

IDENTIFICATION

Species: *Sesamum indicum*

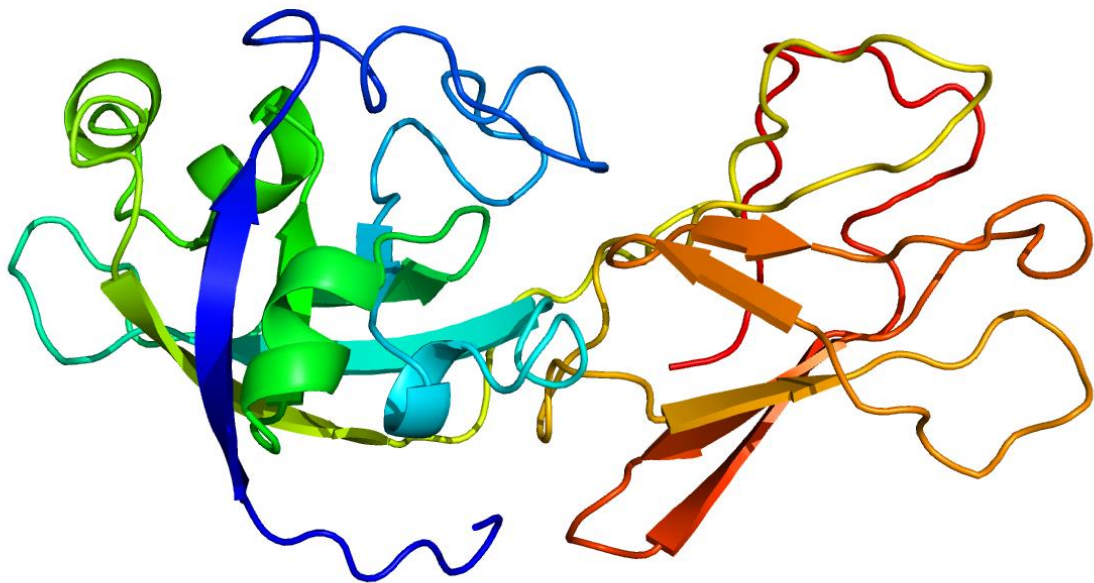
Locus: XP_011084266

Gene Model: XP_011084266.1

Description: SinEXPB-07

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Sesamum+indicum%5Borgn%5D>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T04135>

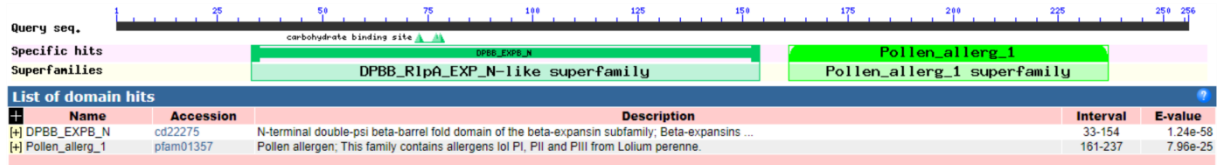
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>SinEXPB-07

MFARVFQPLTLSIVAVVLLLQTNNCVSTYPSTFSDAVATWYGSPTGYGSGGGGCGFEN
DVGNAFYNGMIAAGNNNIFKSGKGCACGYQVKCTDHSLSGSPITITITDECPGACNN
EAFHFDLSGKAFGSLAKPGHADALRKAGKVNKYKRVQCNYNNGMTFKIDAGSNPN
YLAFVIEHVGDDIAAVEILASNSKEWMAMQPSWGATWKVGLPVEVKGPFSVRVT
TIQSGRKVVVAHQAI PANWSPGQHYSHTK

CDS (coding sequence)

>SinEXPB-07

TACACTTCTCTTTTCTTTTCTTGTCTTATCACAACTTTTCGTTTGTGCAATAGTTG
AGCAAGATGTTTGCTCGCGTTTTTCAGCCTTTAACTTTATCAATTGTTGCAGTTGT
TTTGTGCTCCAACTAATAATTGTGTGAGTACGTATCCAAGTACTTTTTTCAGATG
CGGTGGCGACATGGTATGGGAGCCCCACGGGGTATGGAAGCGGGGGTGGTTGTG
GATTTGAAAATGATGTGGGAATGCTCCGTACAATGGGATGATAGCAGCAGGAA
ATAATAATATATTCAAATCAGGAAAGGGTTGCGGAGCTTGTATCAGGTGAAATG
CACAGATCATTGCTGCTCAGGCTCTCCAATTACTATAACAATCACAGATGAG
TGTCTTGGCGCCTGCAACAATGAAGCTTTTCACTTCGACTTAAGTGGAAAAGCTT
TTGGATCTTTAGCCAAGCCTGGCCATGCTGACGCGTTGCGTAAAGCTGGGAAAGT
AAATATAAAATATAAAAGGGTACAATGCAACTACAACGGAGGCATGACGTTCAA
GATCGACGCAGGTTCCAACCCCACTACCTAGCTTTTGCAATTGAGCATGTACAT
GGAGATGGCGACATTGCTGCAGTTGAAATATTGGCCTCAAACCTCAAAGGAGTGG
ATGGCCATGCAACCCTCTTGGGGTGGCAGATGGAAAGTAGGGCTGCCCGTTGAGG
TAAAAGGCCCTTTTCTGTGAGGGTAACTACTATTTCAGTCAGGAAGAAAGGTTGT
CGCACATCAAGCAATTCCGGCTAATTGGTCGCCTGGACAACACTATCTTTCACAC
ACTAAATAAGAGTTTATTTGTCGGAGTCTTTGAAAAATACTTGTGACTTTTGGGT
GTTTGAATCAAAGCTATGTCATGATTTTCAGCTATTTTACCTTTTTGTATATAATA
ATGATTTTTGTACATAAAGTTTAAAGTATCATTTGTT

Nucleotide

>SinEXPB-07

AGATGTAACGCTAAAAGATAAAAAATGTATTTGCAACTCATATTCCATCTGTTACA
CGCACCAAATATATAAAAAAATTTCTTGAACATATGCAACATTAATATCATA
TGTGGTTTTAATTAAGTAAGAGATAAAATGCCATTTTATAATAAAAGTTTCAAAT
TGGTACAATCATTACTTTGCATTTGCAAATCCAATTACTTTAAGATTTTATGAAC
CATTTTACTTGTAAAATGTTTCATATGGGACCAAATATATGAATCAAATATAGTC
CATTAATATAATTTATAATAATTTTTCTTAAGAAAATTATATCATATTTATCCTAA
AGAAGCTACTATAATAAACCTCAACTTTATTAACTATTTTCAGTAAAAATTCTCA
TCATTTATTTAACTAGCTAGGCATCAATTACGGTGCATTGTACGGTTACAAGCTAA
CTAATCAAATATATATAAGTTTAACGATGCATCGAGCATCAAATACCACAATCAC
GTACACTTCTTTTTCTTTCTTGTCTTATCACAACCTTTTCGTTTGTGCAATAGTT
GAGCAAGATGTTTGTCTCGCGTTTTTCAGCCTTTAACTTTATCAATTGTTGCAGTTG
TTTTGTTGCTCCAAACTAATAATTGTGTGAGTACGTATCCAAGTACTTTTTTCAGAT
GCGGTGGCGACATGGTATGGGAGCCCCACGGGGTATGGAAGCGGTAATAAGAGT
TTTTCTGTTTTTTTTTTTTTATATTTTGAAAAAATATTAATTGAGCATATTGTAT
AACTTAATGAATGAAACAATAGTTGTATATGTACTTTTCAGGGGGTGGTTGTGGA
TTTGAAAAATGATGTGGGGAATGCTCCGTACAATGGGATGATAGCAGCAGGAAAT
ATAATATATTCAAATCAGGAAAGGGTTGCGGAGCTTGTTATCAGGTGTTGTTTT
CTATCCTTCTCCCCTAAAGAAAAAGGAAAGAAAAGTGATAGTTTCTATATAATAC
ACATGTCGACAAGCTTTAAAATAAATATACGAAAATAATTCTTTTCATTTTTTTTT
TCTTTCTATCAAATTGAATATTGAACTAATATATAAACATATTGTATATTATGAT
GGGCAGCGTAGTTTTTCAGACCAATATATATATAATTATATATATGTATTATCACAT
AAAAGTTTAAAATTGTATTTTAATTTAATTTAATTATTATATGAGTCGAGCTAGAC
TGGATTTTAATGTAATCAAGCATGAATCAGACTTGACTTGCTTGATTTTCTACACA
TACCTTTATCGAATTGAACTTTTTGCAGGTGAAATGCACAGATCATTCAATTGTGCT
CAGGCTCTCCAATTACTATAACAATCACAGATGAGTGTCTGGCGCCTGCAACAA
TGAAGCTTTTCACTTCGACTTAAGTGGAAAAGCTTTTGGATCTTTAGCCAAGCCTG
GCCATGCTGACGCGTTGCGTAAAGCTGGGAAAGTAAATATAAAATATAAAAGGT
ATGAAATTTTTCAGTCATCTTAATTCATACAAAATTAATAAGTTTGGTTTAGATAT
TTCAGAAAATAGAAAATACTTCTTAAAGAATTATATTTCCAAACAATTCTTTATA
ATTCAGTGATTTAAATATATTTTTTTGAGGTGAAATTACACTTTTAATCCTATAAG
ATAGGGAGTTCAATTCTTTTAGTCATCAATTTTATGAAAATTTTAAAATGGTCCCT
AAAATTGGGAAAACTCAACGCATTTAAGTCTTATGCTTTAAAGGATTGAGAATA
TTTAGTCCATAAATCCCGTAAAGCAAATGACTAAATATTTTAGCTATCCTCGTAA
AAATCACAGCCAACAGCGGTGGCGTGACCGTGTTGCTTTTATAGGGTACAATGCA
ACTACAACGGAGGCATGACGTTCAAGATCGACGCAGGTTCCAACCCCAACTACCT
AGCTTTTGCAATTGAGCATGTACATGGAGATGGCGACATTGCTGCAGTTGAAATA
TTGGCCTCAAACCTCAAAGGAGTGGATGGCCATGCAACCCTCTTGGGGTGCAGCAT
GGAAAGTAGGGCTGCCCGTTGAGGTAAAAGGCCCTTTTTCTGTGAGGGTAACTAC
TATTCAGTCAGGAAGAAAGGTTGTGCGACATCAAGCAATTCCGGCTAATTGGTGC
CCTGGACAACACTATCTTTCACACACTAAATAAGAGTTTATTTGTGCGGAGTCTTTG
AAAAATACTTGTGCACTTTTGGGTGTTTGAATCAAAGCTATGTCATGATTTTCAGC
TATTTACCTTTTTGTATATAATAATGATTTTTGTACATAAAGTTTAAAGTATCATT
TGTTGATTAACTCCACGAAAAGTCCTTCTTTCCAAACAATGGTGAAGTCAGAAA
ATTAATTTAGTCCTAATGAAATTTAATTAATTAATTTGATAATTAAGTAATAAAT
TCACAAAAAATAAATAAATTGATTGTAAGTTTAAATATTTTGTAAATAATTACTT
CTCAAAAAGCAAAGCTCATGCAAATATCCCCATTCTTGCCCAAATTTAGTTTCG
ACCGAACTAATCCAATCACATAGTACATTTGCTCTGTGATGGGTCATTTTTTCTAA

ACTATACACCAACCACATGGCAAGTGTATTGCACTTGCCATGTGATTGGTTCATG
TTTGGGCGAATCGAGTCCAGACAAAAATTTCCACAAGACTAGTGGTCAGTTTGC
TGCTGATCTTGGCATTATATAATTGAAAATCGAGAGTACTTGCGTATACAGATAT
CATGAAATTTTCTATTATTTTGTAAGAAAAATTTATAATTAGGAATCCACATGCTG
CTATA