

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

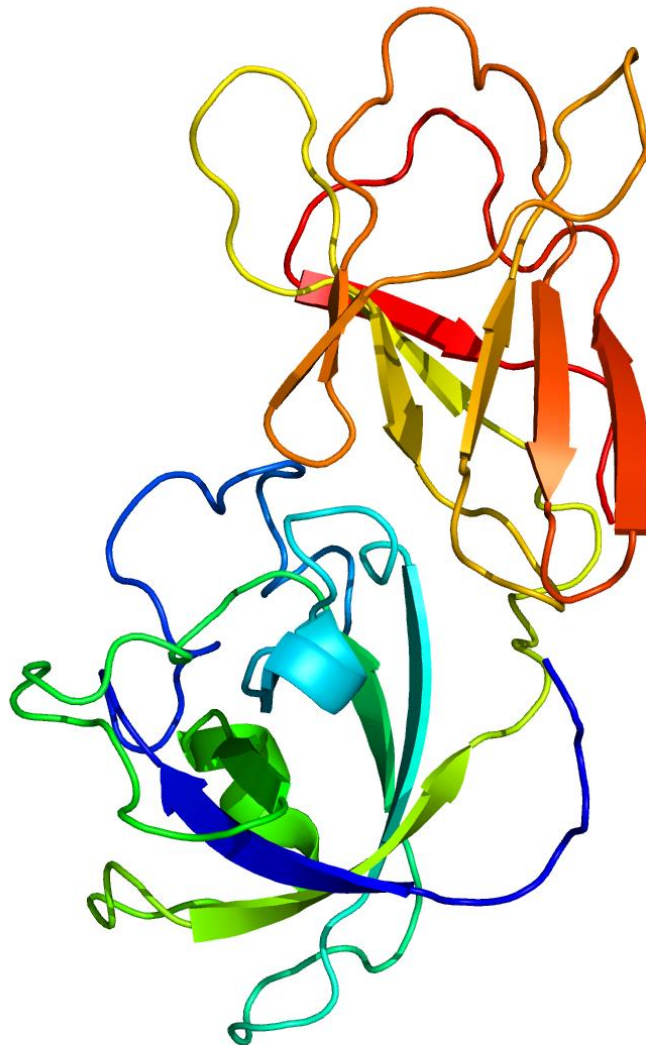
**Locus:** Medtr5g013440

**Gene Model:** Medtr5g013440.1

**Description:** MtrEXLB-04

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

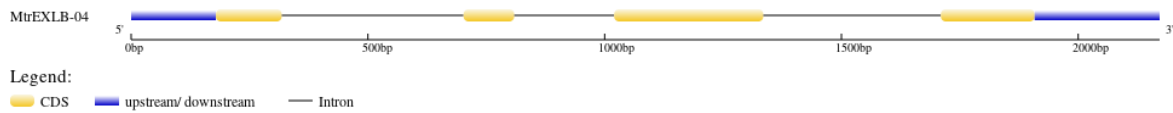
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

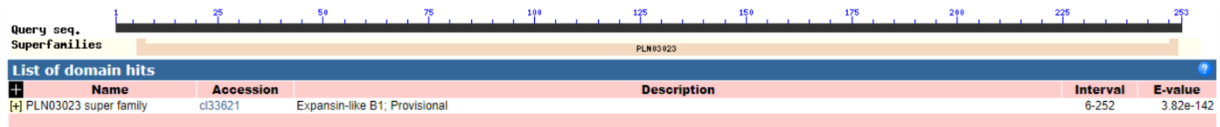
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MtrEXLB-04

MMEHNFKHQIGFICVMLFLPVLCSQDSFVCSRATYYGSPDCYANPKGACGYGDYQ  
QTVNDGNVAGVSWLWKNNGSGGACYQVRCKIPELCDENGAYVVVTFDFGVGDRTD  
FIMSPRGYSKLGKNGDASAELEFKYGVVDIEYKRIPCKYNGYNILFKVHERSKNPHYL  
AILILYVGGTNDVTAVQLWQEDCKEWRPMPRAFGTVFDAENPPRGEIKLRLQVSGSA  
GLYWVESKNVISSDWEAGSVYDSQIQFD\*

### CDS (coding sequence)

>MtrEXLB-04

ATGATGGAACATAATTTTAAGCACCAAATTGGTTTTATTTGTGTCATGTTGTTCTT  
ACCTGTCTTGTGTTCCCTCTCAAGACTCTTTTGTGTTGCTCTAGAGCAACCTATTATG  
GTAGCCCAGATTGTTATGCAAATCCAAAGGGAGCTTGTGGCTATGGTGATTACGG  
ACAGACAGTAAATGATGGCAATGTCGCAGGCGTGTCTTGGCTATGGAAGAATGG  
ATCTGGTTGTGGTGCATGCTATCAAGTGAGGTGCAAATACCAGAATTGTGTGAT  
GAGAATGGAGCATATGTCGTGGTGACCGATTTTGGCGTGGGAGACAGGACAGAC  
TTTATCATGAGCCCACGTGGCTATTCAAATTTGGGCAAAAATGGTGATGCATCTG  
CGGAACTTTTAAATATGGTGTGGTGGATATAGAATATAAAAGAATCCCTTGCAA  
ATACAATGGCTATAATATCTTGTTTAAGGTCCATGAACGCAGCAAAAATCCTCAC  
TACTTAGCCATTCTTATTCTATATGTTGGTGGAAACAAACGATGTAAGTCTGTTCA  
GTTGTGGCAGGAAGATTGCAAAGAGTGGAGACCAATGCGTAGGGCATTGGAAC  
AGTGTGTTGATGCAGAGAACCCTCCAAGAGGTGAGATCAAGTTGAGGCTCCAAGT  
GAGTGGTAGTGCTGGGCTGTATTGGGTGGAGTCCAAGAATGTTATCTCTAGTGAT  
TGGGAAGCTGGGTCTGTTTATGACTCACAAATTCAGTTTGATTAA

### Nucleotide

>MtrEXLB-04

CTTACTTCAGTAAATGGACCTCAAGTTTGTACTATAAATATGACTCTCTATCTTTA  
TTTGCTTTCCATCCCATAAACCCTTCTCTTATTCATAGTTATTTTTAGTTTCTCTTA  
CATTTAGTATCCTAAATAATTCCTTGAATTTCTCTCTTCTTTGTGCTTGACATTTG  
TCATTGAACATGATGGAACATAATTTTAAGCACCAAATTTGGTTTTATTTGTGTCAT  
GTTGTTCTTACCTGTCTTGTGTTCCCTCTCAAGACTCTTTTGTGTTGCTCTAGAGCAAC  
CTATTATGGTAGCCCAGATTGTTATGCAAATCCAAGTGAGTGTGCTTCTACTAA

TATATACTCGTGCAAAATTTACTATATATAGTGCATGTGACATAGCACATTATTTA  
AAAAATTATACAAATTTTTTTAACATATTAAGTGTATGTTACTATTTTCTTTGCAT  
TTGAATCTCGATCATTAACTTGTGCAATTTTTATCTCAAATTGGTTATACTCAAC  
CCTGTCAATTTTTATAAATGTGTATAGAGTGTGTGCACATTTTTTTAGTTTTGAC  
ATGTTTTTGCAGCCGATTTATAAACCGATTCAATGAGACAGTATACAACATTTTTT  
TTCCGGTGAAACCTAGACATTCCATTACTTTGGCTCTTTGCATAAAAATACATAAT  
CTGAGTGGTTATTAACCTGTTTTAGAGGGAGCTTGTGGCTATGGTGATTACGGAC  
AGACAGTAAATGATGGCAATGTCGCAGGCGTGTCTTGGCTATGGAAGAATGGAT  
CTGGTTGTGGTGCATGCTATCAAGTAATAACTTTACTTAAATTAAGTCACTCGCTA  
CTTTCATTTACATATAATGTGTTGTCATGTTAATTAATGAATATGAAAATATATGA  
TTTGTCTGATTTCATTAAGTGTGACGATTTTTTAAGTAATATATTACCATAAAG  
GAAAACTTACCAACATCAACTAACAAATTAGTTACTTATGAAATATAATAAATAA  
TGATGAATTAGGTGAGGTGCAAAATACCAGAATTGTGTGATGAGAATGGAGCAT  
ATGTCGTGGTGACCGATTTTGGCGTGGGAGACAGGACAGACTTTATCATGAGCCC  
ACGTGGCTATTCAAATTTGGGCAAAAATGGTGATGCATCTGCGGAACTTTTTAA  
TATGGTGTGGTGGATATAGAATATAAAAAGAATCCCTTGCAAATACAATGGCTATA  
ATATCTTGTTTAAGGTCCATGAACGCAGCAAAAATCCCTCACTACTTAGCCATTCTT  
ATTCTATATGTTGGTGGAAACAAACGATGTAAGTGTGTTTGTGTTGTTGTTGTTG  
ACCTATATTCATTTGTTGTTGATATGAAATTAATATTAGATGAATCTTGTGCGATTG  
AGATTGCTTAGTTGGTAACGAGTTCGCTCCTATCTTGCATGGACGTGTGTTCAACT  
TATGTTGTCACTTTGACGTCAACTCTGACCCTAGCGAGCCCATGAGGATCAAATC  
AAACCAACCAACAAACCATTGATCTACAATTCAATCGGTTGAACCGAACCGACC  
TGTTAGATATGCTTTTTTAAAACATTGATTTCTATAAGCAAATTAAGCCAATTTTTT  
TGCATGTACATTATATTTTATCTTGAAGATTGTTAATATATTTAGTTACATTTCTGA  
AATTGAATTGGGTTTCTTGAATGGTAATGGAACAGGAAGATTGCAAAGAGTGG  
AGACCAATGCGTAGGGCATTGGAACAGTGTGTTGATGCAGAGAACCCTCCAAGA  
GGTGAGATCAAGTTGAGGCTCCAAGTGAGTGGTAGTGCTGGGCTGTATTGGGTGG  
AGTCCAAGAATGTTATCTCTAGTGATTGGGAAGCTGGGTCTGTTTATGACTCACA  
AATTCAGTTTGTATTAATAAATAAATAACTTATAGATAGATTTGGAAGTATGAC  
TAGTGTGTTTATTGTTTCTGGTTTGTGTAATTCTATAAATTAATGTTATCTCTATGTC  
CAAGAATGTTATCTCTAGTGCTCTTTGTTGTTACTTGGACTGAAATTATGGGGATTG  
GATTTATGTGCTTTTCATGACTCGTCAATAAATGAATAAATAAATAAATGTGACTTTTC  
TCCTTTACTTGTGTTGTTTGGCTTCTGATGTAATAAGAAATCCAATGAATCTGCTA