

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

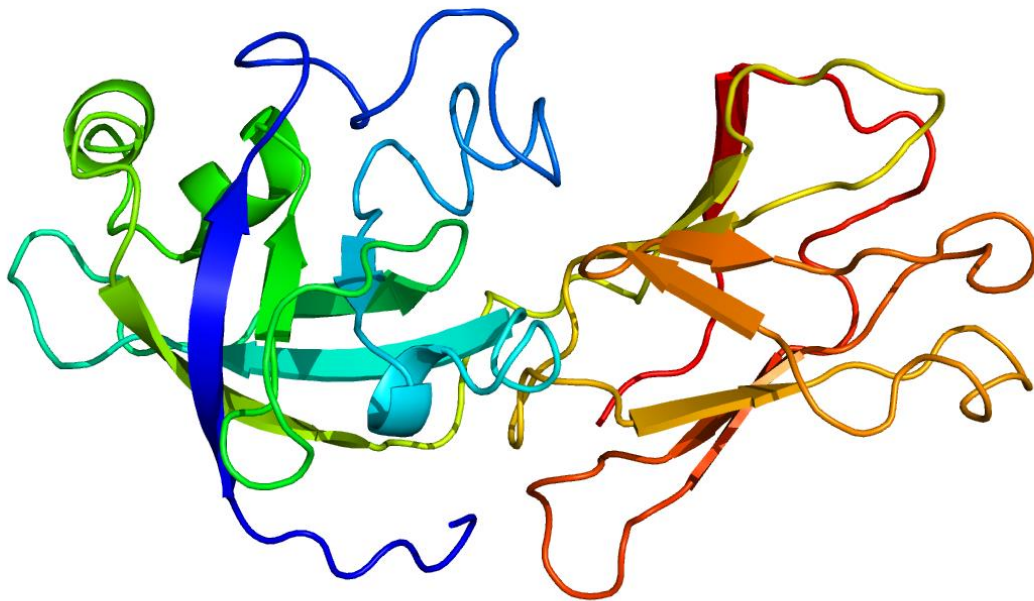
Locus: XP_011094535

Gene Model: XP_011094535.1

Description: SinEXPB-01

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

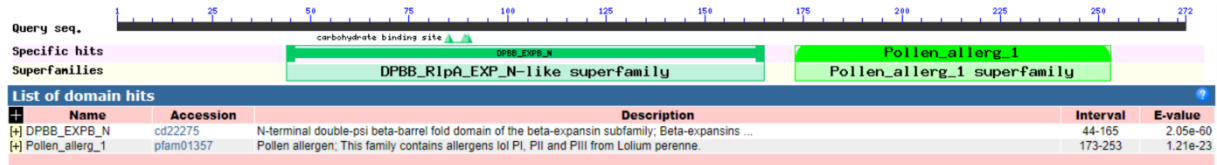
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPB-01

MAFVLHYSLFTYLALLTTLLSNLCCYSFNPKLLNVSKLESGSDWSPAQASWYGNPSG
AGSDGGACGYGNAVEAAPFSSLITAAAASLYNSGKACGTCFQVKCTSSKVCSGNPVR
VVITDECPGCDQSLLFDLSGTSFGTMAASGEADQLRNVGIEQIQYKRVECNFPGVSV
AFRVDPGSNANYFATAVEYEDGDGLAGVELKQAADSGGAWLPMQQSWGAVWKV
DLPSNYKPPFSIRLTAGGSNSRKTVVADKVIPANYNPGQTYRSLVNF

CDS (coding sequence)

>SinEXPB-01

ACTCCCCACTGCCACTACTACAACATGATCCCAACATCTCCTAAATAATTAGTTG
ATGTTTCGATGGCTTTTGTGTTGCATTATCACTCTTCACGTACTTAGCTTTACTTAC
TACTCTTCTCTCTAACTTGTGCTGCTATTCCTTCAATCCCAAACCTCCTAAATGTGTC
AAAACCTTGAGTCCGGATCCGACTGGTCGCCCGCCCAAGCCAGTTGGTATGGCAAT
CCTTCTGGTGCTGGAAGTGATGGGGGTGCATGTGGATATGGAAATGCTGTGGAGG
CGGCACCATTTTCTTCCCTGATAACAGCTGCTGCTGCTTCTCTTTACAACCTCCGGC
AAGGCTTGTGGAACCTGTTTTTCAGGTGAAATGTACAAGTAGTAAGGTATGCTCGG
GGAATCCGGTGAGGGTGGTGATAACGGATGAATGTCCTGGCTGCGACTCTCAATC
TCTTTTATTCGATTTGAGTGGCACTTCCTTTGGAACAATGGCTGCTTCTGGAGAAG
CTGATCAGCTTAGGAATGTCGGAATTGAGCAAATTCAATATAAGAGAGTGGAGT
GCAACTTCCGGGAGTGTCAGTGGCGTTCGGGGTGGACCCTGGTTCCAACGCCAA
CTATTTTCGCGACTGCCGTTGAATACGAAGATGGGGATGGGCTGGCGGGAGTTGAG
CTCAAACAGGCGGCGGACTCGGGCGGCGCGTGGCTGCCCATGCAACAGTCGTGG
GGTGCTGTTTGAAGGTGGATCTGCCATCAAATTACAAGCCTCCGTTCTCTATCA
GACTAACTGCTGGCGGCAGTAATTCCCAGCAAGACAGTGGTTCGCTGACAAAGTTAT
ACCTGCCAATTACAACCCCGGACAGACTTATAGATCCTTAGTCAACTTTTGAGTG
CTACTGCTAATAGGCTGCCTTCACTTATTCCTTGTCTGGGTCTCTCCAACGGTTGA
GATCTTCCCTCTTCTAGAGGAGGACAAACTCTTGTTCCTTTCTTTGTATTTTCTTAG
TAAGAGCTTTAATTTATTTTCGCTCGGAAAATAATAATAAAAGAAATAAGTTATGT
ATTA

Nucleotide

>SinEXPB-01

CACGAGTTCAAATTTTCGGTATAATTGGAGAATTAGTTTTGATTCCCATTTGAAAA
AGAAAAGCACACGCTGGTCCTTAAACTCTGGTGTGCATATCTTAATTATAGTAAA
ATTTACAATTAAGTACCTCCAAAACCTCCAAAATTCTATTTTAATCCACAGGATTCT
GGAGTTAATTGTTTTAATTTATGATGGAAGCACATAAATACAGTGATAACTGTAT
TTGTTTTTATCATGCATGTTGTCACTACATAATAACAACCTTTACAATAATCGTTTA
GTTCTTAATTAGCAATATTGAAAAGTTGTATAACAATATCTTAAAATTATAATAATT
AAATATACATACTCATAATTAATGATAGTATTTAATACTAATAATTATTCATCAAG
CTTTGTTTAGTAAGTTGTTGATTGCTTGTTAACCCACATGACGTAAAGTGGATTT
GGGCATTTATAGCTCACTCTATAAATAGTGCTGAATTTTCAGCTACGGAAATCATC
ACTCCCCACTGCCACTACTACAACCTGATCCCAACATCTCCTAAATAATTAGTTG
ATGTTTCGATGGCTTTTGTGTTGCATTATTCACCTTCACGTACTIONTAGCTTTACTTAC
TACTCTTCTCTAACTTGTGCTGCTATTCCTTCAATCCCAAACCTCCTAAATGTGTC
AAAACCTTGAGTCCGGATCCGACTGGTCGCCCGCCCAAGCCAGTTGGTATGGCAAT
CCTTCTGGTGCTGGAAGTGATGGTAAGCTAGACCTACCCTTAATTAATTTACGCG
CCCACACACAGCCACAACCTCTTCTGTGTGCCATATAAATTCACAAATATATATA
GTAAAATTTTAAATTCGAACAATGTTCTATTAAGTGCAAACCTCATGAATGCATTAT
AATATATATTTCTTTAATTTTATACTAAAATTCTGCTAATTATAAAAAGAAAAATG
TGAGTAATTAATAAAAATGTTGTCTTTATCATAACTAGAAATTAAGTGATTTTGAT
TTGAATGGTGTATGGAATGTGTTATATAATTAATTAGGGGGTGCATGTGGATAT
GGAAATGCTGTGGAGGCGGCACCATTTTCTTCCCTGATAACAGCTGCTGCTGCTT
CTCTTTACAACCTCCGGCAAGGCTTGTGGAACCTTGTTTTCAGGTTTAATTACCAAAT
TAATCACATATAATTTTCTCTATATATGTGCTTGTGGATGGTTTTAATTACAT
TTTCCAAGAAAAAAAATCATTAAATATATGTAGGTGAAATGTACAAGTAGTAA
GGTATGCTCGGGGAATCCGGTGAGGGTGGTGATAACGGATGAATGTCCTGGCTGC
GACTCTCAATCTCTTTTATTCGATTTGAGTGGCACTTCCTTTGGAACAATGGCTGC
TTCTGGAGAAGCTGATCAGCTTAGGAATGTCGGAATTGAGCAAATTCATATAAG
AGGTATGAAACTATTACTATTATTATTATTATTATTATTCTCTCTCTCTCTCTC
TGTATTCTCTCAGCTTGATCATAGTTTAATTAATTAATACCATTATTGAAAATAA
ATTTACCCGAAAATATAGAGTTTGCTATTTTATATTTTGAAGTAGTAATAGTAGTA
GCCCAAATCATAATATTTGATCAAAGTGTTGGTAGAGTAGGAGTGATCCAAGTTC
AATAATATTTTAAACAACTTTTCATGAAAGAAATATTTTGTGGCAATCAGATTACTT
TAGTTGGGGTTAGTCATAACGAATTAATTAATTTATTTATATTATAAGTGTAATAT
ATTTATTATACGATAAATATATTGTATTTGTAATATATTCTGATTTGATTAATGCA
ATTTGAGTTAGAATTTTCCATTTGACTTGAACCGAACACGTAGGATCCCGACAGC
AATTCTCGTTTAAACCATACGTGGATAGGTTTTTATTACTTAATCAATTGGATACGT
TATTTTGCATTTTCAGAGTGGAGTGCAACTTCCGGGAGTGTCAAGTGGCGTTCCGG
GTGGACCCTGGTTCCAACGCCAACTATTTTCGCGACTGCCGTTGAATACGAAGATG
GGGATGGGCTGGCGGGAGTTGAGCTCAAACAGGCGGCGGACTCGGGCGGCGCGT
GGCTGCCCATGCAACAGTCGTGGGGTGTGTTTGGAAAGGTGGATCTGCCATCAA
TTACAAGCCTCCGTTCTCTATCAGACTAACTGCTGGCGGCAGTAATCCCGCAAG
ACAGTGGTTCGCTGACAAAGTTATACCTGCCAATTACAACCCCGGACAGACTTATA
GATCCTTAGTCAACTTTTGAAGTGTACTGCTAATAGGCTGCCTTCACTTATTCCTT
GTCTGGGTCTCTCCAACGGTTGAGATCTTCCCTCTTCTAGAGGAGGACAAACTCTT
GTTTCTTTCTTTGTATTTTCTTAGTAAGAGCTTTAATTTATTTTCGCTCGGAAAATAA
TAATAAAAGAAATAAGTTATGTATTACTCATGCAGTTACATGCAAATTTTAAAGG

CAGGTTTGGTTTTACTGTGATTGCATTTCCAGATTTTCTATGGTTGAGCCATTTTCT
TATAGTGATAATAATAACCCAATTGTGTGGATAGTACAATCAGATATAATTAAGA
ATACCCCATTTACCATTCATTAGGTATGTTTTTATTTGAATTATTTGAGCATTGAT
TACTTTCATTGTAAAGAGTTTATGACCATTTGACTAATTTGAGTATGGTAGTGCCC
CCACTAGAAAGCTCCCGACGGACTGATATCTGTGTTTGTAGGTCGGTTTCTTGATA
AGTGATAGAAATTATAATAATTTGTTATTAATTAATAATGATTATTTGAACAAAT
AAGTGTAAGTCTTTTTATGCGACCAACGCCGATGAATTGTTGGAGTGTTACTCCA
GTTGGGCCAAGAGGATGCCAATTTAATTCTATTGTTACGTGTGGGTGGGTCTAA
GTTGAGGCTGTAAAAATGGGCCGCT