

## IDENTIFICATION

**Species:** *Arachis duranensis*

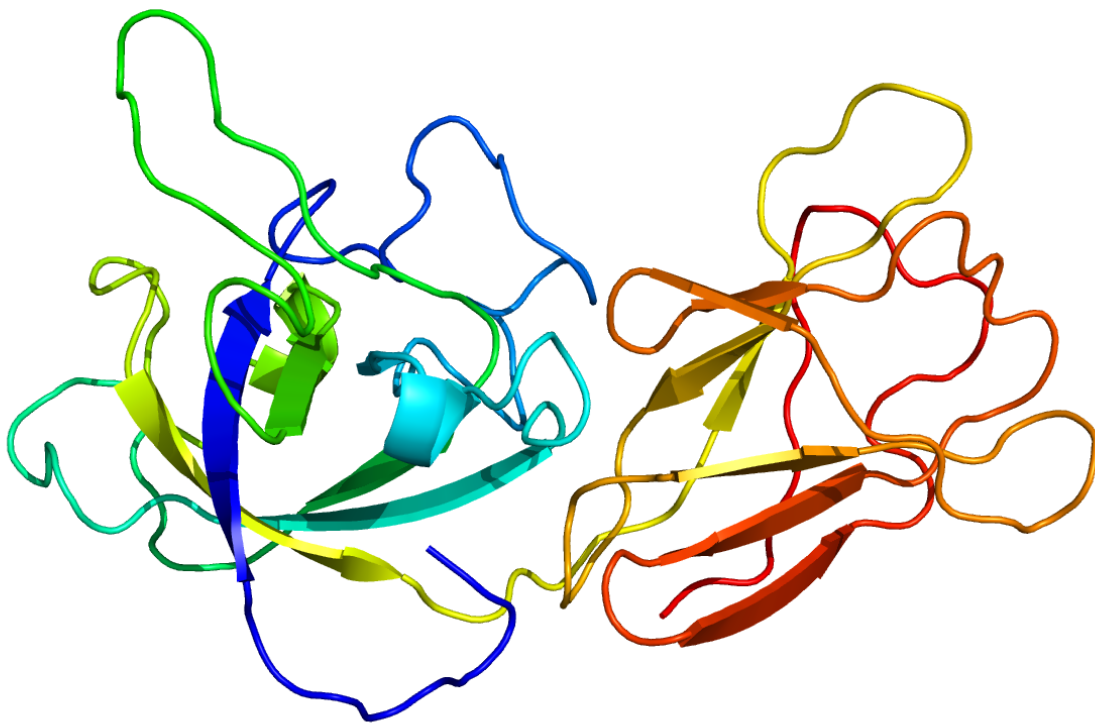
**Locus:** XP\_015931509

**Gene Model** XP\_015931509.1

**Description:** AdEXPA-19

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

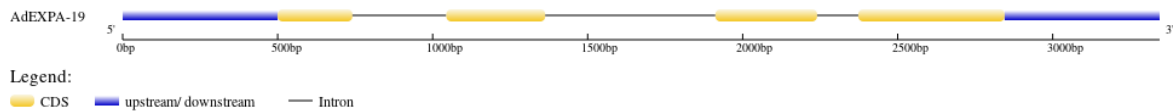
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Arachis+duranensis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04300>

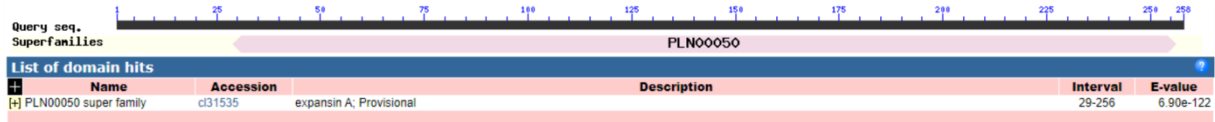
## EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/duranensis>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>AdEXPA-19

MSTKIISIATLLALFTTTQARIPGVYTGSAWETAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL  
YSQGYGVNTAALSTALFNNGFSCGACFEIKCANDPNWCHAGSPSIFVTATNFCPPNY  
ALPSDNGGWCNPPRPHFDLAMPFLKIAQYRAGIVPVS YRRVPCRKQGGMRFTINGF  
RYFNLVLITNVAGAGDIMRASVKGSNTGWMTMSRNWQNWQNSVVLVGQSLFRV  
TASDRRTSTSWNIAPSNWQFGQFTTGKNFRV

### CDS (coding sequence)

>AdEXPA-19

CTCCACACTCTTCCCTCCTCACACAAACACAACCCTTTGGCCTTCTCTTTCTCTGTG  
TCCAAAACACAAACTCGCATAAAGAGAGAAGAAACCATGTCCACCAAATCATC  
AGCATTGCAACACTCTTACTAGCTCTCTTCACAACAACACAAGCCAGAATCCCCG  
GTGTCTACACTGGCTCCGCATGGGAGACTGCTCACGCCACATTCTACGGTGGCAG  
CGACGCCTCCGGAACAATGGGAGGAGCATGTGGTTATGGAACTTGTACAGCCA  
AGGGTACGGAGTGAACACGGCGGCGTTGAGCACTGCACTGTTCAACAATGGCTTC  
AGCTGCGGAGCGTGTTCGAGATCAAATGCGCCAACGACCCCAACTGGTGCCATG  
CGGGTTCGCCATCGATATTCGTGACGGCAACTA ACTTCTGCCCTCCCAACTACGCT  
CTCCCAAGTGACAATGGAGGTTGGTGCAACCCTCCAAGGCCACACTTCGATCTCG  
CCATGCCCATGTTCCCTCAAGATCGCTCAGTACCGCGCTGGCATTGTTCCCGTCTCT  
TATCGCAGGGTTCATGCCGCAAGCAAGGTGGAATGAGATTCACGATCAACGGTT  
TCCGTTACTTCAACTTGGTTTTGATCACGAACGTGGCAGGTGCAGGGGATATCAT  
GAGGGCGAGTGTGAAGGGTCCAATACAGGGTGGATGACCATGAGCCGTA ACTG  
GGGTCAAAACTGGCAATCAAACTCTGTTTTGGTTGGTCAGTCACTCTCCTTCAGG  
GTCACAGCCAGTGACCGTCGCACTTCCACTTCTTGGAACATTGCACCCTCCAATTG  
GCAATTTGGCCAAACCTTCACCGGCAAAAACCTTAGGGTCTAAAAACATACATAC  
AACATGTTATTATGGTATATATTTTATTTGTGAAATATTTGTATCCATTTGCATATT  
ATTCATCATTAACGAGGTATAGACTCAATTTAAGTGTGAGTTTATATTTTATCTA  
ATGATAAATAATATTTGAATTGGTACAATCTTTCACATCTTATATATATGTTCAAT  
GAACATCATTAATAAGAAAATTA AAAAGCGGTGGTATGTATTAGTGATACTTTT  
TGACATTTTCTTTGTCTTGT TTTGAGGTAGTGGTGAATCAAATATATGTCTT  
CGGTATATGGGTTTAGGTTTTTCTTCAAGGTTTTTATTATTTTATATAGATATCTCC  
ATTTTGAGTAAAAGATGGTGGAGAATATGACGATGTAATGAACTTTTTGAAAGGA

GCTGAAGTGGCTTGCAAGTTTATATGCCCGCAGCTATGCTTACTATATATATAAAT  
ATTATCATATTATATATTTTA

**Nucleotide**

>AdEXPA-19

GGGATCAAACCAGATCAAATAATGTGTGTAATATAAAAATTTATTGAGAATCAATT  
TAAATATATATAATCAATTAATTTGTGTGATATAAAAATTTGTTNTAATATTTATTG  
GTTGCCTACCTCATCTTCAATTTTTTTCATGTCGATTTGTCATTGGCCAATAAATTA  
TTGCATAAAAAAATTAAGATTTCGAATATTTGACACTTAATTTAAAAATAATTA  
GTATTATTTTATTATTGACATTCTCAGAAAAGCTTGATTCATATATTTTTGATTAAT  
TTTATGGTATCTATTATTTAGTATTTAATTTTTTTCTAATTTACTTTTTATATTAAT  
TTTAAATATTTAAAAATGATTTATTTTTATATTTTAAAAATTAATAATTTTAA  
ATTATTTTTAACATGTTAAACACCACTTTTCAGTTTTTCAGTTTCCACTTTTGATGCC  
CTAAACCTCAACAATGACCCATTGCTCTCCCTCCATAAATACCAACACTCTCCAC  
ACTCTTCCCTCCTCACACAAACACAACCCTTTGGCCTTCTCTTCTGTGTCCAA  
AACACAACTCGCATAAAGAGAGAAGAAACCATGTCCACCAAATCATCAGCAT  
TGCAACACTCTTACTAGCTCTCTTCACAACAACACAAGCCAGAATCCCCGGTGTC  
TACTGGCTCCGCATGGGAGACTGCTCACGCCACATTCTACGGTGGCAGCGACG  
CCTCCGGAACAATGGGTATCCACCATCACTTCAAAGTTTCTTCTTTCTAACCTT  
CAACTCAAAAACCTTCACTTTTCTTTATTTTACTATGTTTCTCTGTTTTCTCTG  
TTTTCAACTAAACCCATCTATCACCAAACCTTCAAAGTCCAAACCCACACATATA  
ATGTCTTCTCATTTTCCACCTTTGAAAACTTTAGCTTCCAAAATAAAAAAATCAA  
TTTTTTATTTTTTTAATTAATAATTACCGGTAAATGTTAGAAGAGAAGAGAAAGG  
AAAGCTGAAAATTAAGTTCGCAATTATTACTACGCAGGAGGAGCATGTGGTTA  
TGGAACCTTGTACAGCCAAGGGTACGGAGTGAACACGGCGGCGTTGAGCACTGC  
ACTGTTCAACAATGGCTTCAGCTGCGGAGCGTGTTCGAGATCAAATGCGCCAAC  
GACCCCAACTGGTGCCATGCGGGTTCGCCATCGATATTCGTGACGGCAACTAACT  
TCTGCCCTCCCAACTACGCTCTCCCAAGTGACAATGGAGGTTGGTGCAACCCTCC  
AAGGCCACACTTCGATCTCGCCATGCCCATGTTCTCAAGATCGCTCAGTACCGC  
GCTGGCATTGTTCCCGTCTCTTATCGCAGGTAACCTTCTTTGACTTTTTGA  
GATTGTGGCTTTTCAACTTATCAAAGAATAAAAAAAGAGAGGAAACGGTGTCTGTT  
TGTGGAGACAAAGTGAGCTCATATTCTGCTACGGTGGAGACAAGACAGTAATAG  
TGGGAATGGTACGCAATATTTGACGATGTAGTCTCAACTCCCAACTATGAATACA  
AATGAGAGGAGGGTACCATTTTCTACGTGGACCCAGTAGCCGAAAACGGACAA  
TCTGGACCGTTCATCTCAACGGGATTTCGGGATTCTGAAACATTTGGCCGCGTCATT  
GCACGATTCCCCAAACAATAGAATCTTCTTTTTTTCATCTTTCCACTCCATGCATCA  
TGATTCCCTCCACACTGGTTAACTATAACAGAAGAGGAAAATTAATAAAGAAAT  
AAAATTTTATTTTTATCTAACAAGCTATATTTGTCTAAAGGTTACAACACTACTGTCA  
TAATTGGTGGATTTTTTTTTCTCTTAAAAAATTGATAAAACCCTGTAACAATGTTTT  
ATTACGATTATGCCCTGTTGTGTAGGGTTCATGCCGCAAGCAAGGTGGAATGA  
GATTCACGATCAACGGTTTCCGTTACTTCAACTTGGTTTTGATCACGAACGTGGCA  
GGTGCAGGGGATATCATGAGGGCGAGTGTGAAGGGTTCCAATACAGGGTGGATG  
ACCATGAGCCGTAACCTGGGGTCAAACTGGCAATCAAACCTCTGTTTTGGTTGGTC  
AGTCACTCTCCTTACAGGGTCACAGCCAGTGACCGTCGCACTTCCACTTCTTGGAAC  
ATTGCACCCTCCAATTGGCAATTTGGCCAAACCTTCAACGGCAAAAACCTTTAGGG  
TCTAAAAACATACATAACAACATGTTATGGAAAAGTTTTCAAGTATATCGGTGAT

TTTTAACAGTTATCTTAATTATATATATTATATATATTTTTTTATAATTAAGATTAAC  
CGTTTAAAATGATTGAAATACTGGTATACCGATACATTTAAAAGTTTTCCATGTTA  
TTATGGTATATATTTTTATTTGTGAAATATTTGTATCCATTTGCATATTATTCATCAT  
TAAACGAGGTATAGACTCAATTTAAGTGTGAGTTTATATTTTTATCTAATGATAAAT  
AATATTTGAATTGGTACAATCTTTCACATCTTATATATATATGTTCAATGAACATCAT  
TAAAATAGAAAATTTAAAAGCGGTGGTATGTATTAGTGATACTTTTTGACATTTT  
CTTTGTCTTGTTTTGAGGTAGTGGTGAATCAATCAAATATATGTCTTCGGTATATG  
GGTTTAGGTTTTTCTTCAAGGTTTTTATTATTTTATATAGATATCTCCATTTTGAGT  
AAAAGATGGTGGAGAATATGACGATGTAATGAACTTTTTGAAAGGAGCTGAAGT  
GGCTTGCAAGTTTATATGCCCGCAGCTATGCTTACTATATATATAAATATTATCAT  
ATTATATATTTTATATAACATGATCATCAAGTCTGCTTAAATATTTTCTTTGTTAAT  
TATAATTATAATTTCTCATTGATATTGCCGAGATGAGTTTGATGTGAGTTTATGCT  
TTGCTATCTCGAGCCTTGGATATGATTCATTTTATTAGTACACTAATTGAAATTCG  
AAAAGTGTGGTTAGTTGATGCATGCATCTTTCACAATTTAGCATGCTTTATTTACC  
AGCGCCGAAAAGTTAAAGGAGAAAAAATATTCAAATCAACGTTGATTAATAAGA  
GTATTTGTCTCTTCTTTGATCTTTGTTATATTGGTATTTAAAAGTAGATTCTATGCCT  
TCCGTGATGGTTTTCTTAACCTTCTCTGATGCTATCTTATGTATTAATTATGTTAGTA  
ATGATGAGGTTATCTTTAATTTAGTTGTGAAATTGCGAAAAGGTATGATTCAGGC  
ATAATGCAAGTTGAATTATATTACAAGAAAGTAGTGTGCCTTAGAACATCTTCGA  
CAGAAGAATT