

IDENTIFICATION

Species: *Populus trichocarpa*

Locus: Potri.013G154700

Gene Model: Potri.013G154700.1.p

Description: PtEXPA-22

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

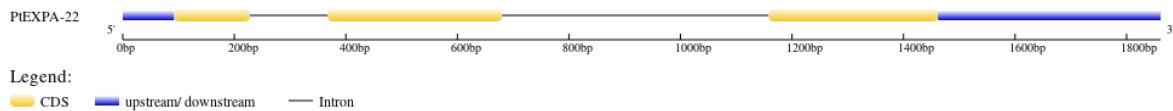
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Ptrichocarpa_v4_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T01077>

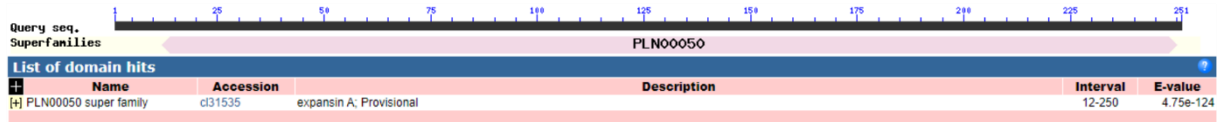
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>PtEXPA-22

MAAQTFFASCLLLFICLHLQSIADYGGWQGGHATFYGGGDATGTMGGACGYGNLY
SQGYGTSTAALSTALFNGLSCGACYEMRCDDEPKWCLPGTITVTATNFCPPNPSLP
NNGGWCNPLQHFDMAEPAFLQIAQYRAGIVPVAFRRVPCVKKGGIRFTINGHSYF
NLVLITNVGGAGDVHSVSIKGSKTGWQAMSRNWQNWQSNNYLNGQSLSFQVTT
DGRTVTSYNAVPAGWQFGQTFEGGQF*

CDS (coding sequence)

>PtEXPA-22

ATGGCAGCTCAAACATTCGCTTCATGTCTTCTTCTTCTCATTGCTACACCTTCA
AAGCATTTTGGCTGATTATGGAGGGTGGCAAGGTGGTCATGCCACTTCTATGGC
GGTGGTGATGCGACTGGCACAATGGGAGGAGCATGTGGATATGGAAATTTGTAC
AGTCAGGGTTATGGAAGTACTGACTGCAGCCCTAAGCACTGCCTTGTTCAACAATG
GCTTGAGCTGTGGTGCTTGTATGAAATGAGATGTGATGATGACCCCAAATGGTG
TCTCCCCGGTACCATCACTGTCCTGCTACAAATTTTGGCCACCTAACCCTTCTC
TGCCTAACAACAATGGTGGATGGTGCAATCCTCCTCTCCAACATTTTGTACATGGC
TGAGCCTGCTTCTTGTCAAATTGCTCAATACCGTGCTGGAATTGTGCTGTAGCTT
TTAGAAGGGTGCCTTGTGTTAAGAAGGGAGGAATTAGATTTACCATCAACGGTCA
CTCCTACTTCAACTTGGTCTGATCACAATGTTGGTGGTGGCGGGAGATGTTTATT
CAGTTTCAATCAAAGGCTCGAAAACAGGGTGGCAAGCCATGTCAAGAACTGGG
GCCAAAAGTGGCAAAGCAACAATTACCTCAACGGTCAAAGCCTATCTTTTCAAGT
CACCACCAGTGATGGTAGAAGTGTCAACAAGCTACAATGCGGTGCCTGCTGGCTGG
CAGTTTGGTCAACTTTTGAAGGAGGCCAGTTTTAA

Nucleotide

>PtEXPA-22

AGCAACACAAACACTTCTTCTTCTTCTACAACCTCCTCTGTCTTATTAGTCTTGTC
AGTACTATAGCATCTGTGAGACAATTAGCATTGGCAATGGCAGCTCAAACATTCG
CTTCATGTCTTCTTCTTCTTCTCATTGCTACACCTTCAAAGCATTGTTGGCTGATTATG
GAGGGTGGCAAGGTGGTCATGCCACTTCTATGGCGGTGGTGTGATGCGACTGGCAC
AATGGGTAAGTTAAGTCATATCTAGCTAGTAGCTAATGTGTGCTCCTTGATCATA
TACGTAAGTGAAGTGTAGAAAGCAAAAACAAGTTGCTAAATATGATAATTCTATC

AGCTAATTTTTATGGGGCTTTGGGGATTTTCAGGAGGAGCATGTGGATATGGAAA
TTTGTACAGTCAGGGTTATGGAAGTAGCACTGCAGCCCTAAGCACTGCCTTGTTT
AACAAATGGCTTGAGCTGTGGTGCTTGTTATGAAATGAGATGTGATGATGACCCCA
AATGGTGTCTCCCCGGTACCATCACTGTCAGTACTGCTACAAATTTTTGCCACCTAAC
CCTTCTCTGCCTAACAAACAATGGTGGATGGTGCATCCTCCTCTCCAACATTTTGA
CATGGCTGAGCCTGCTTTCTTGCAAATTGCTCAATACCGTGCTGGAATTGTGCCTG
TAGCTTTTAGAAGGTAAATTAACCTTCTTCTTTTTTTGTTCAACAGCATAGTGATGG
TATCTTTGGACCAGCTTTTGCCTCTGGCGATTTTATTAGTCCCCTCCTGCTCCTTG
TTAAACCGCGTTTCAAGACCAAAACCCACGGTTTGCAACATAACGCAGATCGCGT
AGACAAATACTCTCTGAGTAGATTAGTTAGACAAGTAAGCTATCGATATTTAAAG
AACTTAATTGAGGCCGATTTAAAGAAACCTTTCTAAATGGGCCATGGCTTAATT
GTACTTAATACTTAATGACTATTTAAATCACATTGCAAATAGATGAATAAGAAAA
TAATCACCTAGTGATTAGCAGGGTCAAGTCTCAGTTCAAAGGAAAGAGGAGTGC
CAAATGTTAGGCCAGTTAGTATTGATTCCATTGCTGCTGACAACCTCTGAGTTAATT
TTAATCAGTCTGCCATTAACCAATGCAAATGCTCTTGATTATGACAGGGTGCCTT
GTGTTAAGAAGGGAGGAATTAGATTTACCATCAACGGTCACTCCTACTTCAACTT
GGTCTGATCACCAATGTTGGTGGTGCGGGAGATGTTCAATTCAGTTTCAATCAA
GGCTCGAAAACAGGGTGGCAAGCCATGTCAAGAACTGGGGCCAAAACCTGGCAA
AGCAACAATTACCTCAACGGTCAAAGCCTATCTTTTCAAGTCACCACCAGTGATG
GTAGAAGTGTACAAGCTACAATGCGGTGCCTGCTGGCTGGCAGTTTGGTCAGAC
TTTTGAAGGAGGCCAGTTTTAAGATTTTCGACACCTTTTTTACCATTTTGTCTTCTG
GGTCTAGAGTTTTCACTACAATTAAGCCTGGTTGGTTGGTGGAAATTTGTATATTT
ATATTATATGCTTCCCTATAAGAACAAATTAAGAGGCCAAAAAAAGGGTATTTTAG
TGATGTTTGGAGGAGAAGTGGCCTTGTAAGCTGAGGTAGCTAAATCTAAGTAGC
ACCCGCTTGCCCTTCCTCGTATGTATAAGTAGTCTTTTGAGAAATGTATTTATGTC
GTTCAAGAGTAATTTACAGTTTCCATTGATATGCAATATTAAGACAAGATTGCTG
CATTAAAACAGTGTTGTATTAACAAAAAGTGCTGAGCATTCAAGTAAGATTTTGT
CTGGAATTGGAATATTTGTGTGCATTTGCCACT