

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

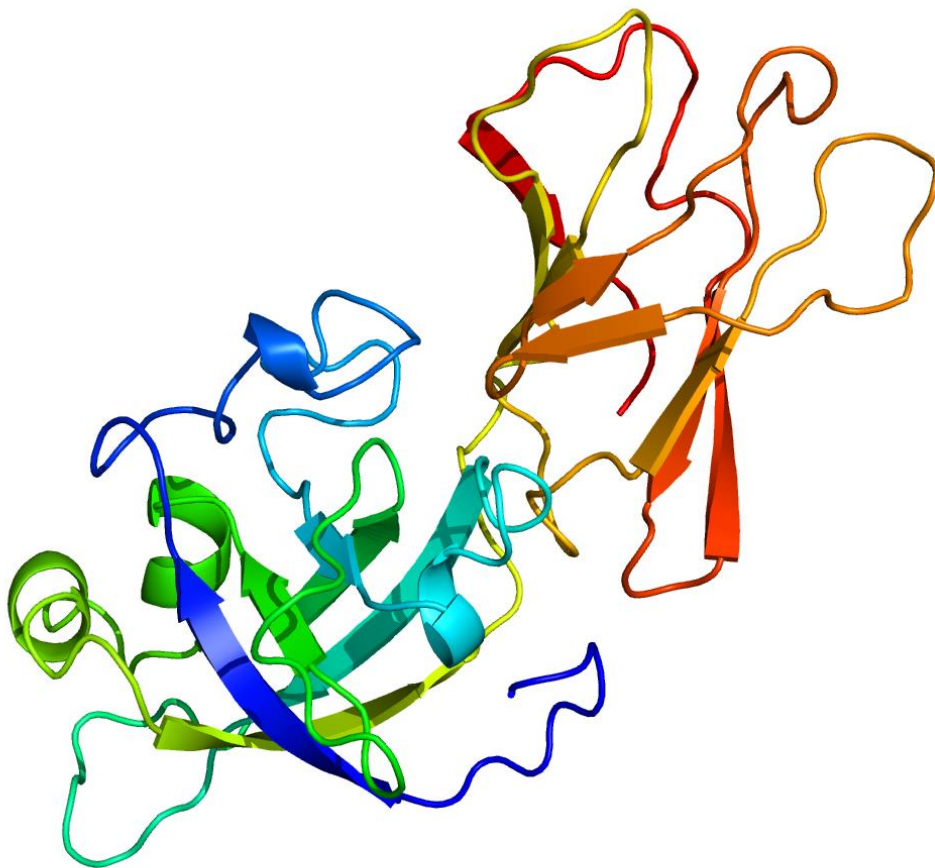
Locus: Migut.F01692

Gene Model: Migut.F01692.1.p

Description: MgEXPB-09

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

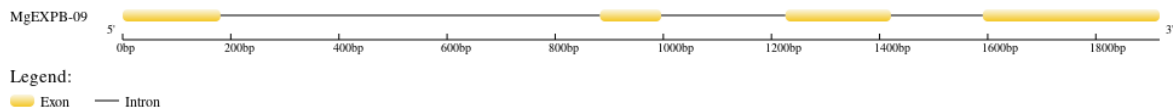
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

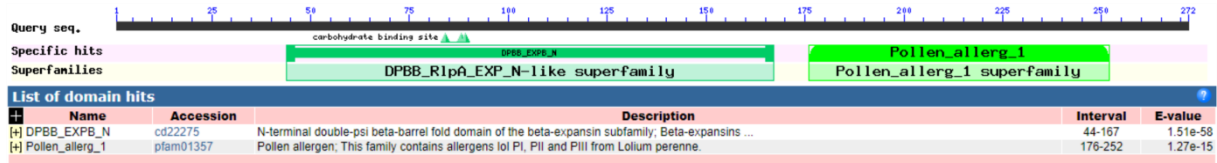
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPB-09

MAMFTSQLFRIFNLFTHIAILFIQLNNCVCMASQIINGTLGGGFSAGVATWYDSPTGPG
SGGACGFENDVAYAPYNGMTAAGNRNIFQSGKGCVCYQVKCTKATNSLCSNPVT
VTVTNECPGTCNNEAFHFDLSGIAFGALANPGQADPMRKLGRIDIEYQRVQCTYSNIG
IQFKIDKGSNVNYLAF AIEFVNGDGDIGSAAISSNSNGWLSMKQSWGATWSVGIPEG
VSGPYSVKVTTIESQKTAIANNVIPANWSKGQNYRSNVNV*

CDS (coding sequence)

>MgEXPB-09

ATGGCAATGTTTACTTCTCAATTGTTTCGAATTTTAAATTTATTTACAATAATAGCT
ATTTTATTTATCCAATTAATAAATTGTGTATGCATGGCTTCACAAATAATAAATGG
TACTTTAGGTGGTGGTTTTTCAGCTGGAGTTGCTACATGGTACGATAGCCCCACA
GGACCTGGAAGTGGGGGAGCTTGTGGATTTGAAAATGACGTGGCATAATGCTCCAT
ACAATGGCATGACAGCTGCAGGAAATAGAAATATATTCCAATCTGGAAAGGGTT
GTGGGGTTTGTATCAGGTCAAATGCACAAAAGCAACAAATTCGTTGTGCTCAGA
AAATCCAGTTACCGTAACGGTCACAAATGAATGCCCGGGTACATGCAACAACGA
AGCATTTCACTTCGACCTAAGTGGTATAGCTTTCGGTGCTTTAGCCAATCCGGGTC
AAGCCGACCCGATGAGGAAATTGGGTGCAATCGATATTGAATACCAAAGGGTGC
AATGCACTTATAGTAACATCGGCATACAATTCAAGATCGACAAAGGATCGAACGT
TAACTATCTAGCTTTTGAATTGAATTTGTGAACGGAGACGGAGATATTGGTTCG
GCCGCAATCTCGTCAAGCAATTCGAACGGATGGTTATCCATGAAACAATCGTGGG
GTGCTACTTGGAGTGTCGGGATACCCGAGGGAGTAAGCGGTCCTTATTCCGTGAA
AGTGACCACAATCGAGTCGCAGAAAACCGCAATTGCGAACAATGTAATCCCTGCT
AATTGGTCTAAAGGCCAGA ACTATCGCTCCAACGTCAACGTTTAA

Nucleotide

>MgEXPB-09

ATGGCAATGTTTACTTCTCAATTGTTTCGAATTTTAAATTTATTTACAATAATAGCT
ATTTTATTTATCCAATTAATAAATTGTGTATGCATGGCTTCACAAATAATAAATGG
TACTTTAGGTGGTGGTTTTTCAGCTGGAGTTGCTACATGGTACGATAGCCCCACA
GGACCTGGAAGTGGTAAAAACAATTATAAATTTTTTTTTTATTTTTTTTTTAAATTTTTT
TTAGCATTTCGAAAAATAATATTTCTTGAAATTATAAGTTGTCTTAAGACATAAT
TTCAGGAATATCTTACATGCAACATTGTTTTTGCCTTAAAGTTCTTTTAAACGTCT

ACGGCGTACTTTTTATTATTTTTGGGACAAATTACGGCCACCCCTAACGTAAGGTTA
AATTAAGAAAAAAAAATCATTTTTGTTTGGACAATTACAATCGTCCATCAATTATA
TATTGTCTTATATGTCTACCTTTACAGTGTCTGTTTACCTACTGAATGAGGGATTTT
CGTAAGACAATACATAATTA AAAAGGGGTAGTTAAGTTTTTTATTTTAAATTTAAT
TCGATCTTACATCAGGGGTGACCGTAATTAGCCCTTATATCCAACCTTTTGGGCATT
TTAAGACATTTTACTAAAATCAATTA AAAATTAAGTTTATTTTAAATACACATCA
ACTTATATATTA ACTCACAAACATTTGCAAACACATCCAACCTTTTAATCTAGCAATT
ATTCAAAAATTCACTCACACTCATTA ACTTCTGCTTCATAAAAAACTTTTACAAAC
ACCAATTTAATCTTTTTTAAATTTTGCTTAAATAAAAAATGATAAATAAATAAGAA
GTATATGTAATACTTGCAATATTGAGCATATATATATATTGCAGGGGGAGCTTGT
GGATTTGAAAATGACGTGGCATATGCTCCATAACAATGGCATGACAGCTGCAGGA
AATAGAAATATATTCCAATCTGGAAAGGGTTGTGGGGTTTGTATCAGGTATGTT
AATTTAATTATTATTATTTTTTATTTTTTATAATTGATGTTAATTAATAAATTAT
TTTCACTACAATATTGATTTAAATTTTATGATATAAAAATATATCCAAAATTTAAG
ATTATAATATTTCTTTATCACGAGTTTGAAATTTAAACCCTCAAATATTTAATTAT
ATATATCGTTATTTTTAAAGCGATCACTTATTTACGTATATTTATCTATTTTCAGGTC
AAATGCACAAAAGCAACAAATTCGTTGTGCTCAGAAAATCCAGTTACCGTAACG
GTCACAAATGAATGCCCGGGTACATGCAACAACGAAGCATTTCACTTCGACCTAA
GTGGTATAGCTTTCGGTGCTTTAGCCAATCCGGGTCAAGCCGACCCGATGAGGAA
ATTGGGTCGAATCGATATTGAATACCAAAGGCAAGAACGAACCCCTATCTCATGT
TTTAAATATAAATTATATTCAATTTTCTTTAGGTAAAAAAAAAAATCCCAAAAAAAT
AAAAAAAAAAAAATGAATCTCACACTATCTCAATATTTAATATAGTTCATTATATAA
ATAATAAAAAAAAAAATTAATATTTTTTGGTTGCAGGGTGC AATGCACTTATAGTA
ACATCGGCATAACAATTCAAGATCGACAAAGGATCGAACGTTAACTATCTAGCTTT
TGCAATTGAATTTGTGAACGGAGACGGAGATATTGGTTCGGCCGCAATCTCGTCA
AGCAATTCGAACGGATGGTTATCCATGAAACAATCGTGGGGTGCTACTTGGAGTG
TCGGGATACCCGAGGGAGTAAGCGGTCCTTATCCGTGAAAGTGACCACAATCGA
GTCGCAGAAAACCGCAATTGCGAACAATGTAATCCCTGCTAATTGGTCTAAAGGC
CAGAACTATCGCTCCAACGTCAACGTTTAA