

IDENTIFICATION

Species: *Cucumis sativus*

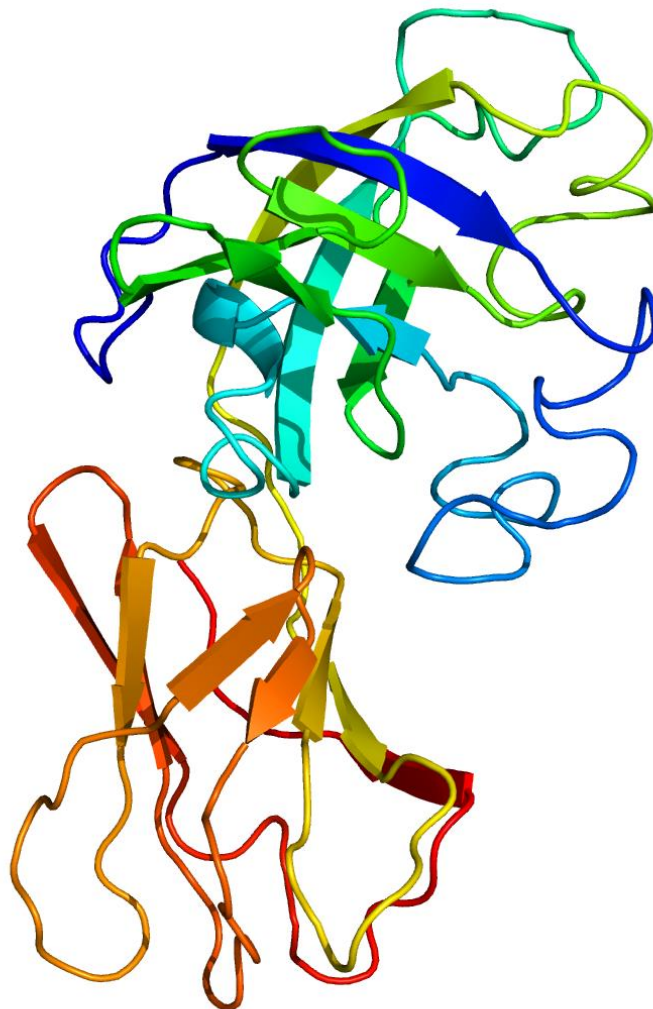
Locus: CsGy4G008340

Gene Model: CsGy4G008340.1

Description: CsEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

<http://cucurbitgenomics.org/>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02486>

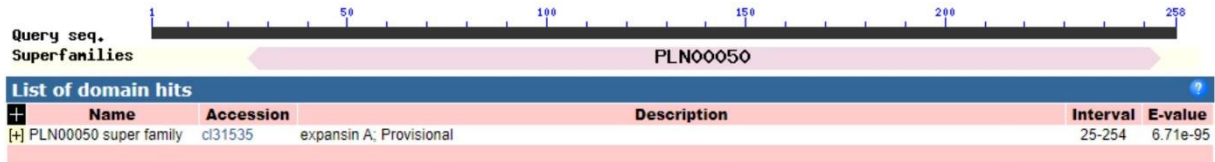
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CsEXPA-08

MLISSDNLVLWLGFWAIFGKVMGSRFIDTIDTTWYEAHATFYGDISGYETMQGACGY
GNLFQQGYGLATAALSTALFNNGGICGACFEIMCVNDEHNWCIPNAGTIKITATNFCP
PNYTKTVGVWCNPPQRHFDLSLYMFIKMAPYRAGIIPVRYRRMLCQKQGGLRFELK
GNPYWLLVLLYNVGGAGDVVDVKIKGSSTGWLQMSRNWGQNWQVGTFLVGQGLS
FRVTTSDRKTIEFDNVVPSSWQFGQNFEGNSNF

CDS (coding sequence)

>CsEXPA-08

ATGTTGATTTTCGTCGACAATTTGGTTCCTGTGGTTGGGGTTTGTGGCCATTTTGG
TAAAGTCATGGGCTCTAGGTTTCATTGACACCATTGATACCACATGGTATGAAGCT
CATGCTACCTTCTACGGTGACATATCCGGTTATGAGACTATGCAGGGAGCATGTG
GGTATGGAAATCTGTTCCAGCAAGGTTATGGGCTAGCAACGGCAGCATTAAAGTAC
CGCATTGTTCAACAACGGTGAATTTGCGGAGCATGCTTTGAGATAATGTGTGTG
AACGATGAACACAACACTGGTGCATACCAAATGCAGGGACAATCAAATAACGGCT
ACAACTTTTGCCCGCCAAACTACACAAAACAGTTGGTGGTTTGGTGCACCCTC
CCCAACGTCATTTTCGACCTATCTCTTTACATGTTTCATCAAATGGCTCCTTATAGG
GCAGGGATTATCCCAGTCCGCTACCGTAGGATGCTTTGCCAGAAACAAGGCGGTC
TACGATTTGAGCTCAAAGGAAATCCCTATTGGCTTCTTGTTTTGTCTCTACAATGTT
GGTGGTGCAGGTGATGTTGTTGATGTTAAGATTAAGGCTCTTCTACTGGATGGC
TTCAAATGTCAAGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGGTTGGTACATTTCTTGTGGG
GCAAGGTTTGTCTTTAGAGTCACTACTAGTGATAGAAAGACCATTGAGTTTGAT
AATGTTGTGCCAAGCTCTTGGCAATTTGGACAAAACCTTTGAAGGAACTCTAATT
TCTAG

Nucleotide

>CsEXPA-08

ATGTTGATTTTCGTCGACAATTTGGTTCCTGTGGTTGGGGTTTGTGGCCATTTTGG
TAAAGTCATGGGCTCTAGGTTTCATTGACACCATTGATACCACATGGTATGAAGCT
CATGCTACCTTCTACGGTGACATATCCGGTTATGAGACTATGCGTAAGGATATAA
CAAATACTCTCTATTAATTAATTTGTTTTAGAAAAATAGATGTATTGTATATCTTA

ACAAACTGTTCAACGCATGAAGATTAATACATTTTAAGATCGACGCACTAAATAT
TACGTAACTTTTTTGAATGCTACTTATTTTTTTTTTCAAATGATAAGTGTGGTTATGT
TACATTTTTTAATACTAGTTATTTAGACAACCATAACAATTTAAGAATTGTGGGAAC
TTAATACTCTAACTTTTACTTACTCTTTTATTCTTTTTTCTTTTTTTTGCCAACTGGTA
ATAGAGGGAGCATGTGGGTATGGAAATCTGTTCCAGCAAGGTTATGGGCTAGCA
ACGGCAGCATTAAAGTACCGCATTGTTCAACAACGGTGGAATTTGCGGAGCATGCT
TTGAGATAATGTGTGTGAACGATGAACACAACCTGGTGCATACCAAATGCAGGGA
CAATCAAAAATAACGGCTACAAACTTTTGCCCGCCAACTACACAAAAACAGTTGG
TGTTTTGGTGCAACCCTCCCCAACGTCATTTTCGACCTATCTCTTTACATGTTTCATCA
AAATGGCTCCTTATAGGGCAGGGATTATCCCAGTCCGCTACCGTAGGATGCTTTG
CCAGAAACAAGGCGGTCTACGATTTGAGCTCAAAGGAAATCCCTATTGGCTTCTT
GTTTTGCTCTACAATGTTGGTGGTGCAGGTGATGTTGTTGATGTTAAGATTAAGG
CTCTTCTACTGGATGGCTTCAAATGTCAAGGAATTGGGGACAAAATTGGCAGGTT
GGTACATTTCTTGTGGGGCAAGGTTTGCCTTTAGAGTCACTACTAGTGATAGAA
AGACCATTGAGTTTGATAATGTTGTGCCAAGCTCTTGGCAATTTGGACAAAACCT
TGAAGGAAACTCTAATTTCTAG