

## IDENTIFICATION

**Species:** *Medicago truncatula*

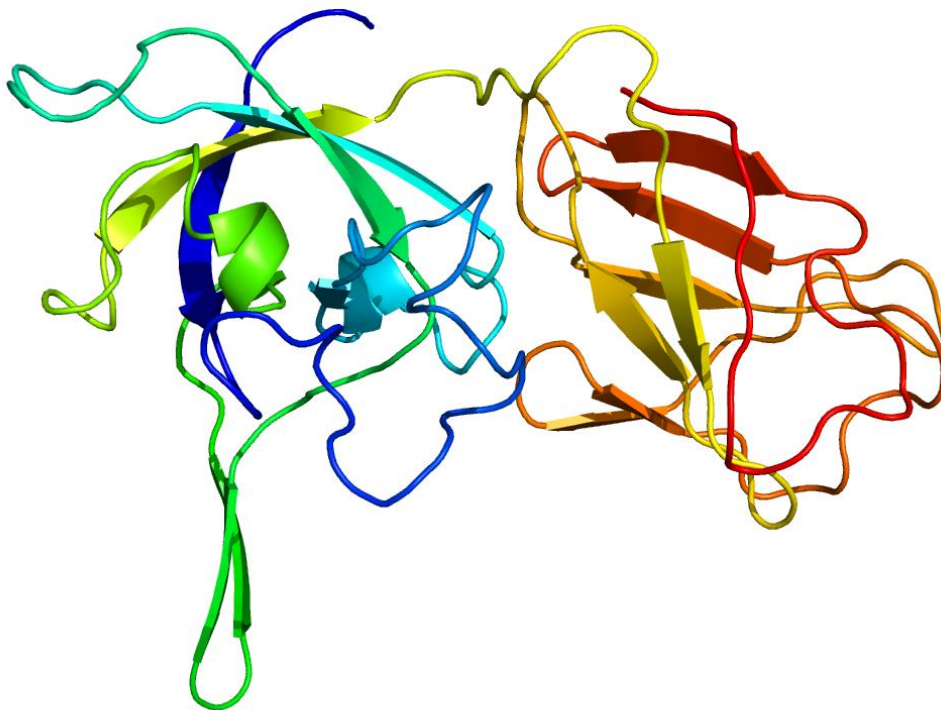
**Locus:** Medtr3g435430

**Gene Model:** Medtr3g435430.1

**Description:** MtrEXPA-05

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

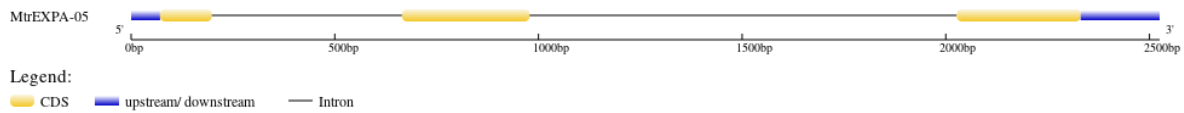
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula\\_Mt4\\_0v1](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

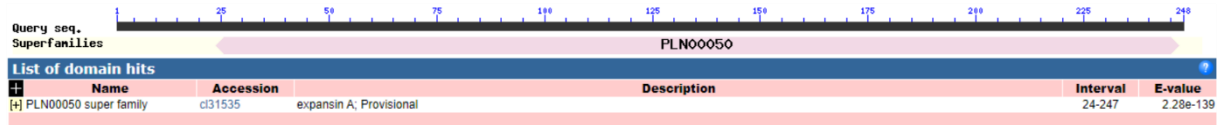
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>MtrEXPA-05

MALLVLFVGLLYLASSVFASNDGWINAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYSQG  
YGTNTAALSTALFNSGLSCGACFEIKCVNDQKWCLPKSIVVTATNFCPPNNALPNN  
GGWCNPLHHFDLSQPVFQQIAQYKAGIVPVAYKRVPCQKKGIRFTINGHSYFNLV  
LITNVGGAGDVTAVSIKGSKTNWQPMSRNWQNWQSNLNLDGQSLFKVTSSDGR  
VIANNVVPAGWSFGQTFTGLQF\*

### CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-05

ATGGCTCTTTTGGTGCTTTTCTTTGTTGGATTACTCTATTTAGCATCAAGTGTCTTT  
GCATCCAATGATGGTTGGATTAATGCTCATGCTACCTTCTATGGAGGAGGTGATG  
CCTCTGGCACAATGGGTGGAGCATGTGGATATGGGAACCTGTATAGCCAAGGGTA  
TGGGACTAACACAGCTGCTTTAAGCACTGCTCTATTCAACAGTGGATTAAGCTGT  
GGAGCATGTTTTGAGATAAAATGTGTTAATGACCAAAGTGGTGTCTTCCAAAAT  
CAATTGTGGTCACTGCAACAAATTTTTGTCTCCAAACAATGCACTTCCAAATAAT  
GCAGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTCTTCATCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTTTT  
CAACAAATTGCTCAATACAAAGCTGGAATTGTACCTGTTGCTTATAAAAGGGTCC  
CTTGCCAAAAGAAAGGAGGCATTAGATTCACAATCAATGGTCATTCATACTTCAA  
CCTTGTAATAATTACCAACGTTGGAGGAGCTGGTGTGTTACAGCAGTTTCCATT  
AAAGGTTCAAAAATAATTGGCAACCAATGTCTAGAAATTGGGGCCAAAATTGG  
CAAAGCAACTCTAACCTTGATGGACAAAGTCTCTCCTTCAAAGTCACTTCTAGCG  
ACGGTCGCACCGTCATAGCTAATAATGTTGTACCTGCCGGATGGTCCTTTGGTCA  
AACCTTCACCGGCCTTCAATTCTGA

### Nucleotide

>MtrEXPA-05

TCTCAATTGAGGTATTGATTCAATTAACACTATAATTTTTCTCAACACTCACC  
TTCTAAAGCAAAAAGATGGCTCTTTTGGTGCTTTTCTTTGTTGGATTACTCTATTT  
AGCATCAAGTGTCTTTGCATCCAATGATGGTTGGATTAATGCTCATGCTACCTTCT  
ATGGAGGAGGTGATGCCTCTGGCACAATGGGTGAGTAATTAACACTTCACAATTA  
TGCAACATAAAAATATTTTTCCACACCAAAAATTGGTCTCCTCTTTATGAATTGAAA  
TGATCTATGATATTTTAATTTTTTGTCTCAAATTTGCACCACGTACAAAAGGTTTT

ATGGTGCACAAAGTTGTAGACCATTAGAATTAAGAGGGAAAATTTCACTCTCTT  
AATCTAATGTTCAACAATCAATTGCACCACAAAATGGACAAGGTCTTGCTGTTGT  
AACAAATGCACGCAGTTTTCAATCTCAGCCGTCCGTTTGAGATCGAACGGTTGAG  
ATTAAAAATCGTGTCTTTAGTTAAAACAATCTCAACCGTATAAATTGTGATCGGAC  
GGCTATCAATCATTACAACACCCTGCTGTAACAATATTACTGGATTTCAAGTCATA  
ATATAAACCTTAAATATTATAATTATATAATTTTGTGTTTCATTGTTTATTGTAGG  
TGGAGCATGTGGATATGGGAACTTGTATAGCCAAGGGTATGGGACTAACACAGC  
TGCTTTAAGCACTGCTCTATTCAACAGTGGATTAAGCTGTGGAGCATGTTTTGAG  
ATAAAATGTGTTAATGACCAAAGTGGTGTCTTCCAAAATCAATTGTGGTCACTG  
CAACAAATTTTTGTCCTCCAAACAATGCACTTCCAAATAATGCAGGTGGTTGGTG  
TAACCCTCCTCTTCATCATTTTGATCTCTCTCAACCTGTTTTTCAACAAATTGCTCA  
ATACAAAGCTGGAATTGTACCTGTTGCTTATAAAAGGTATTTTAATTTTTCTATT  
GTGTATAAGCCTTTTCGGTACACCTTATGCTGAGGAAACTGCTATAACAGTGTTA  
ATATGATTCATTTTTGCTTGTTAAAAAAAATTCCTATTCTTTCTCTTATTTTC  
AAGGTAGTTTTGGAATATTTTAGTAGGAAATTGTCGACACCGCTTAATTTTACCA  
AATGTTTAATTACTTTTGTTAGTAATTGTGGTACTAACCTATCTTAAACATAAAA  
ATAAAACTATATATGATTTAAACAGTGATATGTCGTTGAGGTAGCTTTAAAACA  
TAAGTTGTCTTCATAAAATCTTTTAAATAGTCTTACAAAACCTTATGTCAATAAATA  
AATTTAAATCAATCAACTTAAAGAAACCCTAAATCTTTTCTTTGATTTTCAATTTT  
AAATTATGAAAGTTTTAATGCATTTTGTGGTTCGTGCTCAAAATTTAAGTTTTAAT  
ATTTTTCTCTATAAAATATCTTTCAAAAAAAAAAAATTTCTCTATAAAATAAAATA  
ATATATGTGTAATTATATATATATATATATAAAGAAATAAAATCCAATTCTCAA  
ACCGCTAGGGGATTCTCAAATTCCATTTTTATCCCCAAAATTTTCTTGATTATAT  
TTATATTAAGCTTAAATACATATATTTCTATTTTTTACAAGAAGACAACATTAT  
ATTTAACATGTTCTCATTCTAGGAATATTTTCCACTGGCATGGTGACGGCACACCT  
TAAGTTGTTATACCCCAAATAAATCTTGTTTATAAAAAATGATATATGAGTAATT  
ATATAAAAAAATAGTGAATTCCCAAATTCCATTTTTATCTTCCAAAAAATCTTGT  
TTATATTTATATTAAGATAACATATATTTCTATTTTTTACAAGAAAACAAGATA  
TATTTAACATGTTCTTATTCTAGGAATATATTTCCACTAGCATGGTGACGGCACTCC  
TTAACTTGTTATACCTTATCTTGCCACTTTAATTGATTCTCTTTAAGTTTCTCATT  
TAATTAATTGTTGATAACGTATAGGGTCCCTTGCCAAAAGAAAGGAGGCATTAGA  
TTCACAATCAATGGTCATTCATACTTCAACCTTGTACTAATTACCAACGTTGGAGG  
AGCTGGTGATGTTACAGCAGTTTCCATTAAGGTTCAAAAACCTAATTGGCAACCA  
ATGTCTAGAAATTGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAACTCTAACCTTGATGGACAA  
AGTCTCTCCTTCAAAGTCACTTCTAGCGACGGTCGCACCGTCATAGCTAATAATGT  
TGTACCTGCCGGATGGTCCTTTGGTCAAACCTTACCAGGCTTCAATTCTGATCGG  
ATATGATCCAGTGCATTAGTGCTGGTACATTTGCACTTGAGGATATAATATAAAC  
AAATAATAATTTTGTCAATTAGGTGTGTTGGGTAGGCAAATTAAGGAATTACTAT  
AAATTTGTTATACTTAGTAGTAGTATGATACAATTGGGGTATATAATAGAAAAAT  
ATCAAATTAATAATATTGATATAT