

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

Locus: Oeu021697

Gene Model: Oeu021697.1

Description: OeuEXPB-05

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

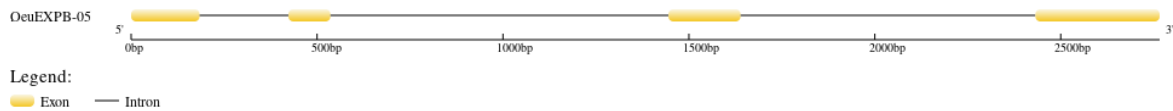
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

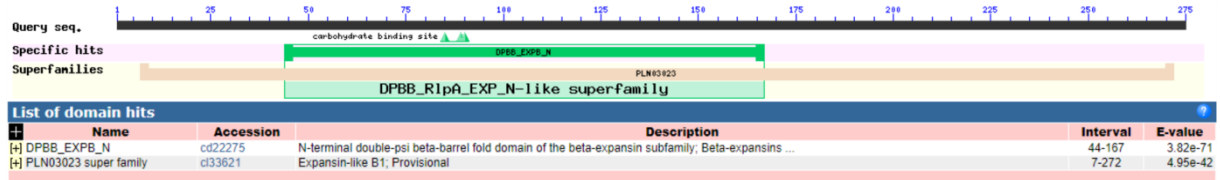
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPB-05

MASLSQFSFSHMLVFILLAFFCFSNLCFCFKPKHFNLSTQAVHWSSAGATWYGSPDG
AGSDGGACGYGNIVSQAPFSSLVTGIGPSLYNSGKECGACYKIKCTKHPMCSGKPV
VVITDFCPGGPCASESAHFDLSGTAFGSMAIPGEENKLRDAGVLQIRYARVACDYS
KTIMFHVDPGSNHEYFAVVVEFEEDGDLARVDLLQASSEPDWWEMNQSWGAVW
QLNAGTELHPPFSIRLTSQYSGQTLVAKNVIPIGWQPGATYRSLVNYL*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPB-05

ATGGCAAGTTTATCCCAATTCTCCTTTTCGCATATGCTTGTCTTCATTCTACTTGCC
TTCTTTTGTCTTCTCCAACCTGTGCTTCTGCTTCAAACCCAAACATTTCAATCTATCC
ACTCAAGCTGTGCATTGGTCATCCGCCGGCGCTACTTGGTACGGTAGCCCTGATG
GTGCCGGAAGTGACGGAGGAGCCTGCGGATATGGAAACATAGTGTCAAGCAC
CATTTTCTTCTCTTGTCACTGGAATTGGCCCATCCCTCTACAACCTCAGGCAAGGAA
TGTGGAGCTTGCTATAAGATAAAATGTACAAAGCACCCGATGTGTTCCGGCAAAC
CGGTGAGGGTCGTTATCACTGATTTTTGTCCCGGAGGCCCATGCGCATCGGAATC
AGCTCACTTCGATCTAAGTGAACAGCATTGTTCCATGGCCATCCCGGGTGAA
GAAAATAAACTTCGCGATGCAGGAGTATTACAAATTCGATATGCAAGGGTTGCGT
GTGATTATTCGGGGAAGACCATCATGTTCCATGTGGATCCGGGGTCCAATCACGA
GTATTCGCGGTGGTGGTTCGAGTTCGAAGAAGGAGATGGAGATCTTGCTAGGGTT
GATCTGCTGCAAGCATCAAGTGAACCTGATGAATGGTGGGAGATGAATCAATCAT
GGGGTGCAGTGTGGCAATTGAATGCTGGTACAGAATTGCATCCTCCATTTCAAT
CAGGTTGACATCTCAATATTCTGGCCAAACCCTGGTGGCGAAAATGTAATTCCG
ATTGGTTGGCAGCCTGGTGTACTTATAGATCCCTAGTAACTACCTTTGA

Nucleotide

>OeuEXPB-05

ATGGCAAGTTTATCCCAATTCTCCTTTTCGCATATGCTTGTCTTCATTCTACTTGCC
TTCTTTTGTCTTCTCCAACCTGTGCTTCTGCTTCAAACCCAAACATTTCAATCTATCC
ACTCAAGCTGTGCATTGGTCATCCGCCGGCGCTACTTGGTACGGTAGCCCTGATG

GTGCCGGAAGTGACGGTATGTCAAAGATTAAGTTTAAATAAATCCATTTGTTTCGT
CCTCCATACCAACTCAAACCTTTTAAATGAAACGATTCAATATCGTAATAAAAGTC
CTGAGTTCAAGTTAAGGTTCTTCTCATTACGAAATTTGTGTACATAAAATAAGCG
TGTTGATTTAAAGCGGTAAGGTAGTCATGGTGTACGAATAGCTTATGTTTAAAGTA
TACTAAAGAGTGACATAATATCATTGCATGCAGGAGGAGCCTGCGGATATGGAA
ACATAGTGTACACAAGCACCATTTTCTTCTTGTCACTGGAATTGGCCCATCCCTC
TACAACTCAGGCAAGGAATGTGGAGCTTGCTATAAGGTATATACAAATCACCCAG
TTCTATAAAAACCTTTTCGAGATATATTTAGTACACAGTATTAGACTGGAATGAACG
ATAAGCACAACCGTGTTAAGTTTTTAAATGCATTTAACATTTTTCTTTCTGTTGTC
AATTC AATAGTGTGGACTGTACCTAAAACCTTTCAATTAGCCAATTATTA AATTAG
GGAAAAGATAAATATATTTATACTATAGTTTTCAATAACTGGACTACATTTTAATT
ACATGAGATGCTCATAATTTTTATACGCTATCACATTTATGTCTTAAACTTTTTGA
CATGATAATCTTATTATCAAATTAATATAAATTGTTCCCTGATTATAATTTCTCTCT
AAACTTTTCTTTAAGATAGAGTAAAAGGACTCACTTTCTCATAATATTTTTGAATA
AGCAAAACAAATAACTGGATTATACTATTTGTACATAAAAAATTTACATAAAG
AATTACATAAAATGAAATGGAGGAAAAAGATTTGTTGAAAAAGTTGATTGTGTTT
CAAAC TGATAAATGATGGCGTGACATGTGGTATTATGTAATTCATTATGTAAAAT
TTAATATACATGTAACAAAGTCCAATAACTACATAATGTGATTAAATATTTGA
CATTCATTTTAAAGTATGTTAACAACATTTTTGGACGGAGACCAA AATTAAGGAC
AAAATTTTCTTATCATT AATGACAAAAAAGTTATGAATATAAATTTGATAACGAT
AAAGGTTAATGATCTTTAATATAATTA AAAATAGTGTATTTAAAAA AAAAAACA
CATATGATAACCATCCTTAAGAGAAATAATGACCAAGTTAAAATAATAAAATCTA
ATATTTATTGTTTTTTGTCATTCTTATATGTGTAATATATTCATGTTCCAATAATTGT
TAGATAAAATGTACAAAGCACCCGATGTGTTCCGGCAAACCGGTGAGGGTCGTTA
TCACTGATTTTTGTCCCGGAGGCCATGCGCATCGGAATCAGCTCACTTCGATCTA
AGTGGAACAGCATTGTTCCATGGCCATCCCGGGTGAAGAAAATAAACTTCGCG
ATGCAGGAGTATTACAAATTCGATATGCAAGGTAAGTTGACGGCCTATTACCACC
AACGACGATGCAAGAAAATTTCAA AATGGCTAACATTTTATTTCGAATATGTTTC
AAAACTAAAATACTTTTCGAAAAC TCTAAAAGGTTTCAAAAACCTTGAAAAA
AAAAAACGTTAATATTTTTTTATTTGGATTAATCTTGTTGTACATTGGCTTCTACA
TAAGGGTGTTTCATCAACGTCTCGACATTGGTTCGAGGCGCCTGTGGGCGGGGCGT
GATGTCCATAATGGACATCCTTATATAGAAGTCAATGTACATGTAACATCTTTCTT
TTTATTTTTTAAAGAAATCATAATTTTAAAGAACTATAAATAAAAAATATAGATA
GATTGGAATGGTGGTCATTA ACTAGGAATACAATTGACAGCGGGCTTAACTTTT
TATAAAAAAAGCTAACAAATAATTTAGA ACTTTTTCCAGTGATAGAATGAATAAC
TTTTAATATATATGCCATAATGCATCGAGTTAATATCTTGATTTGACAGTTCGAAT
GGTTCGTAAATTTTTAATATTTGATTAATGTAAATTTTTTTTTAAATAAATTATTGA
ATTATAATGACTATCATATATATTTTCTCTCGTTGTTTTGTGTCCTTTTGCCAACAA
ATAACTCTTCCATATATCATGTACATTTTGGTCTGGTCTATGCATAAACTATCA
AGCATTATTCTCAATTCCTAAAAAATGGAATTAATGTTCTCGTCACATTTAAAAGT
TAAAACCCTTAATATCACGACTCCGCCTTGATCATTTTTGTGGTAGGGTTGCGTGT
GATTATTCGGGGAAGACCATCATGTTCCATGTGGATCCGGGGTCCAATCACGAGT
ATTTTCGCGGTGGTGGTCGAGTTCGAAGAAGGAGATGGAGATCTTGCTAGGGTTGA
TCTGCTGCAAGCATCAAGTGAACCTGATGAATGGTGGGAGATGAATCAATCATGG
GGTGCAGTGTGGCAATTGAATGCTGGTACAGAATTGCATCCTCCATTTTCAATCA
GGTTGACATCTCAATATTCTGGCCAAACCCTGGTGGCGAAAAATGTAATTCGGAT
TGTTTGGCAGCCTGGTGCTACTTATAGATCCCTAGTTAACTACCTTTGA