

IDENTIFICATION

Species: *Arachis duranensis*

Locus: XP_015960725

Gene Model XP_015960725.1

Description: AdEXPA-11

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

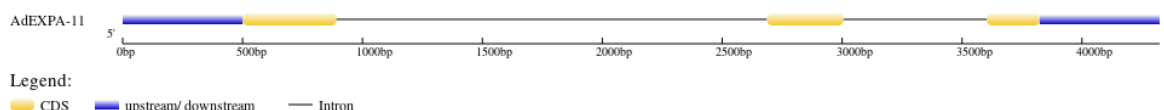
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

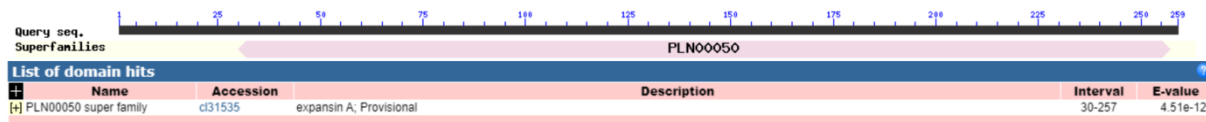
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AdEXPA-11

MAGIVLLCIASLLASLFVATTARIPGVYAGGPWQSAHATFYGGSDASGTMGGSCGYG
 NLYSQGYGVNTAALSTALYNDGFSCGACFEIKCDQDPRWCNPGNPSILITATNFCPPN
 FALPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPMLKIAQYRAGIVPVAYRRVPCRKTGGIRFTINGF
 RYFNLVLITNVAGAGDIVRASVKGTNTAWASMSHNWGQNWQSNVAVLVGQALSFRV
 TGS DKRTSTSWNVAPPNWQFGQTF TGKNFRV

CDS (coding sequence)

>AdEXPA-11

TGAAACCACAAACA ACTAACTA ACTAGTAACCGACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTC
 CCTCCCTTTT GCAATGGCTGGAATTGTTCTGCTTTGCATTGCATCATTACTGGCGT
 CTCTCTTTGTTGCAACCACTGCCAGGATCCCCGGCGTTTACGCGGGTGGCCCCTGG
 CAGTCTGCTCATGCCACTTTCTATGGTGGCAGTGATGCCTCTGGA ACTATGGGAG
 GTTCTTGCGGTTACGGCAACTTGTACAGCCAAGGGTACGGAGTGAACACAGCAGC
 ACTGAGCACAGCACTATAACAACGATGGCTTCAGCTGCGGCGCGTGCTTCGAGATC
 AAGTGCGACCAAGATCCCCGTTGGTGCAACCCCGGCAACCCTTCCATACTAATAA
 CCGCCACAACTTCTGCCACCAAATTTTGCTCTTCCCAGTGATAATGGCGGTTGG
 TGTAACCCGCCGAGGCCGCACTTCGATCTTGCCATGCCAATGTTCTCAAGATCG
 CTCAATACCGCGCCGGAATCGTTCCGGTTGCTTACCGCCGGGTGCCATGTAGAAA
 AACAGGAGGTATCAGATTCACAATCAATGGCTTCCGTTACTTCAACCTGGTTCTG
 ATCACCAATGTTGCGGGTGCTGGGGATATCGTGCGCGCGAGTGTGAAGGGTACCA
 ATACTGCGTGGGCAAGCATGAGCCACA ACTGGGGGCAA AATTGGCAATCCAATG
 CCGTTTTAGTGGGCCAGGCTCTCTCCTTTAGAGTCACCGGCAGTGACAAGCGCAC
 CTCAACCTCATGGAATGTGGCACCCGCTAATTGGCAGTTTGGACAAACCTTCAG
 GGCAAGAATTTCCGCGTCTAAAATTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTCAACGCTA
 GAAAAAATTGAAATGATATGGCTCCTCTTTGTACTTTTTTTGGGCTTTG

Nucleotide

>AdEXPA-11

AACCAATACCTTTAGGTCACAGAATAGCAAAAACCCTAACTGAAAAATCAACCTT
 TCAACATCCACCACCAAACCACACTCATTTAATAGAACAAAATAACAACGGAAA
 CATCTCGTTAATTCTTTAATAATAATAATAATAATAATAATAATAATAACATAAAAAA

AAAAAGAAGCAGAGCTGCGGGCTACACGTATCTTGTAACCTCTTCAATCCCCCA
CACTTATTTTAGCAAACTAAGAAGAAAAGGATTGCTAATGGTTGGTTATTAAT
AACATAGTAACACTGCGCAACACATCGCACGCTTTATCAACACAATCACACCTAG
GAATTGGTACTCAATAGTCAATACCCTCCACCGACATTTTTTTTATACTATACTTA
TATTGTAACCTTTTCTAAAATAACTATGTTAGATTAGCATTACCCACTTCAA
CACTTCCCAGGAAAATAGAGGAAAGTATTAATGTGGGAACTCAAACAAACAA
ACACACAAAGCCCAAAAAAAGTACAAAGAGGAGCCATATCATTTCATTTTTTCT
AGCGTTGAACTTTTTTTTTTTTTTATCAATTTTAGACGCGGAAATCTTGCCCGTG
AAGTTTGTCCAACTGCCAATTAGGCGGTGCCACATTCCATGAGGTTGAGGTGC
GCTTGTCACTGCCGGTGACTCTAAAGGAGAGAGCCTGGCCCACTAAAACGGCATT
GGATTGCCAATTTTGCCCCAGTTGTGGCTCATGCTTGCCACGCAGTATTGGTAC
CCTTCACACTCGCGGCACGATATCCCCAGCACCCGCAACATTGGTGATCAGAAC
CAGGTTGAAGTAACGGAAGCCATTGATTGTGAATCTGATACCTCCTGTTTTTCTAC
ATGGCACCCCTGTTAGATTAATAAAAAAGTTAGAAGTGATAGTATTGCTGAATG
TAAGAAGAAAATAGTATCAATACTCCTATTACGGATTACGAAGGCCCATAGGTT
TGTACTTTTCTACGGATGACTTATGTCTCAAATCAGCATGGATCTACGTAATAAT
GTTCTTCTGTGACTTTATGCCCTGATTTTCTGATAACAATTTAATTTTTTATGTTA
TTTACTAGAATACCCTCCATTTACTTATTATTTAATAATAATTTTTTATATAGGTAG
TGGAGTAAATTTTTCCACATTAAGTTATCACAAAATACCACAAAATAATTAAG
AAATGAGAATATGTAATTAATAAAAAATAAATGAATAATTATAATGGAATAATTGAA
AGACTAGAATATCCTATGACTACTTGTATTAGTAGTGACAATAGAGATTACTTTG
GTCAATTCGGCCTTAGATATCGGAACAATAAACATAGACCCTACGGGCCCAAAA
GCGCAAAAAGGCAGAGCTTCACAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAGGTTCTTG
TTTTACCAAGTCCTGTATTGATTTGGCAGCAAGTTTACTAATAAACCAATGATTAA
ACAAGTTTGCTAGTAATTGTTCCCTATAATCCTATATCACATATTGAAAGCGTACT
ATTACTCAACGCATATTAATAAAGGCTGTCATATCAGGTCATGTATGTGGAAGTG
TAGAACTATAAAATGCATGCAGCGAAATTAAGTGTTGTGGTTGTGGACAAAGAA
GAATGGTCTTTTTAGTTTCTACTATTGTATTTTTGGCAGTGTACAAAGCACCGAAA
AGAGGATTCGGTCTGGTAACCAAAAATAGTCACAACCTCGCGAGATATTTAACAT
TTATTAATGGTTGTAAATAATAAATAAGACAAATTCGGATTGTTTTTTAATTTTTA
TAGTATTACTGTTATGGCTGAACTGCTGATGCCATTCTAACACACTCTTCGTTCC
TTCCACAAGCAAATTAACCATCTGGACAGCTGGTAGAATACCTCATCAATATTT
AGACACATTAATAAAAAATAAGTTCTGTTATCTAATGTTGTAGTAGTAAAAAAAAA
TTAAGAATTATATATGGTTAATTAACCTTTTAAATTTTTAAAGTATTGAGCATTTT
AAAAAATATTCTTCCAATAAAATTTATTAGTTTCAAAAAAATTAAGAAATGTTTT
ATTAACACATTCTCGTTAAACCTTCAAATAAATTAATAAAGACTTGACAGACTA
AAAGCCAGAGACAAAACCTCATTTTTACTTTGAGGCTATCTAAACAAAGATTATTA
AAATTGGAGAGTGTTAGGTAAACATTGACTATCTTAAATAATATGAATAACTCTA
ATTTAATACTACTAATTAATTTAAGATTAATTTATTCTTTTACTCTTATTAATTTA
AATTATTCACACATTGTTCAAAAATATTATTGATTACCTATACTTTTTTCATTAATA
TTATATTCATGAAATAAGAATTTATCGCATATTTGTGCATGAAATGACTTTTTTTA
TAGATAGATATAATAATAAAAAAGAAAAGTTCTACCAATAAATTAAGAAAAAC
AAAAGACTCAAATGTGAAAATTAGTTACTCTTTCTCTACTACTAATTGCAGAC
TTAATTTTTTCTTAAGGCATGTGACTTTCCCGCATATTTTCTGGGCAACCGGACAG
CAAATCATGGGAAAACCAATCACCTCCATTAAGCTGAAAAAGCCAAAACAAT
TAGCAAAAGAATAAAAAAATTAACAGGACTCACCGGCGGTAAGCAACCGGAACG
ATTCCGGCGCGGTATTGAGCGATCTTGAGGAACATTGGCATGGCAAGATCGAAGT

