

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

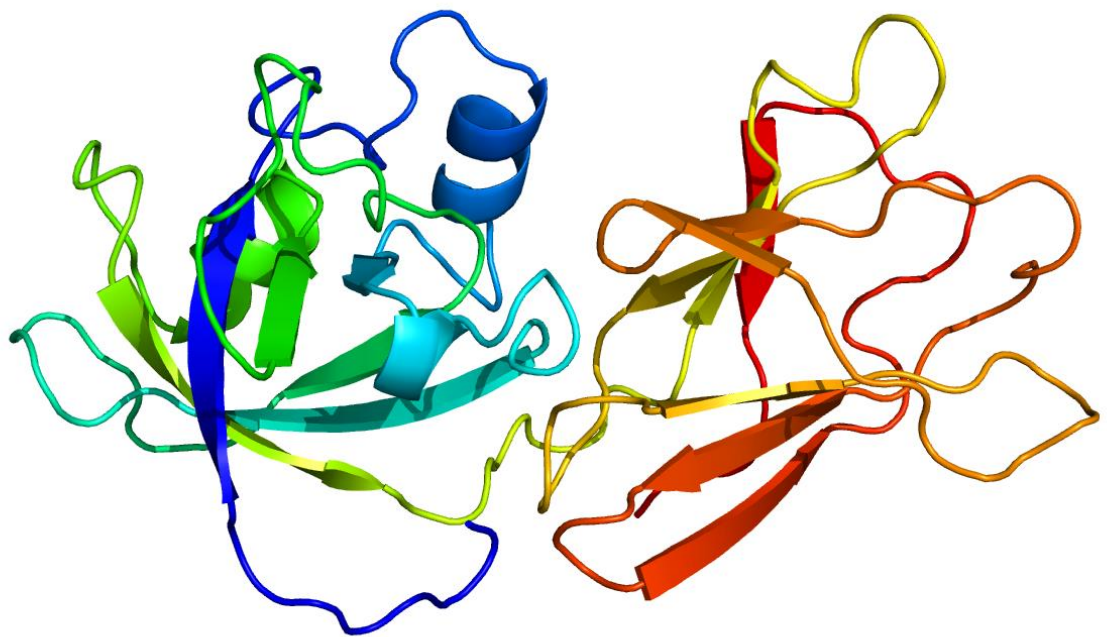
Locus: Ca_02311

Gene Model: Ca_02311

Description: CarEXLB-02

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

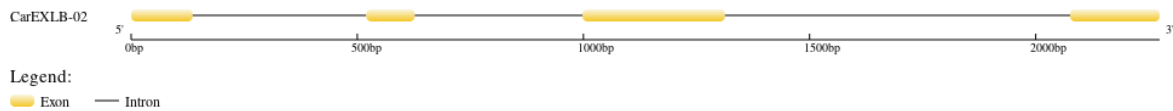
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

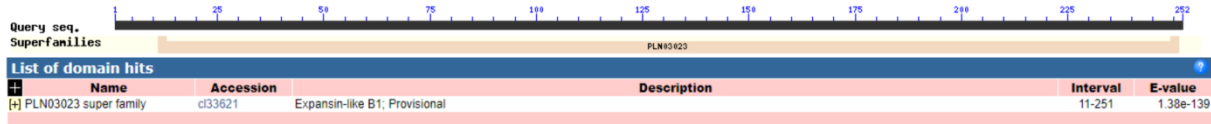
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXLB-02

MELNFKCQFGLVCVILFLPALCTSQDSFICSRATYYGSPDCYGNPRGACGYGDYGQT
VNDGNVAGVSWLWKNNGSGCACYQVRCKIPQLCDENGAYVIVTDYGVGDRTDFIM
SPRGYSKLGKNGDASVELFKYGVVDVEYKRVPCYNGYNVLLKVHDRSKNPHYLAI
LVLYVGGTNDVIAVQLWQEDCQEWRTMRRAFGTVFDAENPPRGEIKLRFQVSGSAG
LSWVESKNVISSDWQAGAVYDSEIQFD*

CDS (coding sequence)

>CarEXLB-02

ATGGAACTTAATTTCAAGTGTCAATTTGGTCTTGTTTGTGTCATATTGTTCTTACCT
GCCCTGTGTACCTCTCAGGACTCTTTTATTTGCTCGAGAGCAACCTATTATGGTAG
CCCAGATTGCTATGGAAATCCAAGGGGAGCTTGTGGCTATGGCGATTATGGACAG
ACGGTAAACGACGGTAATGTCGCCGGTGTGTCTTGGCTATGGAAGAATGGATCTG
GTTGTGGTGCATGCTATCAAGTTAGGTGCAAAATACCACAATTGTGTGATGAGAA
TGGAGCATATGTTATTGTGACGGATTATGGTGTGGGAGATAGAACAGACTTCATC
ATGAGTCCACGTGGCTATTCAAATTGGGGAAAAATGGTGATGCATCTGTTGAAC
TTTTCAAATATGGTGTGGTTGATGTTGAATACAAAAGGGTTCCTTGCAAATACAA
TGGCTATAATGTCTTGCTTAAGGTTTCATGACCGTAGCAAAAACCCTCACTACTTG
GCCATTCTTGTTCTCTATGTTGGTGGAACAAATGATGTCATTGCTGTTCAATTGTG
GCAGGAAGATTGCCAAGAGTGGAGGACAATGCGTAGGGCATTGGAACAGTGTT
TGATGCAGAGAACCCTCCAAGAGGTGAAATCAAGTTGAGGTTCCAAGTGAGTGG
TAGTGCTGGACTGTCTTGGGTAGAGTCCAAGAATGTTATCTCTAGTGATTGGCAG
GCTGGGGCTGTTTATGACTCAGAAATTCAGTTTGATTAA

Nucleotide

>CarEXLB-02

ATGGAACTTAATTTCAAGTGTCAATTTGGTCTTGTTTGTGTCATATTGTTCTTACCT
GCCCTGTGTACCTCTCAGGACTCTTTTATTTGCTCGAGAGCAACCTATTATGGTAG
CCCAGATTGCTATGGAAATCCAAGTATGTGATGCTCCAACAATATATTATATACT
TTTTATTTATATTATATACGCTATGAAGTACAAATACATTTCGTCTATTATATTTG
ATTATACAATAATAGTATCAGACAAATGTGTTGGATATCAAACACATCTTTAATT
TAAAATGTTGACACTATATAATTTAATGTTTGTATTGAATACATTTTTATAATTG

ATTGTGTTTATATAGAAATATATACTTATCTATTATTATACTTAGGAATATATAAA
TAATTGTGTCCCCATGTTGATGTTACTTACTAAAGAATGTGCAACCTAGCTAGAC
ATTACACTAGTTTGGCACATTAATTGCATAAAGAATATGATCTTAATGATCAATT
AACTATATATATGTTTTAGGGGGAGCTTGTGGCTATGGCGATTATGGACAGACGG
TAAACGACGGTAATGTCGCCGGTGTGTCTTGGCTATGGAAGAATGGATCTGGTTG
TGGTGCATGCTATCAAGTAACTCTACTTAATTCACTACATTCATTTTTATTTTTTT
TTAACAAATTGATAATTTTATAGTGTATTAGTAACCTTCTTCATATGAATTTTTTTC
AAAACATATCTTTTCATATTTTCATTTTCATATCATTAAAGGTCTAAATCTAAAGTTAA
AAAAAAATTATCATTAAAACAAAAGTATAATCCCTCTATAATGAAATATAAATAA
AAACTTTTTAAAAATTGCAATATCAAATCTAAATTTTAGATAAAAATACATTAATTT
TTCAAATATTAATTTTGATTTCAAAGAGAGATTTTAACTAAATGAAAAATCTTA
ATAGTATCCACTAACAAATTGTTTATTTGTGAACTAAAAAATAATGAATAGGTTA
GGTGCAAAATACCACAATTGTGTGATGAGAATGGAGCATATGTTATTGTGACGGA
TTATGGTGTGGGAGATAGAACAGACTTCATCATGAGTCCACGTGGCTATTCAAAA
TTGGGGAAAAATGGTGATGCATCTGTTGAACTTTTCAAATATGGTGTGGTTGATG
TTGAATACAAAAGGGTTCCTTGCAAATACAATGGCTATAATGTCTTGCTTAAGGT
TCATGACCGTAGCAAAAACCCTCACTACTTGGCCATTCTTGTTCTCTATGTTGGTG
GAACAAATGATGTCATTGCTGTTCAATTGTGGCAGGTATTACTTACATATATACA
CCTCTATTATTTCAAATATAAAAATTAGAGTTTAAATAAATACTCTTAAATTAATT
TGGTATTTATATATTTAATGATTAGTGAAGTGAAATGAGTTATTTGACATAATATA
TGATTATTATTGAATGTCATTGTAAATATATTTTGTATTGACATTAAATATCCATT
TTTCTCATAAAATTAATATAAAAATAGTTTTAAAAGTATCACAACCTTCATGATTAT
CATAATCCTTGACTTAAATATGGTTTTTTTTAGTCTGGTAGATATGAGTTTTTTTTGGT
TGGAACAATCGTTGATTAAATTTACTTAACTATTGGTCGAACTCTGAATTATTAAG
ATATTTTTCCTTTTAAAAAGTGGATGACTAAAAAAATAGAATTATTATTAAGAAT
AAGACATCAATAAAGAAAAATTTTGTCTAGTAACTAAAAATTGAAAATGTCTATA
TTTTTAAGAACATTATATAAGTTTAAATGGAGATATACCAACGGTGTATAATGATTT
TACATAGACATTCAATAAAAACCTGTGATATTAACACTTTGTATATGTAATTTAA
AAATAATTGTCAAATGGTGAATTTGTATAAAAATTAATTTACATTGATAGAACAT
TGTCCTTTTTCTCAAGTTATATTTAAACCAATTATATTTTCCATGTAGATTATTTTG
CTTTGAGAGTTTGTATTATTTAGTTACACATTGCTATAAATTAATAGGGTTATTG
AATTGGTAATGTAACAGGAAGATTGCCAAGAGTGGAGGACAATGCGTAGGGCAT
TTGGAACAGTGTGATGCAGAGAACCCTCCAAGAGGTGAAATCAAGTTGAGGTT
CCAAGTGAGTGGTAGTGCTGGACTGTCTTGGGTAGAGTCCAAGAATGTTATCTCT
AGTGATTGGCAGGCTGGGGCTGTTTATGACTCAGAAATTCAGTTTGATTAA