

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

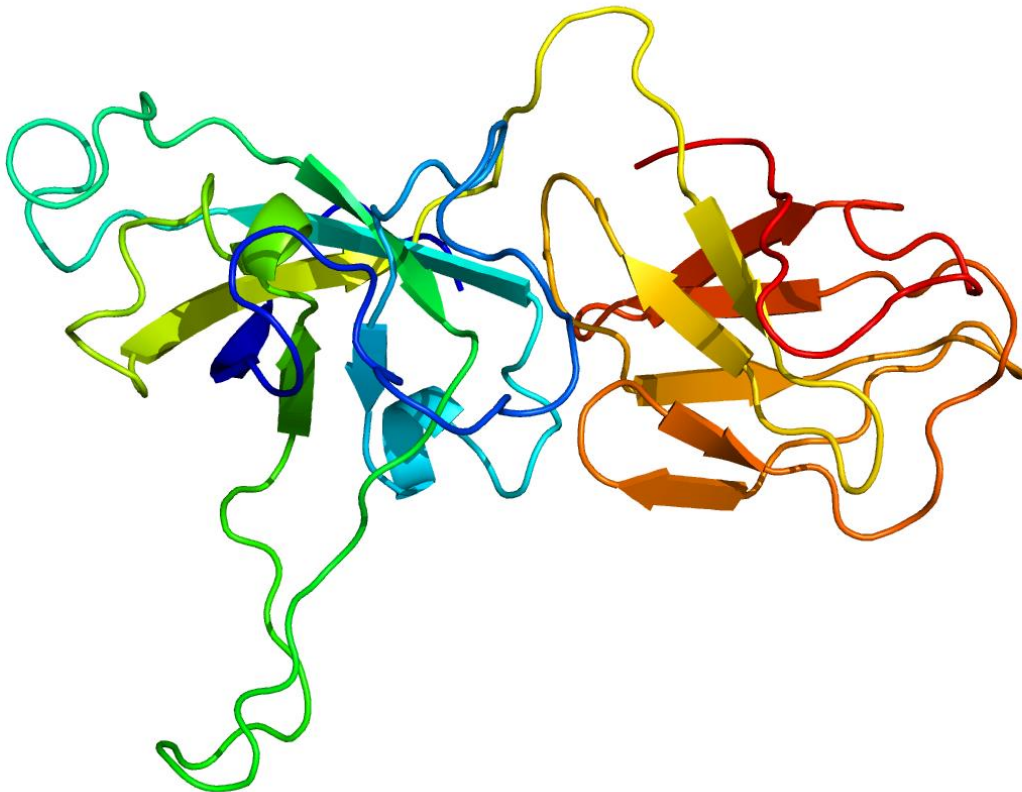
Locus: XP_009757427

Gene Model: XP_009757427.1

Description: NsEXPA-15

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

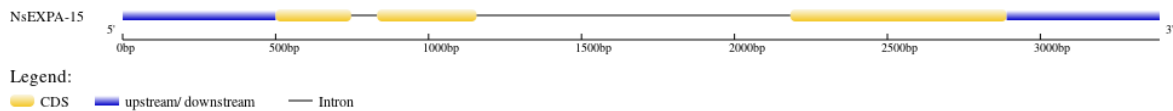
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE

Query seq. Superfamilies

PLN00050

Name	Accession	Description	Interval	E-value
PLN00050 super family	cl31535	expansin A; Provisional	6-259	1.35e-121

SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-15

MGSMGVITSIVGLIFLVSLVEARIPGVYSGGSWQTAHATFYGGSDASGTMGGACGYG
NLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGACFEIKCTNDPNWKWCLPGSPSILITATNFCP
PNYAKPNDNGGWCNPPRSHFDLAMPMLKIAEYRAGIVPVITYRRIPCRKRGGIRFTIN
GFRYFNLVLITNVAGAGDIKVVVKGSKTNWISLSRNWQNWQSNVLTGQSLSFR
VKASDHRSSTSWNIVPSHWQFGQFTTGKNFKV

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-15

TCTCTCTCTTCTCCCCTGCCTCCATAAGTACTACTTCGCCTTGCCAATTTTCTTCAC
TTTCAACTTCAATTCCTCTCATTTTGGCTATCAAAGAAATGGGTTCATGGGAGT
CATCACTTCCATTGTTGGTCTAATTTTCTGGTTTCTCTTGTGTAAGCAAGAATCC
CCGGTGTATTCTGGTGGTTCTTGGCAGACTGCTCATGCTACATTTTATGGTGGC
AGTGATGCTTCCGGAAGTATGGGTGGTGCATGTGGTTACGGCAATTTGTACAGCC
AAGGGTACGGAGTGAACACTGCAGCGTTGAGCACAGCTTTGTTTAAACAATGGGTT
AAGTTGTGGAGCTTGCTTTGAGATTAATGCACAAATGATCCCAATTGGAAGTGG
TGTCTCCCCGGAAGCCCATCCATTTTAATCACTGCCACCAATTTCTGCCACCAAA
CTACGCAAAGCCCAATGACAATGGTGGATGGTGCATCCTCCACGTTCTCACTTT
GATCTTGCCATGCCTATGTTCCCTCAAGATTGCCGAGTACCGTGCTGGCATTGTTCC
CGTTACTTATCGCCGATACCATGCCGAAAGCGAGGAGGAATCAGATTCACAATC
AATGGCTTCCGTTACTTCAACTTGGTATTGATCACAACGTGGCGGGTGCAGGAG
ACATAATAAAGGTGTGGGTTAAAGGGTCAAAGACTAACTGGATTTCCCTGAGTGC
CAACTGGGGTCAAAATTGGCAATCAAACGCTGTCTTGACTGGTCAGTCCCTCTCT
TTCAGGGTCAAAGCCAGTGACCATCGCTCTTCTACTTCATGGAATATTGTCCCTTC
TCATTGGCAATTTGGCCAACTTTCACTGGAAAGAATTTCAAAGTCTAAAATTAT
TCAAGACAGAGACAATTGACTGGCTATTTTCCCTACTCTATTTTAAAAATTTTGT
CCATTTTATTGTTCCAAAATATTTTCTCTTAAAAAAGTGAATGGAGGGGAAG
CATAGAGTGAAATCAAAAAAATACTTCAGTGTGTGTGAGGAAATAGTGGGGGG
ATAAGTACTAATAGTGTAATTAGGTGATTTTCGAGTGCTTGTATTGGCCTTTTTGAC
TAATATTGGAAAAGGAACAGTAGTATGCAGTATGGTTGATGGTTAAAGAGAAAG
CGAAAGGCCATCTGTAATAGAGCTTGAAGTGGCTGCAATTGATGTAGCCCGCAGC

TGCTTTTACTTTATCATATACTTGGGTCAATTTTATCAATGTTTATCCCTTTGGTG
GATC

Nucleotide

>NsEXPA-15

AAGAGGGAGTGTGGCACAACCTTGAATTAAGCAAAGTGGCAATAACTGTTTC
ATCCTGCGGACCCACGTATCTTTTCCTTTTAACTGATATATTCCAATCAAATTA
AAGAATATATATTCTCTCCATGAATTTCCACATTGCCACAAAACCATGACTATC
AAATGCGAACATTTTTATTTTGTGTTTTATACTGACACTAATTGTACGAGACA
ACGTTTTTGTCTCACAAATTTGTGGACCAAAAAATATAAGATTGAGGTTACAAA
TTTACGAGACAAAAGGAGTCTCGTAGTGAAGTTGTATTAGACATCAAATAAAAC
TTGACAAGGATGCCAATTACGTCAAACGAAAATATATTTCCGTTTACCGTAGAGG
TTGAATTTTGGTATAGTTTACTTTCCGCCAATATGTCCGTTGATTAAGGAGGACCA
AATAGGGTATAGGCATAATTAAGGAGAAGATATGTCATGATTTTCTTTCTCGTCT
GTTCTCTCTTTCTCCCTGCCTCCATAAGTACTACTTCGCCTTGCCAATTTTCTTC
ACTTTCAACTTCAATTCCTCTCATTTTGGCTATCAAAGAAATGGGTTCAATGGGA
GTCATCACTTCCATTGTTGGTCTAATTTTCTGGTTTCTCTTGTTGAAGCAAGAAT
CCCCGGTGTATTCTGGTGGTCTTGGCAGACTGCTCATGCTACATTTTATGGTG
GCAGTGATGCTTCCGGAACATGAGGTACAAATTAATCCATGTCCATCCATTTCA
TATTTATTTAATTTCCCTCTATGATTTAATTAGCTTTGGTTATGTAATGCAGGTG
GTGCATGTGGTTACGGCAATTTGTACAGCCAAGGGTACGGAGTGAACACTGCAGC
GTTGAGCACAGCTTTGTTTAAACAATGGGTTAAGTTGTGGAGCTTGCTTTGAGATTA
AATGCACAAATGATCCCAATTGGAAGTGGTGTCTCCCCGGAAGCCCATCCATTTT
AATCACTGCCACCAATTTCTGCCACCAAACTACGCAAAGCCCAATGACAATGGT
GGATGGTGCAATCCTCCACGTTCTCACTTTGATCTTGCCATGCCTATGTTCCCTCAA
GATTGCCGAGTACCGTGCTGGCATTGTTCCCGTTACTTATCGCCGGTAATGCCCTC
TTCCTCTTTATTGCAATACATACTATTTTTGGACTATCGTAATGTTACTTACAAGT
ATGTTTTAAGCATATACCTTAGGTGTTAGTTTGAAGACAAGTTATGCTAGGATTA
GTTATATTGAGATTATTTTTTATTGATTGTTGGGTTTGTGTTTTAGAATAACTAAT
CTAGGGATTATTACTACTCTTTGTATGTATATGTTATTTCCGGTACCATTTTGG
GGATAATTTAACCCAAACCAATAACCAAACAAGAAATAATACTAAATTTTTATCC
CAAATTTATTTACTTATCCATCCTACCAAACGCCCTCATTAAATTGCTACTGT
CATAGCTATTGCGGTAATTTGGGATGCTATAAAGTATCACGTTTGCCACTTTTCTA
TTCTTTCCAGTCCACAATAAGTGATCAATTTGCCTTTTTATTTTGATCCAAAATAA
GTATCCATTTATATAATCAATAAAAAATTCAATTTGTTTTTCCAAAATTAATCTTG
TACATATCCCTAAAAATTTTTTTACTCCTCACATTAATTAATGTTACAATATTTAA
TTAAGGGTAACTTAGTCACATTAATTATTTTTGTCTATAATTTAGTATTTCTTAAT
ATACGTGCCAAGATAAATCGATCACTTATTATGTACTGGACGGAGTATTTTATTC
GAGTAACTTGAAAACCGTAAGATAGAAGAAAAATATCACGGGTTACACCCATG
AACATCAAATTTATCATGTGGACCATGGTATAATATAACCCACTTTGACTTTGGTG
TTGTACGAATACAAAATCTTAGTACCTACACACAAGCTTTTTCAAGAATCCCCAT
GTGCCTTACTATTTTTTCTCTGATTTCTTCTTACCTTTTATCACATATAAGTGGGA
CCCTTTTGAAACCGGTTTTAACACGTCAGTATAATAACTCCGTACACTATTTCTTT
ACCTCAACAGCAAGTTTGTTCCTTATTCTTAACAATGTATTTACCATTCTGTAA
TTCTTAGGATACCATGCCGAAAGCGAGGAGGAATCAGATTCACAATCAATGGCTT
CCGTTACTTCAACTTGGTATTGATCACAACGTGGCAGGAGACATAATA

AAGGTGTGGGTAAAGGGTCAAAGACTAACTGGATTTCCCTGAGTCGCAACTGGG
GTCAA AATTGGCAATCAAACGCTGTCTTGACTGGTCAGTCCCTCTCTTCAGGGTC
AAAGCCAGTGACCATCGCTCTTCTACTTCATGGAATATTGTCCCTTCTCATTGGCA
ATTTGGCCAACTTTCACTGGAAAGAATTTCAAAGTCTAAAATTATTCAAGACAG
AGACAATTGACTGGCTATTTTCCCTACTCTATTTTAAAAATTTTGTGCCATTTTAT
TGTTCCAAAATATTTTTCCTCTTAAAAAAGTGAATGGAGGGGAAGCATAGAGTGA
AATCAAAAAAATACTTCAGTGTGTGTGAGGAAATAGTGGGGGGATAAGTACTA
ATAGTGTAATTAGGTGATTTTCGAGTGCTTGTATTGGCCTTTTGGACTAATATTGGA
AAAGGAACAGTAGTATGCAGTATGGTTGATGGTTAAAGAGAAAGCGAAAGGCCA
TCTGTAATAGAGCTTGAAGTGGCTGCAATTGATGTAGCCCGCAGCTGCTTTTACTT
TATCATATACTTGGGTCAATTTTATCAATGTTTATCCCTTTGGTGGATCTTTTTTC
TTCTCCTTGAGTTTTATAATCATATTATTGGCCATTTTCGTGGTATACTATTACC
TAAATATAAGCAGTTATCTGGAAAAGCTTACTAAAGAATCCGCTTATGCAGAAAA
TGTGGCTGGTTTTGTTCAAGACAAGGCAACAACAAAATTAGAAAGCGAAGTAATT
AAAATGGATACTTGCACAAATTTAATGGTACAAATATCATGTTGAGATGTATCGC
ATTCTCTTGAATGATAAATAAGCTCATTACGATTTAACTCCAAATTGCTATGTAGC
ATAAATATGCTTCATTATTTAAGTCCACTTAACTAAGAGGGTGTGGCTAACCTT
ATAAGCTCGTCAAACCTAGCTTATAAATATTTTTTTGGCTTATTTATGCGTTTGATA
AAGTTAAAAGTGCTTATAAGTCAAAAATAAGCTAAAAGCCATACTGGTCACCTA
ACTTATGAATTTTTAGCTTATAAGCATAAGTTTGACCAAATTTTTAC