCGGAGA  
CGTTCACCTCGGTGTCTATCAAGGGATCGAAGACAGGGTGGCAAACCATGTCAAG  
GAACTGGGGCCAGA  
ACTGGCAGAGCAACTCATACTCAATGGCCAGAGCCTCTC  
CTTCCAAGTCACAGCCAGTGATGGCAGAACAATCACTAGCTACAATGTTGCTCCT  
TCCAATTGGCAATTTGGACAAACATTTGAGGGGTCACAATTTTAGAAACCCCCCA  
ATTCAAACCTTTGTTTGTGCATGTAATATAGTATTGCCATTTGCTTTTTGCTTGTGG  
AGTTGGGAGAGTGTGGGAGTTAAAAGAAAAGGAGAGGTAGAATTAGGAGGGAG  
GAGTTAAAAGTTAAAAGTAAAAGGCCAACATGGTCTTTATGCTGTGGTGGCTA  
TATGGCACCCGCTAGGCCTAAATATATATAATATATAGTTGTTTTTGTGTCACGGG  
ATATATGAATATCTCATTGTCATTGATCATCATCCCCTAGTTGTTATGTTATAGGT

GATGGTGATCCCAAATTCTCAATAGCTTTGTATATTTGATCCCAAATGGTAGAA  
AAACTAAGTTGGGGGCGATTTGATTCAATATCATGCTGCTTTTTTATTTGCAAGTC  
TTGTCCCAATTCACTGTTTAATTGTTGCATACTACCGTAAGTTTATAAATTAGAAT  
CTTATTACAAATTAATCCTCAATCCAACACATAACATTTTAAAGTACTAGTTGAC  
CATCTTATTTTTTTTTTCTATAACATTA AAAAGGGAACGCAGATAAAGTAGCATT  
AACTTGAAGAATTCCAAGAAATAGAGCAATTTCCGGTGGCATATGTTTGACTTGG  
ACTATAAATGGAACTATCAAGAGTAGAAATGCATCGATTTCATATGGCTTCTAT  
AAAATCTTTCTTCCCAAATCCCAATTATGAAGTAGAGTAATTTCAATTTAATTTG  
TGAATCTGTCGGTCGTTATTTTGCGATAACTACCTTCCACCAAATACATTCATGGA  
GGTCTAGCCATGTGAAACCTACTGGCACAAGATTCTGTGAGAAAAGATAGTCGCT  
GAATGATTAAATTACAAGTTAGAAAAACAAAAAATATTAAGTACCTACTTAA