

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

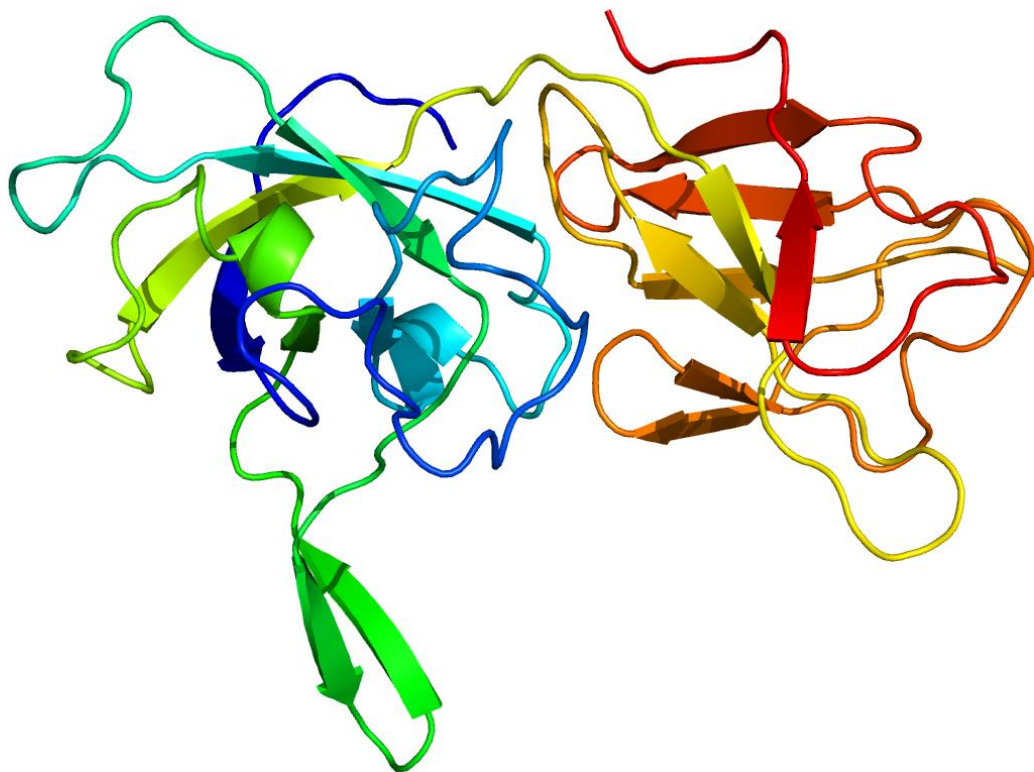
Locus: Ca_08727

Gene Model: Ca_08727

Description: CarEXPA-23

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

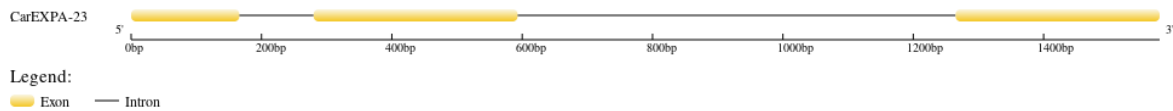
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

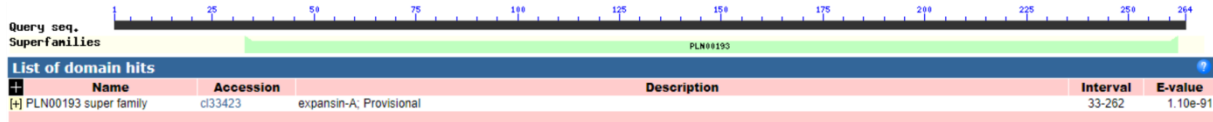
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-23

MTAIHQYCSLLVTITIQLIITIIVKPTLVAGRFPQSQWTLAHATFYGDETASATMGGAC
GYGNLFVNGYGTDTAALSSTLNFNGYACGTCYQIKCVQSSACNNVPYTTVTATNLC
PPNWSEASDNGGWCNPPRSHFDMSKPAFMKIAQWKAGIVPIMYRRVPCARSAGLRF
SFQGNRYWLLVYVMNVGGGGDIANMWWKGSRTGWISM SHNWGASYQAFATLRGQ
TLSEKITSYTTKETIVAWNVAPSNWGAGLTYSTHANFL*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-23

ATGACTGCAATTCATCAATATTGTAGCTTGTTGGTTACAATTACAATTCAATTGAT
AATCACAATCATCGTTAAGCCAACATTAGTAGCGGGTAGATTTCAACCCAGTCAA
TGGACTCTTGCTCATGCCACATTTTATGGTGATGAGACTGCTTCTGCCACCATGGG
TGGAGCGTGTGGGTACGGAAATTTGTTTCGTGAACGGTTATGGGACAGATACAGCA
GCATTGAGTTCAACATTGTTCAATAATGGGTATGCGTGTGGGACTTGTTATCAA
TAAATGCGTGCAATCTAGTGCATGTAACAATGTTCCCTTACACTACTGTCCTGCC
ACCAATCTTTGCCCTCCTAATTGGTCTGAGGCTTCTGATAATGGTGGATGGTGCAA
CCCACCACGTTACATTTTGATATGTCTAAGCCCGCTTTCATGAAAATTGCACAGT
GGAAGGCTGGTATCGTCCCTATTATGTACCGCAGAGTACCTTGCGCAAGGAGTGC
AGGGCTTAGATTCTCTTTCCAAGGAAATAGATATTGGCTATTGGTATACGTGATG
AATGTGGGGGGTGGAGGAGATATTGCTAATATGTGGGTGAAAGGAAGCAGAACA
GGGTGGATTAGCATGAGTCACAATTGGGGGGCTTCTTACCAAGCATTTGCAACAC
TTAGGGGCCAAACTCTTTCTTTCAAGATTACTTCCTACACCACCAAAGAACTAT
AGTAGCATGGAATGTTGCTCCTTCCAATTGGGGTGCTGGATTAACCTATTCAACC
CATGCCAATTTCTTTAA

Nucleotide

>CarEXPA-23

ATGACTGCAATTCATCAATATTGTAGCTTGTTGGTTACAATTACAATTCAATTGAT
AATCACAATCATCGTTAAGCCAACATTAGTAGCGGGTAGATTTCAACCCAGTCAA
TGGACTCTTGCTCATGCCACATTTTATGGTGATGAGACTGCTTCTGCCACCATGGG
TACGTTATCATTTCCAAAACCATTTCAAAAATTAATTATCATGTTCTTATATTTTTT
TTAAATATTTGTTTGGTAGTAAATAATATGACTTATTTTTAATACGGACTTAAAAG

GTGGAGCGTGTGGGTACGGAAATTTGTTTCGTGAACGGTTATGGGACAGATACAGC
AGCATTGAGTTCAACATTGTTCAATAATGGGTATGCGTGTGGGACTTGTTATCAA
ATAAAATGCGTGCAATCTAGTGCATGTAACAATGTTTCCTTACACTACTGTCACTG
CCACCAATCTTTGCCCTCCTAATTGGTCTGAGGCTTCTGATAATGGTGGATGGTGC
AACCCACCACGTTACATTTTGATATGTCTAAGCCCGCTTTCATGAAAATTGCACA
GTGGAAGGCTGGTATCGTCCCTATTATGTACCGCAGGTAATTAATTCAGAAATCT
TTTTTGCACACACTCTATAATAATAGATTAATAACATATAAAATGGAGATATCGA
GATAATCACACATTTGAATTCGAAATATCAAATTAATAATATGAGTCGTCTATCTT
GATTCGGTGATGCAAATTGACAATGACATGATTAAGTGAACACACAGTTCAAATT
TCTTATTCACTTAATCATGCATTTGACAAAGTCAAATGATGTAAGACTATTTGACA
AAAATCATTGATAGATTTTCATGTTTCACTTTGATAATTTGAGTTAAAATATAAAGT
CAAAATATGAAATGTTAGACGATCCAAATTGTCAGCTATACGGTTGCGTGAATGT
AGTGTTAAGATTTTCCATTGTCACACAATCATGCATTTGATGCAATCATGTGATAT
AACTACCGGATCAAAATTAGACACTTCATGCTTTAACTTTATTAATTCGAGTCC
CAAATAGATAGTTGAAATCTGAATCGTTCAATCTTAGATTATCATATAAGGACAA
CTATGTGATTTTGTGATCACAAATAATTCAAATCGGATGAAAAAACACTTATTTA
TTTATTGTATCATTTATCTTTTATGGAGATTGCTCAATTTAACTTAAAACAAGGGA
TATGTGTGTGGCTTTAATTTGTTGATAAAACTTGAATTTCTTAGAGTACCTTGCGC
AAGGAGTGCAGGGCTTAGATTCTCTTTCCAAGGAAATAGATATTGGCTATTGGTA
TACGTGATGAATGTGGGGGGTGGAGGAGATATTGCTAATATGTGGGTGAAAGGA
AGCAGAACAGGGTGGATTAGCATGAGTCACAATTGGGGGGCTTCTTACCAAGCA
TTTGCAACACTTAGGGGCCAAACTCTTTCTTTCAAGATTACTTCTACACCACCAA
AGAAACTATAGTAGCATGGAATGTTGCTCCTTCCAATTGGGGTGCTGGATTAACC
TATTCAACCCATGCCAATTTCTTTAA