

IDENTIFICATION

Species: *Cicer arietinum*

Locus: Ca_02620

Gene Model: Ca_02620

Description: CarEXPA-01

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0

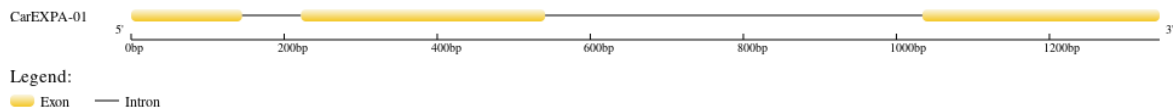
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

EXTERNAL RESOURCES

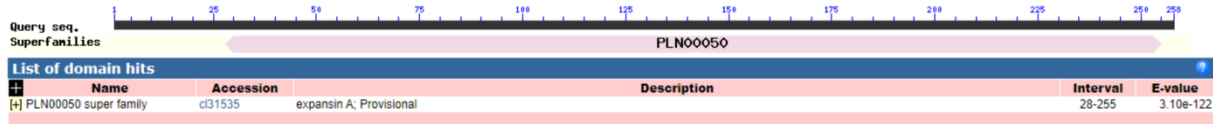
https://www.pulsedb.org/bio_data/80

<http://www.cicer.info/databases.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CarEXPA-01

MMTIVYIVSLIMSLTWLAESRIPGNYNGGAWETAHATFYGGSDASGTMGGACGYGN
LYSQGYGVNTAALSTALFNKGLSCGACFEIKCANDKEWCHSGSPSIFITATNFCPPNY
ALPNDNGGWCNPPRPHFDLAMPMLKIAEYRAGIVPVAFRRVPCRKQGGIRFTVNGF
RYFNLVLISNVAGAGDIVRTYVKGTRTRWMPMSRNWQNWQSNVAVLVGQSLSRV
TSSDRRTSTSWNIAPHNWQFGQFTTGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>CarEXPA-01

ATGATGACTATAGTGTACATTGTATCTCTAATAATGTCGTTAACGTGGTTGGCAG
AGTCTCGAATTCCAGGGAATTACAACGGTGGTGCATGGGAAACGGCTCATGCCAC
CTTCTACGGAGGTTCCGATGCTTCCGGAACAATGGGAGGAGCATGTGGTTATGGA
AACTTGTACAGCCAAGGTTACGGAGTAAACACAGCAGCATTAAAGCACCGCACTTT
TCAACAAAGGACTAAGTTGCGGTGCTTGCTTTGAAATCAAATGTGCAAACGACAA
AGAGTGGTGTCACTCTGGCAGCCCCTCGATTTTCATTACCGCAACTAACTTTTGTG
CTCCTAACTATGCTCTCCCTAACGACAATGGTGGTTGGTGTAAACCCTCCTCGTCCA
CATTTCGACCTTGCCATGCCTATGTTCCCTAAAATCGCCGAATATCGCGCCGGAAT
TGTCCCTGTCGCCTTTCGCCGGGTGCCGTGTAGGAAACAAGGTGGGATCAGGTTT
ACAGTTAACGGATTCCGTTACTTTAACTTGGTGTGATCAGCAACGTCGCGGGTG
CAGGGGATATTGTGCGGACCTATGTCAAAGGAACAAGAACCAGATGGATGCCCA
TGAGCCGAAACTGGGGTCAAACTGGCAATCAAATGCTGTTTTGGTTCGGTTCAGTC
TTTGTCTTCAGAGTTACCAGTAGTGACCGTCGCACATCCACTTCTGGAACATTG
CTCCACACAATTGGCAATTTGGTCAAACCTTTTACCGGAAAGAATTTCCGAGTTTG
A

Nucleotide

>CarEXPA-01

ATGATGACTATAGTGTACATTGTATCTCTAATAATGTCGTTAACGTGGTTGGCAG
AGTCTCGAATTCCAGGGAATTACAACGGTGGTGCATGGGAAACGGCTCATGCCAC
CTTCTACGGAGGTTCCGATGCTTCCGGAACAATGGGTACGTATGTAGTACAATAA
ATAATGTATGACATTTTAAATTAATAGTAAATTAATATAATGTTTTGATGAGTATA
GGAGGAGCATGTGGTTATGGAAACTTGTACAGCCAAGGTTACGGAGTAAACACA

GCAGCATTAAGCACCGCACTTTTCAACAAAGGACTAAGTTGCGGTGCTTGCTTTG
AAATCAAATGTGCAAACGACAAAGAGTGGTGTCACTCTGGCAGCCCCTCGATTTT
CATTACCGCAACTAACTTTTGTCTCCTAACTATGCTCTCCCTAACGACAATGGTG
GTTGGTGTAACCCCTCCTCGTCCACATTTTCGACCTTGCCATGCCTATGTTCCTTAAA
ATCGCCGAATATCGCGCCGGAATTGTCCCTGTGCGCCTTTCGCCGGTACCCCTTATT
TTTATTGTTTCCCTATTTGTCTAATAACTTTTTTTTAATGACTACATGAGAAAAGTG
TATATTATTTTGAATTGAAATATAAATATAAAATATAAGTTAAAAAATTGATCTA
TCTAAACTAAATTTTTAATTAAATATGTAAAGAGTTAAGGATGTCACCATTTTGAC
TGTTGTGGGTGTTGTATTATAGATTGGGGTTGTTTCAAGGTCAATTAATCACAATA
TTGAGCAAATTGTATTAACTATTTAATTTATAATAGTACAAATTAAGAGACGAGG
AAATCTCATAATTAGAGAATGAGTAAAAGTAGTGTTTAATTCTATTTTGAACAGT
AAATTTAACAAAATTGCGTCGACGTCATAATTTTGCCAAAAATTATGATGACTTA
GGTTGATTCAAATATGCAAATTTAAACAAGCAGTAGTGAGATGTGTTTTGCTAAG
GGAGTTATTAATTATTAGTACTATGTTTATTATGCAGGGTGCCGTGTAGGAAACA
AGGTGGGATCAGGTTACAGTTAACGGATTCCGTTACTTTAACTTGGTGCTGATC
AGCAACGTCGCGGGTGCAGGGGATATTGTGCGGACCTATGTCAAAGGAACAAGA
ACCAGATGGATGCCCATGAGCCGAAACTGGGGTCAAACCTGGCAATCAAATGCT
GTTTTGGTCGGTCAGTCTTTGTCTTCAGAGTTACCAGTAGTGACCGTCGCACATC
CACTTCCTGGAACATTGCTCCACACAATTGGCAATTTGGTCAAACCTTTTACCGGA
AAGAATTTCCGAGTTTGA