

IDENTIFICATION

Species: *Lactuca sativa*

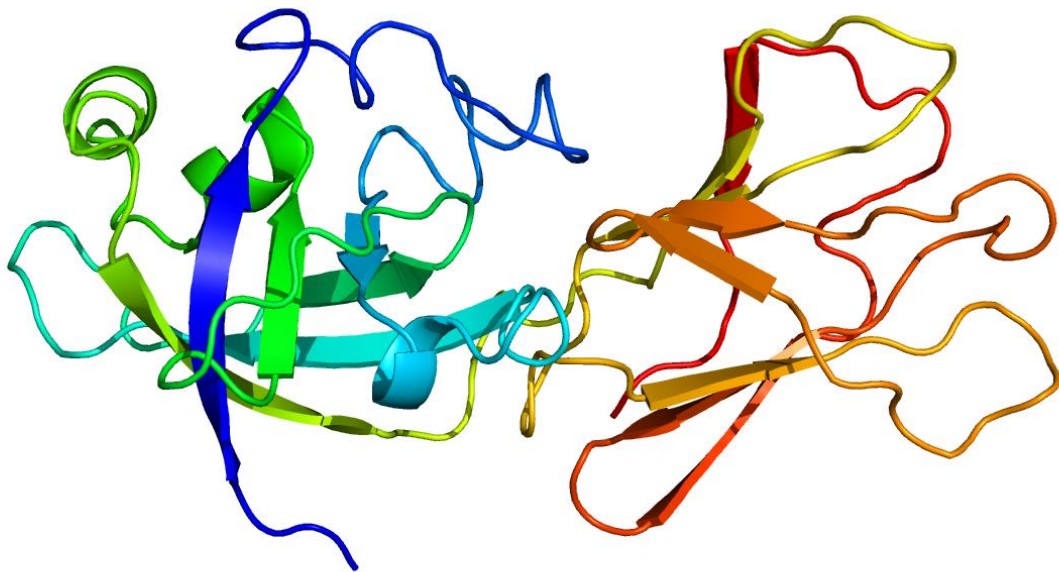
Locus: Lsat_1_v5_gn_5_54081

Gene Model: Lsat_1_v5_gn_5_54081.3

Description: LsEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Lsativa_V8

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05352>

EXTERNAL RESOURCES

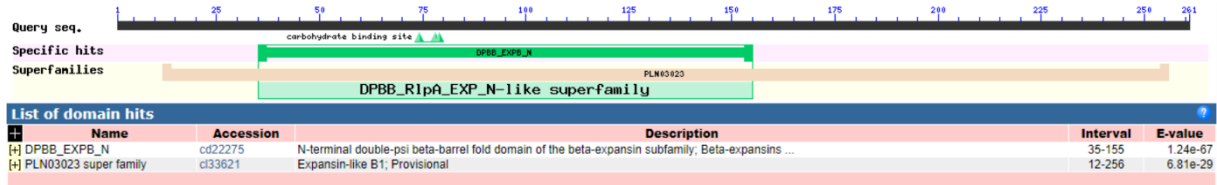
<https://lgr.genomecenter.ucdavis.edu/>

<https://www.lettucegdb.com/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>LsEXPB-01

MAFNLQNPFIIFLYVCSIASLVASHQLFVNGDGYSPALGTWYGDPRGAGSGGACGWA
NDVQSPFSA MIAAGNARIFLQKGCGDCYQIKCNREPYCSKNPIRVTITDECPGACN
NVPFHFDLSGTAFGAMANPGQADNLRNLGQVDIQYRRVQCYYGRTKIAFKIDAKTN
PYWFATAIEFEDKDGGLRSVEIASANTRRFVPMKNIWGA VWQVDVNPSLHAPFSFRL
ASPSGSVVVATNVVPMGFVPGKTYFSHFDFEF*

CDS (coding sequence)

>LsEXPB-01

ATGGCCTTCAACCTTCAAAACCCTTTTATCATTTTCCTTTATGTGTGTTCAATTGCT
TCTCTTGTTGCAAGCCATCAACTCTTTGTCAATGGAGACGGATATTCACCTGCTTT
AGGGACATGGTATGGAGACCCAAGAGGCGCTGGAAGTGGAGGAGCTTGTGGATG
GGCTAATGATGTACAATCTCCTCCATTCTCAGCCATGATAGCAGCAGGAAATGCA
AGGATTTTTTTGCAAGGCAAAGGATGTGGAGATTGTTATCAGATTAATGCAATC
GAGAGCCATACTGCTCTAAGAACCCTATTAGAGTTACAATAACCGATGAATGCC
AGGTGCATGTAACAATGTTCCATTTCATTTTGATTTAAGTGGAAGTCTTTGGTG
CAATGGCGAATCCAGGACAAGCTGATAATCTTCGTAATCTCGGCCAAGTTGATAT
TCAATATCGAAGGGTGCAATGCTACTATGGTAGAACAAGATCGCTTTCAGATT
GACGCAAAAACAAACCCTTATTGGTTTGCAACTGCAATAGAATTCGAAGATAAA
GATGGTGGACTTCGGTCAGTGGAGATAGCCTCTGCTAATACGCGACGGTTTGTT
CAATGAAGAATATTTGGGGTGCGGTTTGGCAAGTCGATGTTAATCCATCTCTTCA
TGCTCCGTTCTCGTTCAGGCTCGCATCTCCTTCGGGTTTCAGTTGTGGTTGCTACAA
ATGTTGTTCTATGGGCTTTGTGCCTGGAAAACTTATTTCTCACACTTTGATTTT
GAATTTAG

Nucleotide

>LsEXPB-01

ATGGCCTTCAACCTTCAAAACCCTTTTATCATTTTCCTTTATGTGTGTTCAATTGCT
TCTCTTGTTGCAAGCCATCAACTCTTTGTCAATGGAGACGGATATTCACCTGCTTT
AGGGACATGGTATGGAGACCCAAGAGGCGCTGGAAGTGGTAACAAAACTAAAC

ATTATTTGAAACTTTTCATTTTCAGGAGAAAATCTCATTACTTATGAATAATCTATG
TACTATTTTTATCAAAAATACGTACAGGAGGAGCTTGTGGATGGGCTAATGATGT
ACAATCTCCTCCATTCTCAGCCATGATAGCAGCAGGAAATGCAAGGATTTTTTTG
CAAGGCAAAGGATGTGGAGATTGTTATCAGGTGAAGAAGTTAATCCGGAAGTGA
TGATTTTCTTCACTCTGATTACAAAATATGATCATTTTTTTTACGTAATTATCAAAA
TTAATTTTCATTATTGTGGTTGATTCTTCTCAGATTAAATGCAATCGAGAGCCATAC
TGCTCTAAGAACCCTATTAGAGTTACAATAACCGATGAATGCCCAGGTGCATGTA
ACAATGTTCCATTTTCATTTTGATTTAAGTGGAAGTGGCTTTTGGTGCAATGGCGAAT
CCAGGACAAGCTGATAATCTTCGTAATCTCGGCCAAGTTGATATTCAATATCGAA
GGTGCATACTAACTATAATTTTTACTTTGTAAGATCCTTTCGAATTAATTTATAAAAA
CATTTCGTCCATGCATGCATGTACGTACAGGGTGCAATGCTACTATGGTAGAACAA
AGATCGCTTTCAGATTGACGCAAAAACAAACCCTTATTGGTTTGCAACTGCAAT
AGAATTCGAAGATAAAGATGGTGGACTTCGGTCAGTGGAGATAGCCTCTGCTAAT
ACGCGACGGTTTGTTCGAATGAAGAATATTTGGGGTGCGGTTTGGCAAGTCGATG
TTAATCCATCTCTTCATGCTCCGTTCTCGTTCAGGCTCGCATCTCCTTCGGGTTTCAG
TTGTGGTTGCTACAAATGTTGTTCTATGGGCTTTGTGCCTGGAAAACTTATTTTC
TCACACGTAAACTTTTAGATGCTATATATCAATGATTTTATAGGATAGATCTGAA
GTAGAATTTTCGTTTTAGTTCGAGTATAATGTATTTTCGTCTAGAAGTATTGCTGAT
CGTTTAGGATATTTGGGTTTCTTGTTAATTAGCTATGATATATAATATCAATATG
ACATGCGGAATAAATTGCTTTTAGTTTTATGGTGGATATCAAACCTTATCATTGTA
TGTTAGGGTCCCTATAATTTCCATGTCTATTGATCTCTAAACATTA AAAAGTTTA
ATGCACTAGTATATATTTTCAGCATTCTACTTTTGACGAGACTTAATATTTTTTTATTT
CATATATATCATTTTTAATAATTTTATATAATACCTAAAACCTTAATAGTTATGTTT
GGGAATGTTATTTTATATAACTTTTATTTTATTTTATTTTAAACAGTTTGATTTTGAA
TTTTAG