

## IDENTIFICATION

**Species:** *Solanum tuberosum*

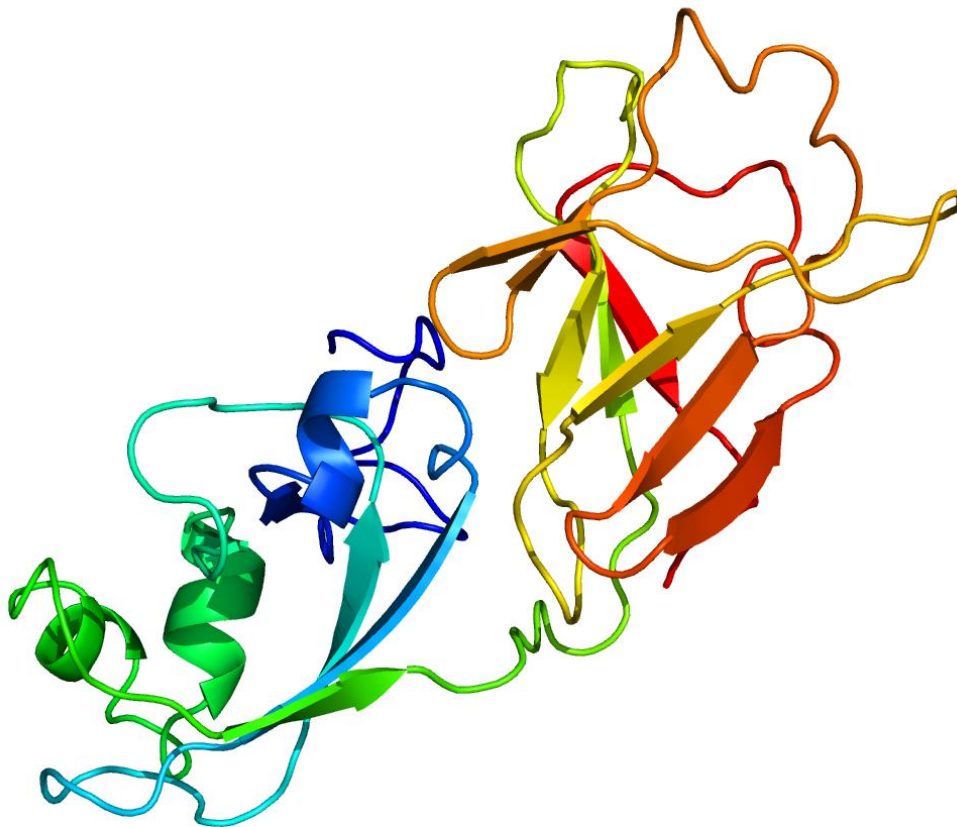
**Locus:** PGSC0003DMP400045511

**Gene Model:** PGSC0003DMP400045511

**Description:** StEXLB-05

**Family:** Expansin Like Beta

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

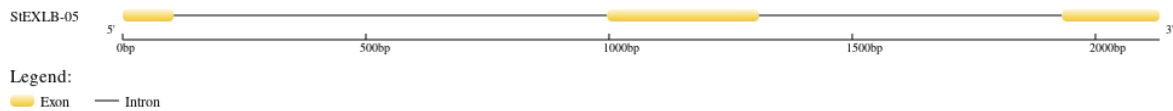
Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum\\_v4\\_03](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

## EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. GACGFGEYGRKIYDGKVS...  
Superfamilies PLN03023

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN03023 super family	cl33621	Expansin-like B1, Provisional	1-205	1.37e-120

## SEQUENCES

### Peptide

>StEXLB-05

GACGFGEYGRKIYDGKVS...  
GEGDHTDFILSVRAYSDMATSGMANHLLAYGVVDVEYRRVPCTYYGYNLMIKVHE  
HSRFCNYLAIVPIYQSGAFDIEAVEVWQADCKEWRGMRKAYGAVWDMPPKGS  
L TFRVQVSLNGEAAKWVQLADVLPDEWKAGIAYDTYLMMLD\*

### CDS (coding sequence)

>StEXLB-05

GGAGCATGTGGATTTGGTGAATATGGAAGGAAAATTTATGATGGCAAAGTGAGT  
GGAGTCTCTAGGCTCTACAGGAATGGAACGGGATGTGGTGCTTGCTATCAGGTTA  
GGTGCAAGGTACCAGGTCATTGCACAGATGAGGGTACAAAAATAGTAGTAACAG  
ATCATGGTGAAGGTGACCATACAGATTTTATACTAAGTGTACGTGCTTATTCAGA  
CATGGCTACCTCAGGAATGGCTAATCATTGTTGGCTTATGGTGTGTTGACGTTG  
AATATCGAAGGGTACCTTGTACGTACTATGGTTACAATTTAATGATTAAGTTCA  
TGAACATAGCAGATTTTGTAACTATTTGGCTATTGTACCAATTTATCAAAGTGGTG  
CATTTGACATTGAAGCTGTCGAGGTTTGGCAGGCTGATTGCAAGGAATGGAGGGG  
TATGAGAAAGGCCTATGGAGCAGTATGGGACATGCCAAATCCACCAAAGGATC  
ACTCACATTCAGAGTTCAAGTTAGTCTTAATGGGGAGGCAGCTAAATGGGTGCAA  
TTGGCTGATGTTTTACCTGATGAATGGAAGGCTGGCATTGCTTATGACACATACCT  
TATGCTAGACTAA

### Nucleotide

>StEXLB-05

GGAGCATGTGGATTTGGTGAATATGGAAGGAAAATTTATGATGGCAAAGTGAGT  
GGAGTCTCTAGGCTCTACAGGAATGGAACGGGATGTGGTGCTTGCTATCAGGTTA  
ATTAATTATATTATAAAATACTCCTTCCATTTC AATTTGTTTAAGATTACAATATT  
CAAAAATCTTCTTTATTTTCTTAAATTTTCGTATCAAATTA AAAATAGGATATTCAA  
TTGAAACAAAAAGAATACGTAGTAACTTTACTAAACATAATAATCCATTTAGCTA  
GTTTGAACCTTCAAAA ACTAAAGGTAATGAAAATGACACCCACATAACCATACAC  
AAGTGTACCACTTGACCTTATGAGAAAAGGCTCATCTATGTCATTATTTGTCAATT  
GAAATAGTATATATGAGCCAACTCAGATGGCATAAATGAGCCTTTTCTCAAAGT  
TCGATGACATATTTGAGTTTTTTTTCTTTTAAAACATAATTTAATTAATGACGTGG

CCGAACCATAATTGACCACATGTAAAAAATAATTTTACAAAATCAGAACTATTTT  
TTGTTAACAAATAATGAATGGATGAGTCTTTTCTCAAACGGAAATGACATATATG  
AGCCGAACTTGTAACGGATGACACATATGAGCCTTTTCTTAAAATTTGATGGCAT  
ATTTGAGTCTTTTCTACAATAAATTACAGTTGAAAATAAATTGACAAAAATGAA  
TAAATAATCATTTAGACTAATGCACAGATATCTCACTCTCTTTAAGAAGATTCAA  
GTCCACTGCAGCATTATAATCTACACCGATCCAGCAGTATATCTTTAAAAAGGTT  
TTTTCAGGATCTTAATTATTTTTTTTTGAAAAAATTGAACCAAAAACATGATTTTC  
TATCCATTTCCCGCTTCACCAACTCCCTGAAAAAAAACACATGGTGAAAAACAGA  
TTCTCGTCAAATAATGAAAAAGCGCACTTTTTAATATTTTTTGTAAACGTACAAC  
AGGTTAGGTGCAAGGTACCAGGTCATTGCACAGATGAGGGTACAAAAATAGTAG  
TAACAGATCATGGTGAAGGTGACCATACAGATTTTATACTAAGTGTACGTGCTTA  
TTCAGACATGGCTACCTCAGGAATGGCTAATCATTTGTTGGCTTATGGTGTGTTG  
ACGTTGAATATCGAAGGGTACCTTGTACGTACTATGGTTACAATTTAATGATTAA  
AGTTCATGAACATAGCAGATTTTGTAECTATTTGGCTATTGTACCAATTTATCAA  
GTGGTGCATTTGACATTGAAGCTGTCGAGGTTTGGCAGGTACGTTTAGTTAGAGG  
CGAATTCAAATTTAAATTTGATTCAGTATAATTTGAGTCATAAAAATAAACATTG  
TGCAATATTAECTAGTTTATTGAATATTAAGAGTGTTTCAAGTGTACAGAGCTAGG  
ATTTTCAAGAGAGTTTAAAATATAAAGAAGTAAGTAAACGCATGAAGTAGTCAC  
AAATATATACTATCTATTACATATATATAGAAGAAAAAAAATCTAATCTTATCTT  
ATATATATATATATATTATATAATTTTTCGACCAAGCTGTTTAATTTCACTACATA  
CCAAAGGGAGCGGGAAAAAAAATTTAGATCACCTATATATAAGTATATATTGG  
TAATTCCTCTCATTATTTGTTTAACTAGTGCAATTGCTAAAGTGTTATCTAACT  
ATATATAGAGTTGATTACTAAGCTGATTATTTAATTAATAGTTATAATTTCAAAAA  
AGAAAACCACTTTCTTTATTGAAAAAATTAATTTCAAGTAACGATATGAGAAAT  
CTACTTCTAAAAGATTATATATATATCTACACGTAACGTAATAATTGCATATAA  
AGTGAAATTAGTAACCTGAAAAATAAGACGGGAGTTGTATGTATGTATGTGTAGG  
CTGATTGCAAGGAATGGAGGGGTATGAGAAAGGCCTATGGAGCAGTATGGGACA  
TGCCAAATCCACCAAAAGGATCACTCACATTCAGAGTTCAAGTTAGTCTTAATGG  
GGAGGCAGCTAAATGGGTGCAATTGGCTGATGTTTTACCTGATGAATGGAAGGCT  
GGCATTGCTTATGACACATACCTTATGCTAGACTAA