

IDENTIFICATION

Species: *Amaranthus hypochondriacus*

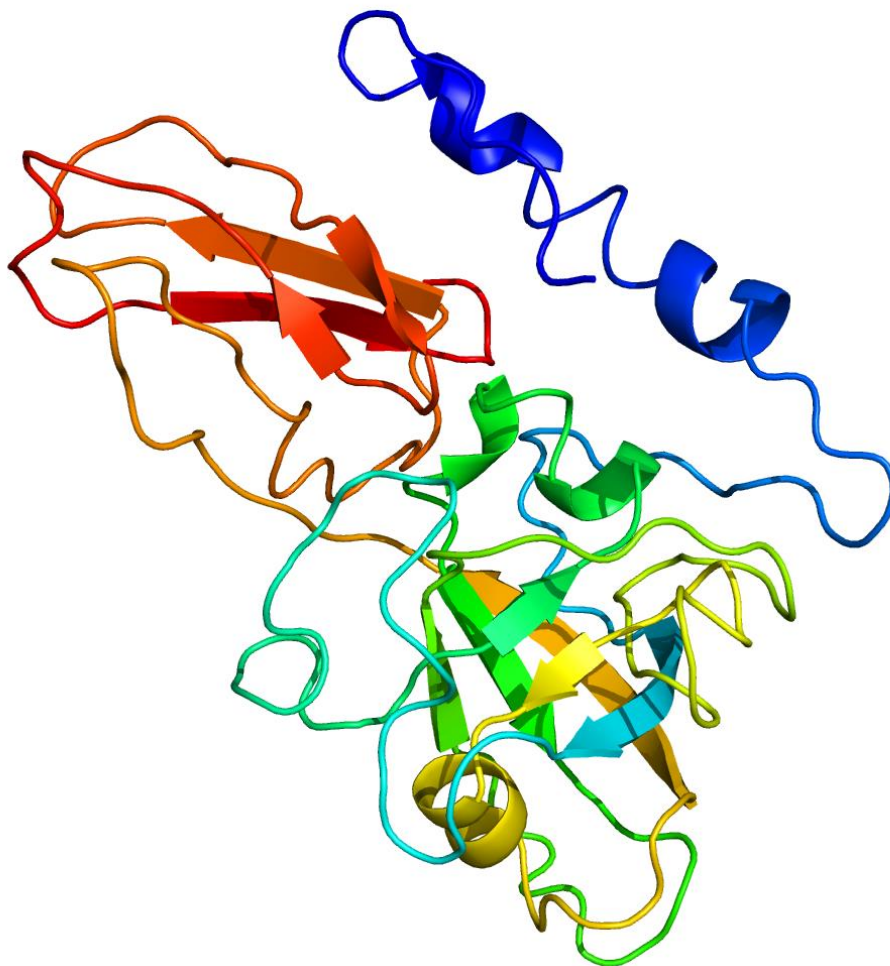
Locus: AH018483

Gene Model: AH018483-RA

Description: AhyEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



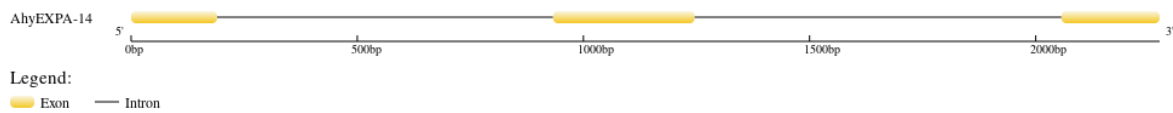
GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ahypochondriacus_v2_1

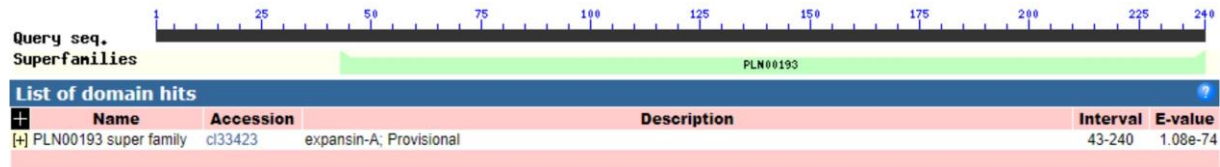
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=amaranthus+hypochondriacus>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AhyEXPA-14

MTGQIIRSKGFNMMVMVVMIMTMIPSTVVNAYYTPSTS YTPPATTWKLAHATFYGD
ETASETMGACGYGNLHESGYGLATAALSSVMFNNGKGCCTCYELKCVNSKWCLSN
APSIKITATNLCPPNWKPTDNAGWCNPPRSHFDLSKPMFMKIAQVRGGIVPVNFKR
QGGIRLRFQGNPYWLLVYVMNVGGGGDISQMWVKGSQTGWVSMRNWGWASQAF
AKLGGQPLTFKLMNGRGE*

CDS (coding sequence)

>AhyEXPA-14

ATGACGGGTCAAATAATTAGATCAAAGGTTTCAATATGATGGTGATGGTGGTGA
TGATCATGACGATGATACCATCTACGGTTGTTAACGCCTATTATACTCCATCAACG
TCCTACACTCCACCAGCGACA ACTTGGAAAGCTAGCCCATGCTACATTTTACGGGG
ATGAAACTGCTTCAGAGACTATGGGGGCATGCGGGTACGGGAACTTGCACGAGA
GCGGGTACGGGTTAGCGACAGCAGCACTAAGCTCGGTGATGTTCAACAATGGAA
AAGGTTGTGGGACTTGTTATGAGCTCAAATGCGTTAACTCAAATGGTGTCTAAG
TAATGCACCTTCGATTAAGATTACGGCCACCAATCTCTGCCACCAA ACTGGTAT
AAACCCACCGATAATGCCGGGTGGTGCAACCCGCCTCGATCCCATTTTCGACTTGT
CTAAGCCCATGTTTCATGAAGATTGCTCAAGTTAGAGGTGGCATTGTTCTGTCAA
CTTTAAAAGGCAAGGAGGAATTAGACTAAGATTCCAAGGAAACCCATACTGGTT
ATTAGTATATGTAATGAATGTAGGAGGAGGTGGAGACATATCCCAAATGTGGGT
AAAAGGTTCCCAA ACTGGATGGGTTAGCATGAGCCGTAATTGGGGAGCTTCATTC
CAAGCATTTGCTAAACTTGGTGGCCAACCTTTAACTTTTAAGCTCATGAATGGAC
GTGGGGAA

Nucleotide

>AhyEXPA-14

ATGACGGGTCAAATAATTAGATCAAAGGTTTCAATATGATGGTGATGGTGGTGA
TGATCATGACGATGATACCATCTACGGTTGTTAACGCCTATTATACTCCATCAACG
TCCTACACTCCACCAGCGACA ACTTGGAAAGCTAGCCCATGCTACATTTTACGGGG
ATGAAACTGCTTCAGAGACTATGGGTTAGTACGCTTTTCTTAATTAATTAGTAGG

ACTCTCTTTGTTTGCATGCTCGATTAACAAATTAAACTACGTACGCACCTCCTAAA
ATGCTATAATTATTAAGACCAGACTTACATAGAACGAATTACCTCGAAATTA
TCTGACATTTTTTTTTCACATTTATTTCTTGTGAGACGCTATTTTAATTGATTTG
AAAAACGATTTATATTGTTTTTTGATGTTGACTTGAGAAAAACGCACTAAATTTCA
ATTTTTTTTTAAAATTTACTCGTTGTATTATAACAATATTTGATGTGTGTTATAGAT
TTTCAAATTACATTATATATAATTAAGGCAATTTTTTTTGAAATAAAAATATTTTT
AAAAAGTCGTTTTTGATAAGTTTAAGGAAAAACTGATAATACAATCTTTTGTTTAT
TTCCTTATAATAATATCAACTTTTGATTAACCATGAATAATACCATTTTAAAGGAG
TGTTTCCCTAGAAAATCCTTAACATGTAAAAAAAATTAAACTACATGTGATTAAT
TATAAGACAAAAAAATTTTAGTTAATTAGTTAATGTATTAAGTTGGTATTATTTT
AGGAAAATACACGCTAAGTTGGTATTATTCTAGGAAAATACACGCTAAATTGGTA
TTATTCAATGGTTAATCAATAATTGGTATTACTAATGTAAAATTGATGAATGCTTA
AAAAAGTAATTATGAAATTGTGGTGAAAATAAAAAAGGAGGGGCATGCGGGTAC
GGGAACCTGCACGAGAGCGGGTACGGGTAGCGACAGCAGCACTAAGCTCGGTG
ATGTTCAACAATGGAAAAGGTTGTGGGACTTGTATGAGCTCAAATGCGTTAACT
CAAAATGGTGTCTAAGTAATGCACCTTCGATTAAGATTACGGCCACCAATCTCTG
CCCACCAAACCTGGTATAAACCCACCGATAATGCCGGGTGGTGCAACCCGCCTCGA
TCCCATTTGACTTGTCTAAGCCCATGTTTCATGAAGATTGCTCAAGTTAGAGGTGG
CATTGTTCCCTGTCAACTTTAAAAGGTAGAATGTTTATCTCTTAACTATTCATACT
TTTATTTTTGGCATCAGAGCGAAAAATAAAAAAGGATTATTTAGTAAAAAAAATGT
AAATTACATCTAAATTTAATACAAGTTGATATCGACCATAACTCAAATACATTT
TTATTGGACCCTAAAAAATTTGGGGCCCTGGGCGGTAGCCCACTTTGCTCTTGCTC
ATTGACGGTCATGCCGTTTAAGGAAGACATACGGGTAAAATTATACAAATTTTCT
GTATCCGCTTTAGTTGGGTGGGTACGGGAATGGATTTGATTAGTAGTGAATAGAT
AATGATATAGGTATAAAAAGTCTTAGTCGCCATGGGTATTGGGCCGGATAGGGG
GTATGAGGTTTTACCCCGCCCCATACCCATCTCGATTTGCTCCATATTTCAAATT
ATTACTCTATATCGAATTTGTATATTTATATTA AAAACTATTGATTAAGAATATTA
ATTTTATTTAATTACATTGTATATAGA ACTAGCTCATAACGCGTACTTGTAGTGAA
TGTGAGGTGAACGTCAGGGCGTGTATGGTATACCCATAAATGGGTATATGCCAC
TTTGT CATATGGGTGGCCGTGGGGATAAGCTGAATGCATACCAAGATGAATAGAC
GTGAGTATGAAAATTTAACCACGCAAAACAAATAATTGTTAGATGGTGGGTATG
GATATGAGGAGGGTATTCCACACTCACCCGCCAGTTTGTCAATCCTATTATAGA
AGTTCTATTATTTGACTTATATTATCAATCAAACATTATATGCAGGATATCATGT
GTAAGGCAAGGAGGAATTAGACTAAGATTCCAAGGAAACCCATACTGGTTATTA
GTATATGTAATGAATGTAGGAGGAGGTGGAGACATATCCCAAATGTGGGTAAAA
GGTTCCCAAACCTGGATGGGTAGCATGAGCCGTAATTGGGGAGCTTCATTCCAAG
CATTTGCTAAACTTGGTGGCCAACCTTTAACTTTTAAGCTCATGAATGGACGTGG
GGAA