

IDENTIFICATION

Species: *Solanum pennellii*

Locus: XP_015075739

Gene Model: XP_015075739.1

Description: SpnEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Solanum+pennellii>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04130>

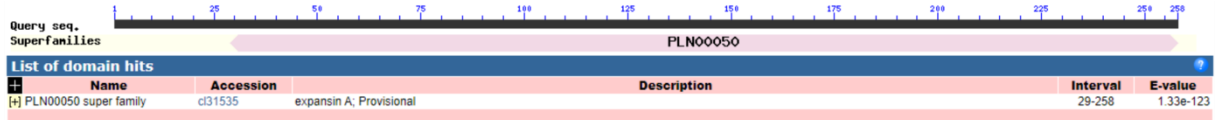
EXTERNAL RESOURCES

https://solgenomics.net/organism/Solanum_pennellii/genome

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SpnEXPA-14

MAVYYSLSTFSIFHLLLIFISLCFNESFGDNGGWQSAHATLYGGGDASGTMGGACGY
GNLNSQGYGTNTAALSTSLFNGLTCGACYKLCNNDDKLCPLPGKTITVTATNFCP
PNPSSLNNGGWCNPPLQHFDLAQPAFLKIAQYKAGIVPISFQRVPCMKKGGIRFTIN
GHSYYNLILVTNVGGAGDVHVSIVIKGSKNGWQLMSRNWQNWQNNAYLNGQSLSF
QVTTSDGRTITSNNAAPSNWQFGQTFEGAQF

CDS (coding sequence)

>SpnEXPA-14

TTGTTAATTATCAATAATAATGGCTGTTTATTATTCTCTTTCAACATTTTCTATTTT
TCATCTTCTTCTCATCTTCATAAGCTTGTGCTTCAATGAGAGTTTGGTGATAATG
GAGGATGGCAAAGTGCTCATGCTACTCTCTATGGAGGGGGTGATGCATCTGGTAC
AATGGGGGGTGCTTGTGGTTATGGTAATTTAAACAGCCAAGGTTATGGTACAAAC
ACTGCAGCATTAAAGTACATCCTTATTCAACAATGGATTGACATGTGGTGCTTGCT
ACAACTCAAATGCAACAATAATGATGACAAATTGTGTCTTCCAGGAAAAACAA
TACTGTACAGCAACAAATTTTGTCCACCAATCCATCATTATCTAACAACAAT
GGTGGTTGGTGCAACCCTCCTTTGCAACATTTTGATTTGGCACAACCTGCCTTCTT
GAAAATTGCACAATATAAAGCTGGTATTGTCCCAATATCATTCCAAAGGGTACCT
TGCATGAAGAAGGGAGGAATAAGGTTTACAATAAATGGCCACTCATATTACAAC
TTAATTTTAGTGACTAATGTTGGTGGTGCTGGTGATGTTCAATCAGTTTCAATTAA
AGGTTCTAAAATGGATGGCAATTAATGTCAAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCA
AAATAATGCATATCTTAATGGACAAAGTCTTTCATTTCAAGTGACAACAAGTGAT
GGAAGA ACTATCACAAGCAACAATGCTGCACCATCTAATTGGCAATTTGGACAA
ACTTTTGAAGGGGCTCAATTTTAGTTTTTCATCGTCAAATAACGTCTGATTGTTT
TTCAGCTTCATATAGTTTTATTTTACAAATGAACTTCATGATGATATTATAAA
TCTAGAGTTTACTTTGTAGAATTAAGACTCAGATGACATTTGTTATTTTATTATT
AGGAAAAGTGGGTAATTGTGAATTTGTTCCATTTCACTTAAAAAAGGCCA
TGAGAAAAGAGAAGGCATCTAAGTATTTAAATATTAATAGTGTACAAAATTGTG
TTGCTCCTATTAGAAATAAATAAAAATAGTG

Nucleotide

>SpnEXPA-14

AAGTAATAATAAAAAGTTAAAAGACAAAAAATTGGTTAATTCTAGTAGTGTTAC
ATTTTCTATATAATTGTTCAATATTTATATGAGTTAAGTCTTAAGTATTGATCGT
ATATATTATAAAAATATTATTTTAAAACGTCAGTACAAATAATTTTATTTGACAGT
ATTAGTTTATAACTTATTAACATACATAATAAGTAACTTACTATATGAGTTAAATT
ATACGAATAATATATAACAAAAATATTAATTTTTTTTATTTTAAATTATCTGTCATA
TTTCACTCAACTTTTAAATTAATTAATAAATAATTTTTGAGAAATGAAGAATATCATT
ATATTTGAAATAGATAAAAACATATATTATCAGTGTATATAATTTAAAGCAGCGCG
ATTAGCTTTTTTCGTACCCCTCAACTATATATATAGCTAGCTACTGCCATTTAATT
AATTAGTACAACCTCTCTAATCCTTTCTATATCATTAAATTAATTAATTTGAGAACTT
GTTAATTATCAATAATAATGGCTGTTTATTATTCTCTTTCAACATTTTCTATTTTTC
ATCTTCTTCTCATCTTCATAAGCTTGTGCTTCAATGAGAGTTTTGGTGATAATGGA
GGATGGCAAAGTGCTCATGCTACTCTATGGAGGGGGTGATGCATCTGGTACAA
TGGGTATGTTTTTTTTCTTTTTTAGTTTTTACGTGATGTTTCGATATCTGTATTA
GAGTTTCACTATATGTTTCATATTCGTGCCACGTAAGGCTCCATTCAGGGTTGAGC
ACTCTCTGCTGAGAATTTTTACTTACTCAAAGCTCTAACTCGAACTTCTGATGGA
GCAATTCCACCCATGGCTAATTGCACCACAATCTTTGCTTTAAACATTAATTGTCC
TTAGCTAAATGATGAGTTCCCCTTATTATATACCGCTTCAACAGGTTTTTATCTCA
ATTTATGTGATATATATATTTTTTATCAATATCAACAAAAAAGTGACACAATTTT
ATATTTAGCAATGCTGGATTATACATATTTTCATTCTTCTTAAAATTTTTGCCAAA
TCAAATAACATCACATAAATTGAAACAGATGATGAAGTATGTATTATGCAACAAA
GATTGTGGGTGGAGCCATAAATACACCTCATGTATGAATCCTTAAAATGAAATCG
CCTTTAATAGGAAGCGTTATACCTGTATATCAAAGTAGATCTTTTTTTAAATCTCT
CAACCAACAATAAGTACTCCTAGTTCCTAATTTGCAACGACATTATGGTAAAAT
GGTAAATACTTTTCCATTTTTAATTAAGTAGAGTCGTCTCCGATAAGAAGCGTGT
TTTTATTTATCACGTGAGATTTCTCAATCTGAATCGGGATCAAGTTGGACCTAAAGT
AAGTCGATGATCTATCAGAATCAGTTTCTCTATCCCTCAAAAAACAGAAAAATA
TCTACGTATACTCTACGCTTTTTCGGACCCTACTTATAAAAACACTGAATATGCTAT
TGTTATGACGTAGAACTAGTGACACAATACTCTATATAAAGTACTAATGATTCAA
AAAAATAATGCAGGGGGTGCTTGTGGTTATGGTAATTTAAACAGCCAAGGTTATG
GTACAAACACTGCAGCATTAAAGTACATCCTTATTCAACAATGGATTGACATGTGG
TGCTTGCTACAAACTCAAATGCAACAATAATGATGACAAATTGTGTCTTCCAGGA
AAAACAATTACTGTCACAGCAACAAATTTTTGTCCACCAAATCCATCATTATCTA
ACAACAATGGTGGTTGGTGCAACCCTCCTTTGCAACATTTTGATTTGGCACAACCT
GCCTTCTTGAAAATTGCACAATATAAAGCTGGTATTGTCCAATATCATTCCAAA
GGTAAACTTTGTCTCTTTTCTTAGTATATGACATAGTTTGCGATGTGACGATATT
TGATTGAGCATGATTTAATTTGGATATATCGAAAGTAATATCAGTTTATGACATTA
AGCTTATGGAGAAAAATATTTAAATCGTCTCTAAACTCTGTGAACTGAACAAAA
ATATCCTCAGTTAACAGTTGGATCTAAAAATATCTGTATTATTACTTAGTTGATGA
AAATGTGCTTTTTTTTTTTTTTTTCCAAATAAATATCTTATTTATTTTCTTTTTAAA
ATATATTTTATTTCCAATAATAGTGTAGACTTTTTGCTTTTATATAAAGGGAATATG
GTAAAAAATGAAATTAATAAAATTAATCATTCTCAAATATGTAATATTCTTGTT
GAGATATAGACTATAAGGGAGAAAATAACACCATCTTATGGTGAAAATTGAAGT
GATAATTATTCCTTCATTCTTATGTTTTTGATAGAAGTCCTGAAAGTATCATTTTG
GGTCGGAACACTAGGAAACGCTCCTCTAATGCTTCTTACCATTCTGGCACGACTTTA
AATTAATTGAATTTTCGAAAGGCATTAACATCAAATGAGAAATCAAAAAAAT
ATCGTATAGAATAAGAAACACCCCTCAATGCTTAGCATTCTGGAGCGACTTTGA
ATTTATTGAGTCTCAAAGAGTATAAAACACCAGATGAGAAATAAAAGAAATAT
CGCATAAAGTAATATAAATGAAAGACACTTCTTGTTCAAGTTAGTGCATATACTC
TACAAAAACAACGTGAATTACATGAGGATCAATATGAAAATTTGGAGAAAATTT
ATTTTCTGCAAATGTTCACTAATTCTTAAGAAAATCCTCATGTAATTCACAGT

