

IDENTIFICATION

Species: *Miscanthus sinensis*

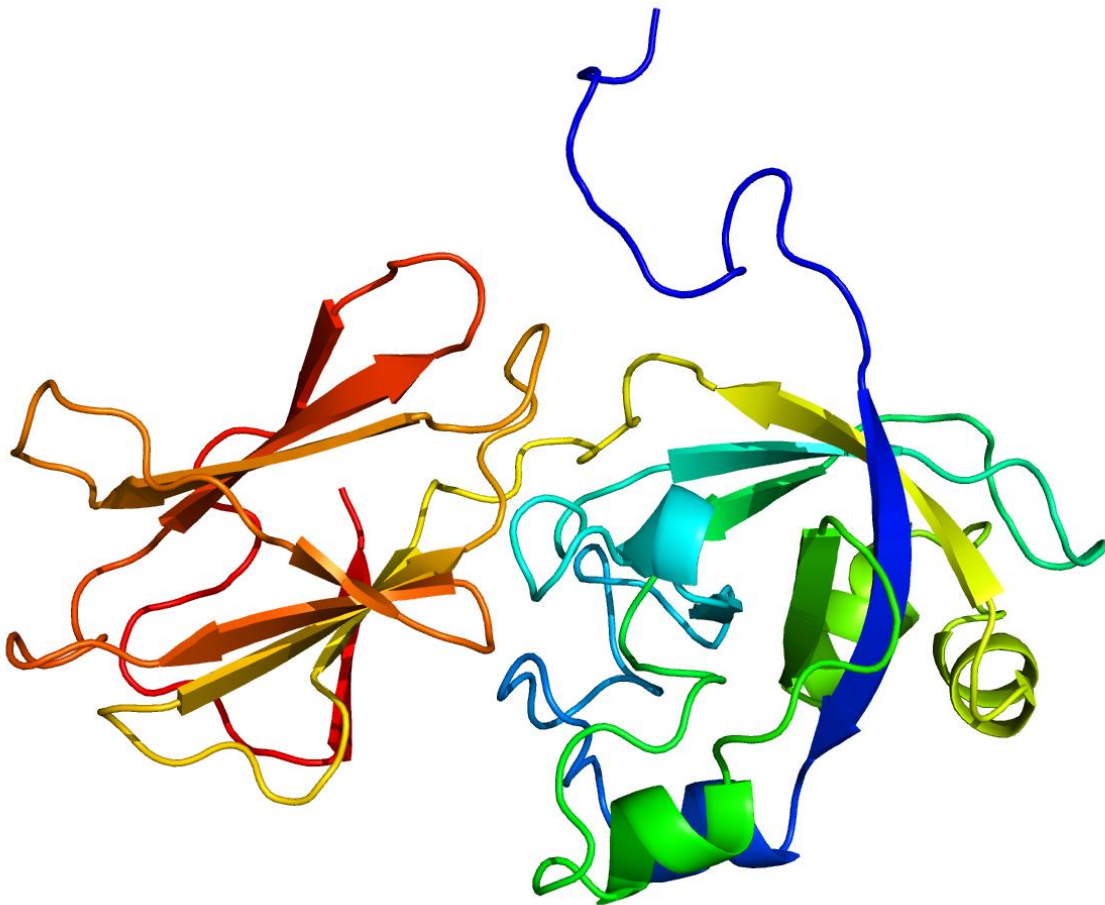
Locus: Misin02G132500

Gene Model: Misin02G132500.1.p

Description: McsEXPB-17

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

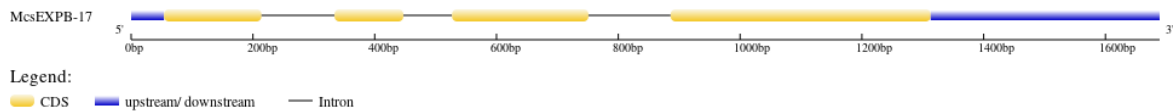
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Msinensis_v7_1

KEGG:-

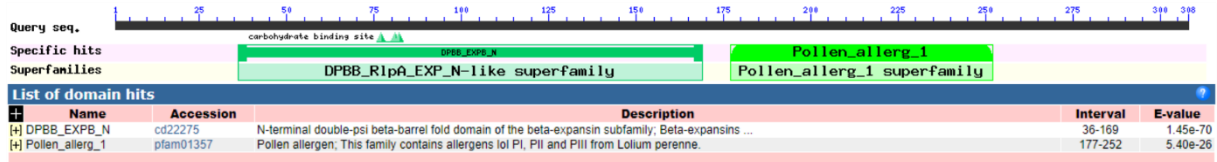
EXTERNAL RESOURCES

<https://grass-genome-hub.southgreen.fr/Genomeassembly/47213>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>McsEXPB-17

MASKIQLLSSFISILAFASHLHPSVSIEFRRELSSWTTGIATWYGDANGAGSEGGACGY
 QYAVDQPPFSSLIAAGSPFIYDSGNGCGSCYQVVCSSNQACSGYPVTVVITDQGGGG
 PCLSQASDGMCLNEGAHFDMSGTAFGAMAKPGMADQLRAAGLLQIQYTRVQCEWP
 GVDVTFSVDSGSNPNYLAVLIEYEDSESDLSAVDIMQSSAGQWVPMQHSWGAIWRL
 DSGSALYGPFHLRLTFSSGRVLIASNAIPAGWTPGVAYRAGGVAVTRARPRSGGRIH
 DVVGTFSGLVYHLLMFVVLVL*

CDS (coding sequence)

>McsEXPB-17

ATGGCTTCCAAGATTCAGCTCTTGTCTCCTTCATTTCCATTTTAGCTTTTGCCTCG
 CACCTTCACCTTCTGTTTCCATTGAGTTTCGCCGTGAGCTCTCCAGCTGGACCAC
 TGGCATAGCTACGTGGTATGGTATGCTAACGGCGCCGGAAGTGAAGGTGGTGC
 ATGTGGGTACCAATACGCTGTTCGACCAACCACCGTTCTCATCCTTGATTGCTGCTG
 GCAGCCCTTTCATCTATGACTCTGGCAATGGATGTGGCTCTTGCTATCAGGTGGTA
 TGCTCTAGCAATCAAGCTTGCTCTGGTTACCCGGTGACTGTTGTCATCACCGACCA
 GGGTCTGGCGGTGGCCCATGCCTGAGCCAAGCAAGTATGGCATGTGCCTAAAT
 GAGGGAGCCCACTTCGACATGAGTGGGACTGCATTTGGTGCCATGGCAAAGCCTG
 GAATGGCTGATCAACTCCGTGCTGCTGGCCTGCTGCAAATCCAATACTCGTGT
 GCAGTGCGAATGGCCTGGAGTTGATGTAACCTTCTCTGTTGACTCTGGCTCGAAC
 CCAAATATCTGGCTGTGCTCATCGAGTATGAGGACAGCGAAAGCGATCTTTCGG
 CCGTTCGACATCATGCAGAGCTCGGCAGGGCAGTGGGTGCCGATGCAGCATTCGTG
 GGGTGCGATTTGGAGGCTCGACTCTGGCTCTGCCCTTTATGGCCCGTTCCACCTCC
 GCCTGACTTTCAGCTCAGGCCGGTACTCATAGCCAGCAACGCCATACTGCTGG
 GTGGACCCCGGGTGTGGCGTACCGGGCAGGTGGAGTGGCGGTGACTAGGGCCAG
 GCCCAGGAGTGGTGGCCGCCGATCCACGATGTTGTTGGAACATTTAGCGGTTTG
 GTGTATCACCTTCTGATGTTTGTGGTATTGGTGTGTGA

Nucleotide

>McsEXPB-17

TCTCCCCTTGCAAATTCATCAGTCGTAGCTTGTTGTCACAGTGCAGATTTTCAGCAT
GGCTTCCAAGATTCAGCTCTTGTCTCCTTCATTTCCATTTTAGCTTTTGCCTCGCA
CCTTCACCCTTCTGTTTCCATTGAGTTTCGCCGTGAGCTCTCCAGCTGGACCACTG
GCATAGCTACGTGGTATGGTGATGCTAACGGCGCCGGAAGTGAAGGTAATATTTA
CATAATATCCCTTGTCTCAACAATCACCATATAATAGCTCATCTCAAACCTGGTGTG
CGCCTTGAATAGTTAATTTCTAATGCATGCATGTCTCAATTACACCCTTTGTAGGT
GGTGCATGTGGGTACCAATACGCTGTCTGACCAACCACCGTTCTCATCCTTGATTG
CTGCTGGCAGCCCTTTCATCTATGACTCTGGCAATGGATGTGGCTCTTGCTATCAG
GTGTGTGTGCCTCTTTGTGATTGAGGCTATTGCATGTGTGCATAGCTGCTATTTGA
CATTTAGAAATGCTGATTCATCAGGTGGTATGCTCTAGCAATCAAGCTTGCTCTG
GTTACCCGGTGACTGTTGTCATCACCGACCAGGGTCTGGCGGTGGCCCATGCCT
GAGCCAAGCAAGTGATGGCATGTGCCTAAATGAGGGAGCCCACTTCGACATGAG
TGGGACTGCATTTGGTGCCATGGCAAAGCCTGGAATGGCTGATCAACTCCGTGCT
GCTGGCCTGCTGCAAATCCAATACACTCGGTATGTACACTCTTTCCTTCATGGTCAT
GGACTTAGCTGCACCAAAAACGGCTGCTTGCAACCAACTATCCCATGTCTTTTAA
CTCATTTATTTATGCTGACCTTTGTACGATGCATGCATATATGGATATACAGTGT
GCAGTGCGAATGGCCTGGAGTTGATGTAACCTTCTCTGTTGACTCTGGCTCGAAC
CCAAACTATCTGGCTGTGCTCATCGAGTATGAGGACAGCGAAAGCGATCTTTCGG
CCGTCGACATCATGCAGAGCTCGGCAGGGCAGTGGGTGCCGATGCAGCATTTCGTG
GGGTGCGATTTGGAGGCTCGACTCTGGCTCTGCCCTTTATGGCCCGTTCCACCTCC
GCCTGACTTTCAGCTCAGGCCGGGTACTCATAGCCAGCAACGCCATACCTGCTGG
GTGGACCCCGGGTGTGGCGTACCGGGCAGGTGGAGTGGCGGTGACTAGGGCCAG
GCCCAGGAGTGGTGGCCGCCGATCCACGATGTTGTTGGAACATTTAGCGGTTTG
GTGTATCACCTTCTGATGTTTGTGGTATTGGTGTGTAATTCTGATGCAAATGCA
GCTCAGTTTTGGCAGTTTTGAGATGCAAATTTAACCATTTAGGACTATCCAGGGA
TTTATATGTGCATTTTGATGTTTTCTTGTAGCTGAGGGTGGAGTGTGTTGATTGTG
AACGTTTTTGTGATCGAGTTACCAGCATGCAACTGGTCAGGTTGGACGAAGT
CCTTGTAATATGCGTTTGGTGAACCTGATTGGGTGGTTAAGCGTCAAGCGGCA
CACTCAATTCCTTTATGGAAGAGATATGTCTTCTTTCTAGGTTCTAGCTTTTTATAT
GATTTCCATGCGTTTTTTTTATGGATTGAATGTCAGCTAGCCATTGAACTAGTGAAC
AATTTATTTTTCTGACAGTATTGAG