

## IDENTIFICATION

**Species:** *Ricinus communis*

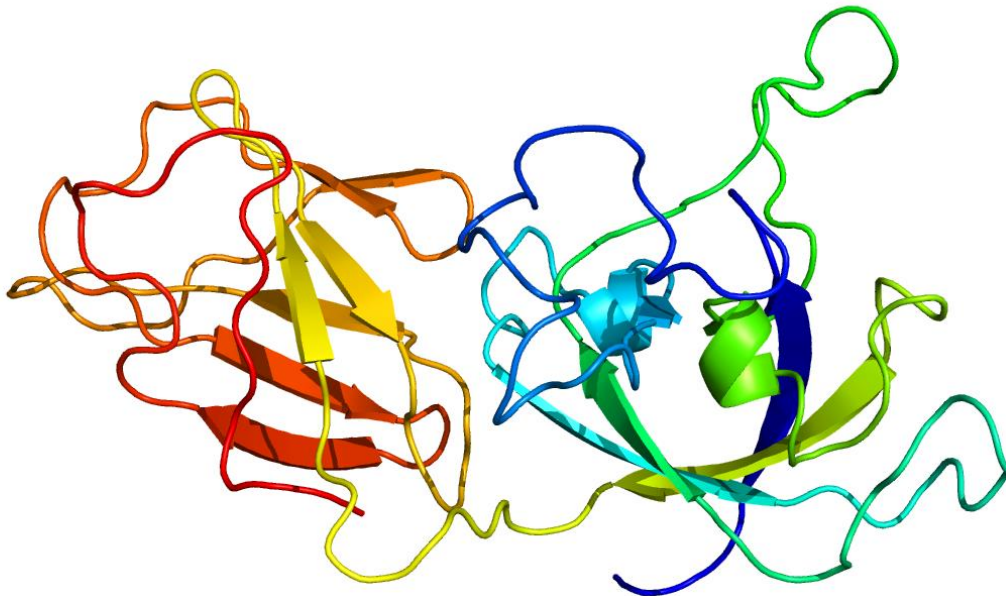
**Locus:** 30076.m004517

**Gene Model:** 30076.m004517

**Description:** RcEXPA-12

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis\\_v0\\_1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Rcommunis_v0_1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01087>

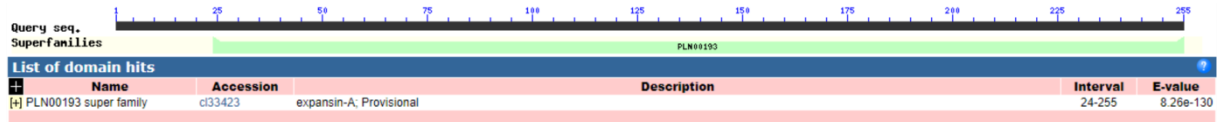
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>RcEXPA-12

MVMPCVYSCFMLLLGMLSIELHVASAAWLRHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL  
YTDGYGKTAALSTALFNDGKSCGGCYQIVCDATQVPQWCLKGYITITATNFCPPN  
FNLPNDDGGWCNPPRPHFDMSQPAFETIAKYRAGIVPILYRKVRCRSGGIRFTINGK  
NYFELVLISNVGGAGEISNVWVKGSKSNKWETMSRNWGANWQSLSYLNGQSLSFRV  
QASDGRVTALNVAPSNWVFGQSFKSKVQF

### CDS (coding sequence)

>RcEXPA-12

ATGGTGATGCCTTGCGTCTACAGTTGCTTTATGCTATTGCTAGGGATGCTTTCCAT  
AGA ACTACATGTAGCATCCGCGGCCTGGCTACGAGCCCATGCAACTTTCTATGGT  
GGAGGTGACGCCTCTGGTACAATGGGTGGTGCTGTGGATATGGTAATCTTTATA  
CCGATGGTTATGGAACCAAACTGCTGCACTCAGCACTGCTTTGTTCAATGATGG  
AAAGTCGTGCGGTGGCTGCTATCAGATTGTCTGCGATGCCACTCAAGTTCCTCAA  
TGGTGCCTCAAGGGCACTTACATTACGATAACTGCTACAACTTCTGTCCACCCA  
ACTTTAATCTCCCTAATGACGACGGAGGCTGGTGCAATCCCCACGACCTCACTT  
TGACATGTCTCAACCAGCCTTTGAGACTATTGCCAAGTACAGGGCAGGAATTGTA  
CCTATTCTATACAGGAAGGTGAGATGCAAAAGAAGTGGAGGCATAAGGTTACC  
ATCAATGGAAAGAACTACTTTGAACTAGTGCTTATATCAAATGTAGGAGGAGCAG  
GAGAGATTTCTAATGTATGGGTCAAAGGGTCAAATCCAATAAATGGGAAACCA  
TGTC AAGGAATTGGGGTGCCAATTGGCAGAGCTTAAGCTATCTCAATGGCCAGAG  
CTTGTCCTTTAGAGTCCAAGCTAGCGATGGGAGGACCGTAACAGCTCTTAATGTT  
GCACCTTCCAATTGGGTTTTTCGGCCAATCTTTCAAAGCAAAGTCCAATTTTAG

### Nucleotide

>RcEXPA-12

ATGGTGATGCCTTGCGTCTACAGTTGCTTTATGCTATTGCTAGGGATGCTTTCCAT  
AGA ACTACATGTAGCATCCGCGGCCTGGCTACGAGCCCATGCAACTTTCTATGGT  
GGAGGTGACGCCTCTGGTACAATGGGTAGTATCCATGTTTCTTTTCTTTTTTTTT  
TTCTTTTTTTTCCGTAGCTCACTTTTTTCTTGTCAAGAAATAGCTATAGCTAAGACT  
AGTGGACTGGCCTTGAATGTATAGGTGGTGCTGTGGATATGGTAATCTTTATAC  
CGATGGTTATGGAACCAAACTGCTGCACTCAGCACTGCTTTGTTCAATGATGGA  
AAGTCGTGCGGTGGCTGCTATCAGATTGTCTGCGATGCCACTCAAGTTCCTCAAT  
GGTGCCTCAAGGGCACTTACATTACGATAACTGCTACAACTTCTGTCCACCCAA

CTTTAATCTCCCTAATGACGACGGAGGCTGGTGCAATCCCCCACGACCTCACTTT  
GACATGTCTCAACCAGCCTTTGAGACTATTGCCAAGTACAGGGCAGGAATTGTAC  
CTATTCTATACAGGAAGTATGTTTTCTCAATCCTCAACTCAAATTTGAACTCATAT  
GTTTTATCAATTAAGGCTGATTCGATAATATGATATAAAGTAATATATATTCAA  
GCTACTTTCATATTTAAACCTATGACCTCTTGGTAGAGATCTAGGACAATTATCCT  
CAAGATTAGTACTTATAGGAATTAGTGTGGTAACAAGGTTACGTTTTTTTTGGTGCT  
TCAGGGTGAGATGCAAAGAAGTGGAGGCATAAGGTTCACCATCAATGGAAAGA  
ACTACTTTGAACTAGTGCTTATATCAAATGTAGGAGGAGCAGGAGAGATTTCTAA  
TGTATGGGTCAAAGGGTCAAATCCAATAAATGGGAAACCATGTCAAGGAATTG  
GGGTGCCAATTGGCAGAGCTTAAGCTATCTCAATGGCCAGAGCTTGTCTTTTAGA  
GTCCAAGCTAGCGATGGGAGGACCGTAACAGCTCTTAATGTTGCACCTTCCAATT  
GGTTTTTCGGCCAATCTTTCAAAAGCAAAGTCCAATTTTAG