

## IDENTIFICATION

**Species:** *Solanum tuberosum*

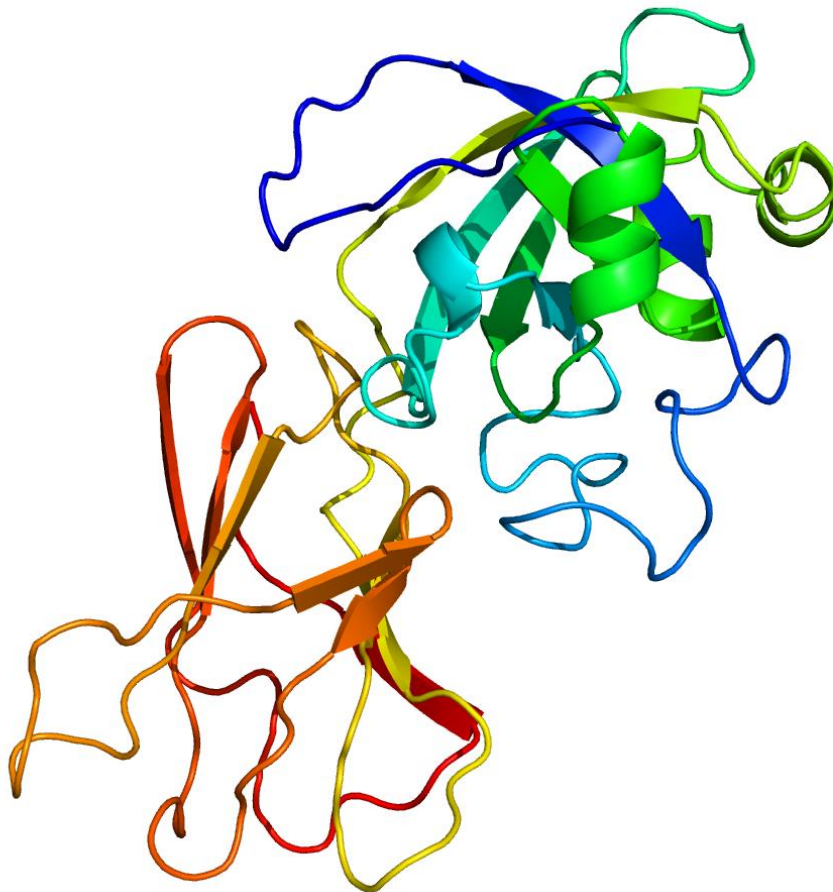
**Locus:** PGSC0003DMP400045146

**Gene Model:** PGSC0003DMP400045146

**Description:** StEXPB-01

**Family:** Beta Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum\\_v4\\_03](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03)

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

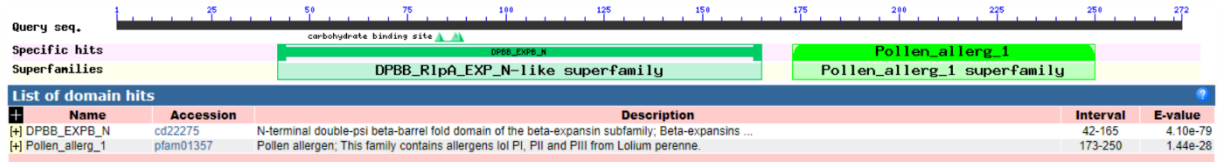
## EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>StEXPB-01

MALKPFTIFTYFTLFSILTISCSCFHPKRLNNVSKIQNSDWSPAGATWYGSPSGAGSD  
GGACGYTNAVVDQPPFSSLIAAAGPSLFSKSGKGCYQVKCTGNKACSGKPVRVVIT  
DSCPGGPCLSESAHFDLSGTSFGAMAISGQADQLRNAGVLQVQYKRVECNYPGVKL  
TFHVDSGSNSNYFAALVEYEDGDGDLNRVDLQALDSESWQPMQSQSWGAVWKLD  
SGSSLVAPFSLKLTGESGQTVVANGVIPAGWQPQKTYRSVINFKV\*

### CDS (coding sequence)

>StEXPB-01

ATGGCTCTGAAGCCCTTTACTATCTTCACATATTTTACACTTTTTTCTATTTTGACC  
ATTTCTTGCTCTTGTTCACCCAAAACGTCTCAATAATGTATCAAAAATTCAATC  
AAATTCCGACTGGTCCCCAGCCGGAGCTACTTGGTATGGAAGCCCTAGTGGTGCA  
GGAAGTGATGGTGGAGCTTGTGGGTATACTAATGCCGTGGACCAACCACCATTCT  
CCTCCCTAATAGCCGCTGCTGGCCCTTCTCTATTCAAATCAGGCAAAGGCTGTGGT  
GCTTGTTATCAGGTAAAGTGCACAGGAAATAAAGCATGTTTCAGGAAAGCCAGTG  
AGAGTTGTAATAACAGATTCGTGTCTGAGGACCTTGTCTATCAGAATCAGCAC  
ATTTTGATTTAAGTGGCACTTCTTTTGGAGCTATGGCTATTTCTGGACAAGCTGAT  
CAATTACGTAACGCTGGAGTTCTTCAAGTCCAATACAAACGAGTGGAGTGCAACT  
ATCCCGGAGTAAAATTGACATTTACGTTAGACTCAGGTTCAAATTCAACTATTT  
CGCAGCTCTAGTTGAGTACGAAGACGGGGACGGAGACCTAAACAGAGTTGATTT  
GAAGCAAGCATTGGATTGAGAATCATGGCAACCCATGCAACAGTCATGGGGTGC  
TGTGTGGAAGCTCGATTCTGGCTCCTCCCTAGTAGCGCCTTTTTTCGCTCAAACCTA  
CCGGGGAATCCGGCCAGACTGTGGTGGCTAACGGCGTTATTCCGGCAGGTTGGCA  
ACCTGGAAAACTTATCGATCAGTTATTAATTTTAAAGTCTAA

### Nucleotide

>StEXPB-01

ATGGCTCTGAAGCCCTTTACTATCTTCACATATTTTACACTTTTTTCTATTTTGACC  
ATTTCTTGCTCTTGTTCACCCAAAACGTCTCAATAATGTATCAAAAATTCAATC  
AAATTCCGACTGGTCCCCAGCCGGAGCTACTTGGTATGGAAGCCCTAGTGGTGCA

GGAAGTGATGGTACACACCAAAAATTTACTTGTTAATTACTGTCTCCGTCTCAAATT  
ATCTATCGTATTGTGTTTCACTAAATATTTAATCTATTAAGTTGTTTGTATGTAGTG  
CTCCAAAACAATTACTACTAAAAAAAATAACTAGTTTTATTTTAAACTTCTAAA  
AAATGATAAATAATTTATAATAACTATTTTTAAAAAATTAAGAGATGATTTGAA  
ACGGAGCAACCGGAGGGAGTAGCCTCTAATGTACAACAAAGAAAAAGAAAAAA  
AGATATTGGTGCATTAAATGTCGCAGATCATTTTAGATATTAATTTAATGATATA  
TGTACTTTTCTTTTAAATTCTATGTATACTATATTTTCTTACCGAGTTTAACTTATG  
TGAATTATTGGTGTATAATTATTTTACACCAACATAAGGTAATCTACAATGACAT  
GAAACTGTCTGTATGTAATAGTCAATAGGTTAAAATATATTAACAACATAAAATT  
ATTATTTTTATATAATTTAAATTCTATTTTGTGTTCAAAGGTGGAGCTTGTGGGT  
ATACTAATGCCGTGGACCAACCACCATTCTCCTCCCTAATAGCCGCTGCTGGCCCT  
TCTCTATTCAAATCAGGCAAAGGCTGTGGTGTGTTATCAGGTGCGATAATTTA  
ATTTATATATATTGATAATCATTAACTGAAGAAAAACAAATTTAAAAAATAGATA  
ATACTAAAATCGAAGAATAAGATAGTATGTGAGTAATAATATATAATAAATAATT  
GTTTTATTTAAAATCAGGTAAAGTGCACAGGAAATAAAGCATGTTTCAGGAAAGCC  
AGTGAGAGTTGTAATAACAGATTCGTGTCCTGGAGGACCTTGTCTATCAGAATCA  
GCACATTTTGATTTAAGTGGCACTTCTTTTGGAGCTATGGCTATTTCTGGACAAGC  
TGATCAATTACGTAACGCTGGAGTTCTTCAAGTCCAATACAAACGGTAATTAGAT  
ATAATCGAGTGACATTATATTATACATCTTTATAAAAATTAATCTTCATATATAT  
ATTTTTAACATACTATGTCATGTAACAGAGTGGAGTGCAACTATCCCGGAGTAA  
AATTGACATTTACGTAGACTCAGGTTCAAATTCCAACTATTTTCGCAGCTCTAGTT  
GAGTACGAAGACGGGGACGGAGACCTAAACAGAGTTGATTTGAAGCAAGCATTG  
GATTCAGAATCATGGCAACCCATGCAACAGTCATGGGGTGTGTGTGGAAGCTCG  
ATTCTGGCTCCTCCCTAGTAGCGCCTTTTTCGCTCAAACCTACCGGGGAATCCGGC  
CAGACTGTGGTGGCTAACGGCGTTATCCGGCAGGTTGGCAACCTGGAAAAACTT  
ATCGATCAGTTATTAATTTTAAAGTCTAA