

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

Locus: CsGy7G001300

Gene Model: CsGy7G001300.1

Description: CsEXLA-03

Family: Expansin Like Alpha

3D structure:



GENOME DATABASES

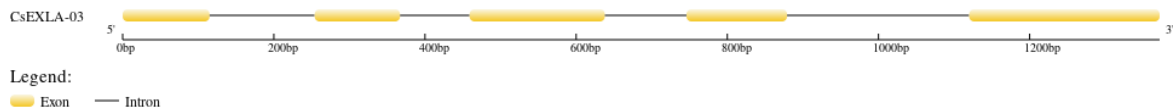
<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

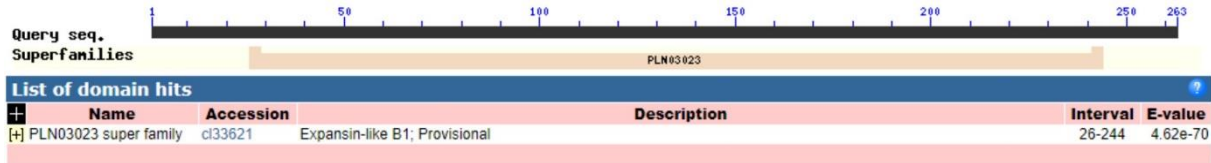
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXLA-03

MAWFLSLFFFLLVSFTNACDRCIHRSKATHYYGDSPTS YGGACGYGDMALEFTNGYF
SAAVPSLYKQGAGCGACFQVRCKDKRLCNTAGSKVVLTDQNYDSRADFVLSRKA
FSAALKKGKGQELLNTGIVDVEYKRIPCGYKNKNLAVRVEESSYNPNYLAVKLLYQGG
QTEIVAVEIAEVGSYEWVSLRRNYGAVWDTNKNVPGALQMRMAFTSGYDGKWVW
AEYVLPVDWKVGAIDYDTGVQIYDIAKESCPTSQCGDKPWK

CDS (coding sequence)

>CsEXLA-03

ATGGCTTGGTTCCTTAGCTTGTTCTTCTTTCTTGTCTCTTTACTAATGCTTGTG
ATCGTTGTATTCATCGGTCTAAAGCTACTCATTATTATGGAGATTCACCTACTTCA
TATGGAGGAGCATGTGGCTATGGAGACATGGCATTGGAATTTACCAATGGCTACT
TTTCAGCTGCTGTCCCCTCTCTATACAAACAAGGAGCTGGTTGTGGAGCATGTTTT
CAGGTAAGATGCAAAGACAAAAGACTATGCAATACAGCAGGGAGCAAAGTAGTA
TTGACAGATCAAATTATGATAGCAGAGCAGATTTTGTCTAAGTAGAAAAGCTT
TTTCTGCTATGGCTTTAAAAGGAAAAGGTCAAGAGCTTTTGAATACTGGAATTGT
GGATGTAGAATATAAAGAGGATACCTTGTGGATACAAAACAAAATTTGGCTGT
ACGAGTTGAAGAATCAAGTTATAATCCAAATTATTTAGCTGTTAACTTTTGTACC
AAGGTGGCCAAACAGAGATTGTGGCTGTGAGATAGCTGAGGTTGGTTCATATGA
ATGGGTGAGCTTAAGAAGAACTATGGAGCAGTCTGGGATACAAATAAAGTACC
AAAAGGAGCATTACAAATGAGAATGGCATTACTTCAGGATACGATGGAAAATG
GGTTTGGGCAGAATATGTTCTTCTGTCGATTGGAAAGTTGGAGCCATATACGAT
ACTGGAGTTCAAATTTACGACATTGCTAAAGAAAGTTGCCCAACATCACAGTGTG
GTGATAAACCATGGAAGTGA

Nucleotide

>CsEXLA-03

ATGGCTTGGTTCCTTAGCTTGTTCTTCTTTCTTGTCTCTTTACTAATGCTTGTG
ATCGTTGTATTCATCGGTCTAAAGCTACTCATTATTATGGAGATTCACCTACTTCA
TGTAATAAGTATTTATTTGAATTTCAATTTGTATTTGCTAAATATTTTGATTCATA
TACTTAATGTGTTTGTGATGATATTCTCCCAAATGAAAATGGTAGCATATCTAATT

TGTTTTTGGTATTATAATTTGATGTAGATGGAGGAGCATGTGGCTATGGAGACAT
GGCATTGGAATTTACCAATGGCTACTTTTCAGCTGCTGTCCCCTCTCTATACAAAC
AAGGAGCTGGTTGTGGAGCATGTTTTTCAGGTACATTTTCATGCTCAATTTGTATAG
ATATATATGAAAATATTTAAATTTTCAAATAATTTTCTTTGAAATGTATTGTTG
TTTTTGTAGGTAAGATGCAAAGACAAAAGACTATGCAATACAGCAGGGAGCAAA
GTAGTATTGACAGATCAAATTATGATAGCAGAGCAGATTTTGTCTAAGTAGAA
AAGCTTTTTCTGCTATGGCTTTAAAAGGAAAAGGTCAAGAGCTTTTGAATACTGG
AATTGTGGATGTAGAATATAAGAGGTGATCAATTATATTTTTGTTACAAAAACTT
TACCACTAACTATAACAATAATGTATATATTGATATAATATTGTGAGTGTTTAATT
AATTTTCTGATATTATTGTAGGATACCTTGTGGATACAAAAACAAAAATTTGGCT
GTACGAGTTGAAGAATCAAGTTATAATCCAAATTATTTAGCTGTAAACTTTTGTA
CCAAGGTGGCCAAACAGAGATTGTGGCTGTTCGAGATAGCTGAGGTAATTTCAA
ATCACTATATAACCAGTAATTTTTTAAATGGTTAAAATTACTTTTGGATGTGATTTA
TACCATCAAATTTGATTTTGAATCATTAATAATATGTTTTTGATTTGGTTTGACAAA
TGAGAAGAATATCCCGTGTTTCTTATCAAATTGTGAGGCCCTCCTTCATCACTCC
GAAATGAAACCGAAAACCTTGGATAGGGAATACTGAAAGATGCAGATTTGACTGT
TATGACAGGTTGGTTCATATGAATGGGTGAGCTTAAGAAGAACTATGGAGCAGT
CTGGGATACAAATAAAGTACCAAAGGAGCATTACAAATGAGAATGGCATTAC
TTCAGGATACGATGGAAAATGGGTTTGGGCAGAATATGTTCTTCCTGTCGATTGG
AAAGTTGGAGCCATATACGATACTGGAGTTCAAATTTACGACATTGCTAAAGAAA
GTTGCCCAACATCACAGTGTGGTGATAAACCATGGAAGTGA