

IDENTIFICATION

Species: *Olea europaea*

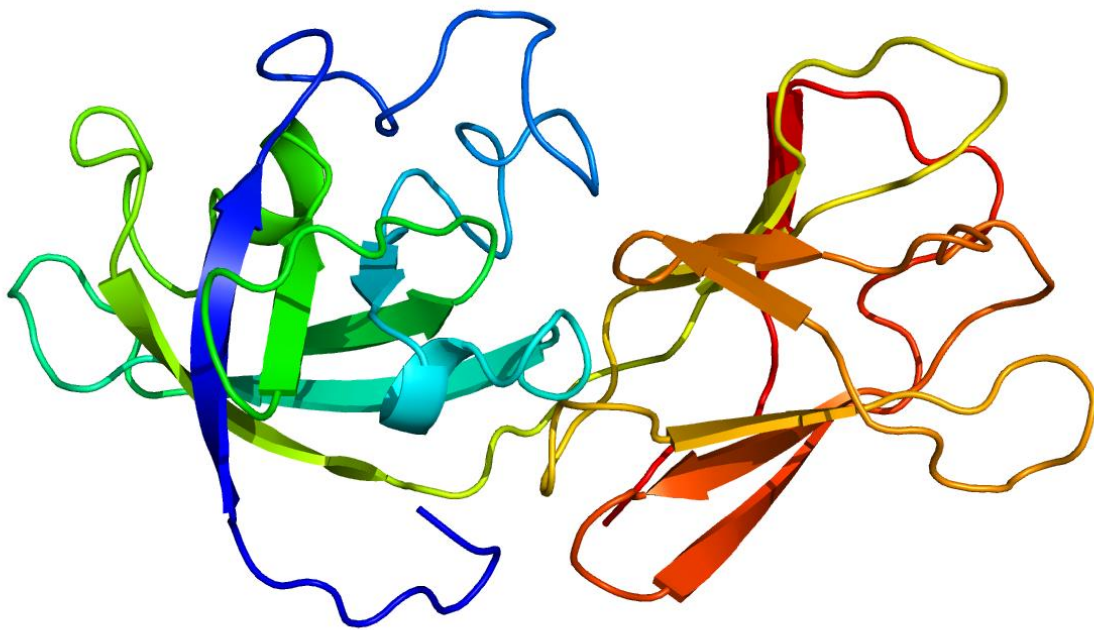
Locus: Oeu001903

Gene Model: Oeu001903.1

Description: OeuEXPA-14

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Oeuropaea_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05244>

EXTERNAL RESOURCES

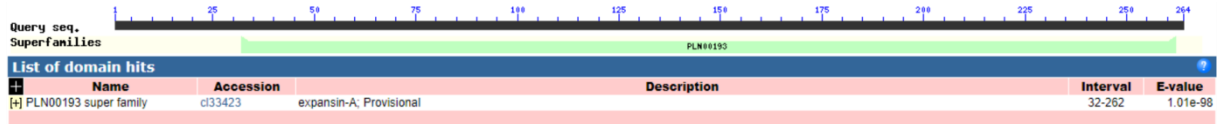
<http://olivegenome.org/>

<https://genomaolivar.dipujaen.es/db/index.php>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>OeuEXPA-14

MVSL LHSCQFSLFFLILAVIEKARAGYYTRVFRPTTWQLAHATFYGDETASETMGGA
CGYGNLFSSGYGTDTAALSSVLFNNGYGCQCFCQIRCVQSQWCYKGPITVTATNL
CPPNWAKDSNNGGWCNPPRTHFDMSKPAFMKIAQWKAGIVPVMFRRVPCVRKGG
RFTFQNGYWLLVYVMNVAGGGDISQMWVKGSKTGWISMSHNWGASYQAFATLG
GQALSFKITSYTSHETIIAWNVAPSNWQVGMTYSANANFH*

CDS (coding sequence)

>OeuEXPA-14

ATGGTTTCTTTACTTCATTCATGTCAATTTAGCTTATTCTTCTTGATTTTGGCGGTG
ATCGAGAAAGCAAGGGCCGGATACTATACCCGTGTATTCCGACCTACGACTTGGC
AACTTGCCCATGCCACATTCTATGGGGATGAAACTGCTTCGGAAACTATGGGTGG
AGCATGTGGTTATGGAACTTGTTTCAGCAGTGGGTATGGCACCGACACGGCGGGC
CTAAGCTCAGTCCTATTCAACAATGGGTACGGATGCGGACAGTGCTTTCAAATCC
GTTGTGTTCAATCGCAATGGTGTACAAAGGATCACCAATAACTACCGTTACCGC
CACCAACCTTTGCCCGCCAAACTGGGCTAAAGACTCCAATAACGGTGGCTGGTGC
AATCCGCCACGAACCCACTTCGACATGTCGAAGCCAGCATTTCATGAAAATTGCTC
AATGGAAGGCTGGGATTGTACCTGTTCATGTTCCGCAGAGTGCCATGTGTTAGGAA
AGGCGGCCTTCGATTCACCTTCCAAGGGAACGGCTACTGGCTACTTGTGTACGTG
ATGAACGTTGCCGGTGGCGGAGATATCTCCCAAATGTGGGTGAAGGGAAGCAA
ACAGGGTGGATAAGCATGAGCCACAATTGGGGAGCTTCATACCAAGCATTGCTA
CTCTTGAGGGCAAGCCCTTTCTTTCAAGATAACTTCATACACGTCCCATGAGACT
ATTATTGCATGGAATGTTGCCCTTCCAATTGGCAAGTAGGAATGACTTATAGTG
CCAATGCCAACTTCCATTGA

Nucleotide

>OeuEXPA-14

ATGGTTTCTTTACTTCATTCATGTCAATTTAGCTTATTCTTCTTGATTTTGGCGGTG
ATCGAGAAAGCAAGGGCCGGATACTATACCCGTGTATTCCGACCTACGACTTGGC
AACTTGCCCATGCCACATTCTATGGGGATGAAACTGCTTCGGAAACTATGGGTGA
GTTCCGCAAAAATTTGGCCTACTTTTAAACAACCTTCTTGTACAATGTATTTTCAT
TTATTAAGATCGTCACATGCTTGCTATCAAATGTCATTACCGTTACTTACATTTT

AAATTTCAAAACTTTTTTAAGTAGCAACGTTCATTAGAAAAATAATATTTTCAATT
ACTATGTATTTTCATAAAAATAATTTAATGTCAAATAAATTTGAATGTAAAACTTTT
AATTATTTTTTAGGAAGAAAAACTTAGAATAATAGCCGGACATGAGATGATTTTA
GAATTAATCATTTACTTACTTTCAACCTTGACTTCCAACAAATTCAATTATGTAA
AAACGATCCTATAAGAAAATTTTGTGGCTTATTTGAAATTTTAAGGGGTAAAC
ATTATAGTCACTAATTTTATTTTATTTTATTTTTTAATGAAGTCGTATGATTTGATT
TAAGTAGATCATTAACTCAAATTAGTTATAACTGACTCACCAAACCTTAAATATT
TTTGTACATTTTCATCACTTATATATATATATATATATATATATATATATATA
TATATATATATATCTACTTATCAATAAGTTGCTTTTAAGCTTAGCCAAACATGTTA
AATGACGATATTTGGTAATGCAGGTGGAGCATGTGGTTATGGAACTTGTTTCAGC
AGTGGGTATGGCACCGACACGGCGGCGCTAAGCTCAGTCCTATTCAACAATGGGT
ACGGATGCGGACAGTGCTTTCAAATCCGTTGTGTTCAATCGCAATGGTGTTACAA
AGGATCACCAATAACTACCGTTACCGCCACCAACCTTTGCCCGCCAAACTGGGCT
AAAGACTCCAATAACGGTGGCTGGTGCAATCCGCCACGAACCCACTTCGACATGT
CGAAGCCAGCATTCATGAAAATTGCTCAATGGAAGGCTGGGATTGTACCTGTCAT
GTTCCGCAGGTACTTATTATTATTATTTAAATAACCATTGACTTGATTTTTATT
TTTTATTTTTTTACGTGACAATTTATTTACATTTTAATATTTAAACTAAACTTTGTT
ATATGACAATATTCTCATAGGGTAAAAGCACTACTTTTTGAATTGTTATAAAAAT
CGAATAGACTAGTTGGATAAAAAAATAATATGATATCAAGACAAAATTAAC
TAAGTGCTCGGTTAAACCATAATAATCGGCTTTTTTAAAAAGTAATTTTTGTCATT
TTTGTTAAGGATTGATTATCCTTGACATATCGTGTTGTGTTTATTACTAAAGTTCT
AGAATGACTTTAATGTTTGGTTTATAAAAAGTTAACTTATATTTGTAAAGGTCGACC
TCAAACCGTAGTTGTAGACCCCAAGTTGTTGTAAGGGCAAGGGATCGACCCAA
AGAATTTTTAGGGCTAGGGATCGTCCCCTTACCTTACATGGATCGAGCCCTTCTGC
TTAGTTAGTGAGCGAAACTCGGACAACAACATGCATAAGTTTTTATAGGAAGCTC
CGATTTGAGATCCTTGAAAAATGAGTTGGGATTCTAACTTGATAGTGTTTCCAAT
GATATATTATGAACGGATATATCTAAATTAATTATTTTCAACTTCAAATTTGATCT
GCTTGAAC TAGATCGTTTACCATGTACAATTATGAGTTCATTGCCCATGAGGGTC
AATTCCTAATTTTTTTTATTTTTTAAATCTCTTCTTGCTTGTAGAGTGCCATGTGTTA
GGAAAGGCGGCCTTCGATTCACCTTCCAAGGGAACGGCTACTGGCTACTTGTGTA
CGTGATGAACGTTGCCGGTGGCGGAGATATCTCCCAAATGTGGGTGAAGGGAAG
CAAACAGGGTGGATAAGCATGAGCCACAATTGGGGAGCTTCATACCAAGCATT
TGCTACTCTTGGAGGGCAAGCCCTTTCTTTCAAGATAACTTCATACACGTCCCATG
AGACTATTATTGCATGGAATGTTGCCCTTCCAATTGGCAAGTAGGAATGACTTA
TAGTGCCAATGCCAACTTCCATTGA