

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana tomentosiformis*

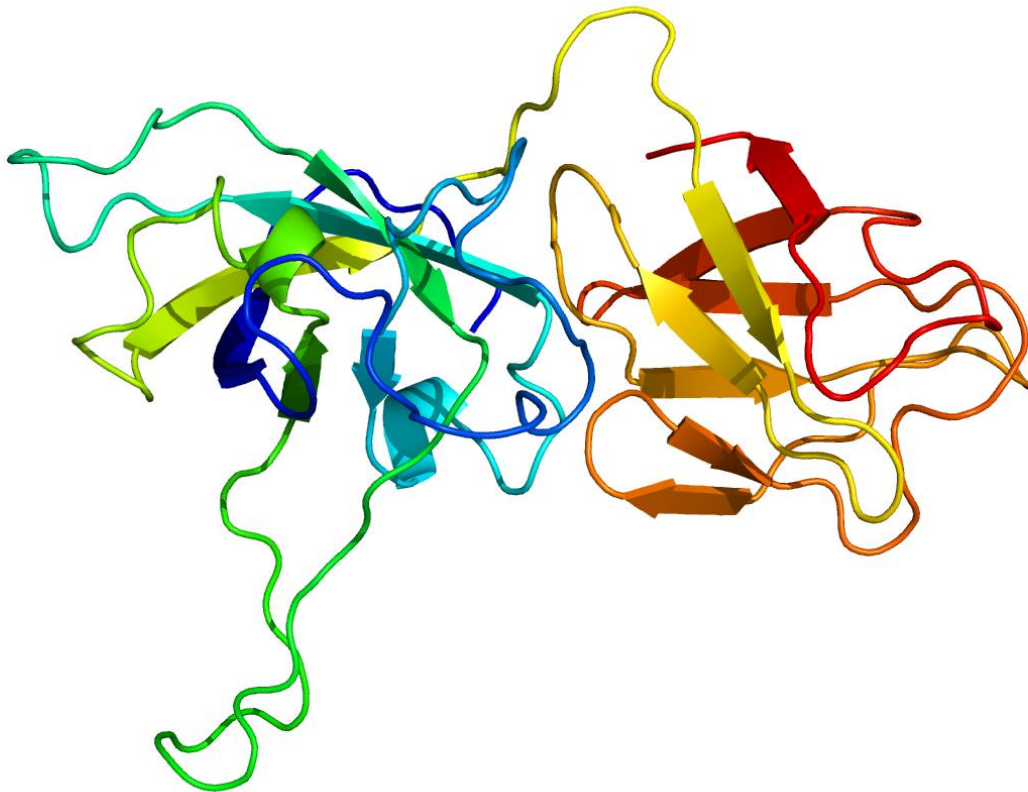
Locus: XP_009622932

Gene Model: XP_009622932.1

Description: NtmEXPA-27

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

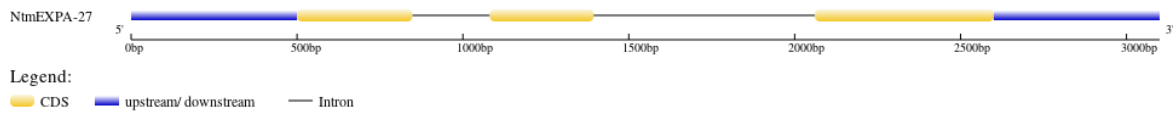
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana+tomentosiformis>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05025>

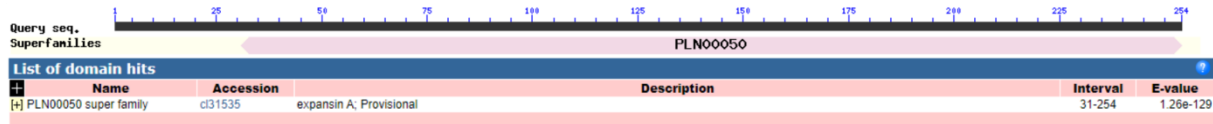
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NtmEXPA-27

MAVPATFSTHYSLFFFCLSFCFHGTFADYGGWKNHAHATFYGGGDASGTMGGACGY
GNLYSQGYGTNTAALSTALFNGLSCGACYELTCSNDAQWCLQGTITVTATNFCPPN
PSLPNDNGGWCNPPLQHFDLAEP AFLQLAQYRAGIVPVSFRRVPCKKKGGIRFTINGH
SYFNLVLTNVGGAGDVNSVSIKSGSGWQTMSRNWQNWQSN SYLNSQSLSFQV
TTSDGRTITSYNVAPHNWQFGQTFEGVQF

CDS (coding sequence)

>NtmEXPA-27

CAGGACCTGAGCACGGCTAGCTTGTCACTATCTACGTATATACTTACATTTGCCTA
CCCGATCTTAAGCCCGAATTTCTGCCTCCAGTTTACTACATAAATAAAAAAATAG
CGTCTCCATACCCCTTCAACTGGTAGTAAGTCACTTAGTACTCTCTCCCCCTCTCC
TAATCCTTAATTGACTTACCAACTTCTTCATCAATGGCTGTTCCCTGCAACATTCTC
CACACATTATTCTCTCTTTTTCTTTTGTTTAAGCTTTTGCTTCCATGGAACCTTTTGC
TGATTATGGAGGCTGGAAAAATGCTCATGCCACCTTCTATGGAGGGGGTGATGCA
TCAGGCACAATGGGTGGTGCTTGTGGTTATGGGAATTTGTACAGCCAAGGATATG
GAACCAACACTGCAGCACTAAGCACAGCACTATTCAACAACGGATTGAGCTGTG
GGGCTTGCTACGAGCTCACTTGCAGCAATGACGCTCAATGGTGCCTACAAGGGAC
TATTACTGTCACTGCCACAAATTTCTGTCCCTCCGAATCCATCCCTACCTAATGACA
ATGGCGGCTGGTGCAATCCTCCTCTCCAGCACTTCGATTTGGCTGAGCCTGCCTTC
TTGCAATTAGCTCAATACAGAGCAGGAATTGTCCCTGTATCTTTCCGAAGGGTGC
CTTGCAAGAAGAAAGGAGGAATAAGGTTTACAATAAATGGACACTCTTACTTCA
ACTTGGTTTTTGGTGACAAACGTTGGGGGTGCTGGGGATGTTAATTCAGTCTCCATT
AAGGGATCTGGTTCTGGATGGCAAACAATGTCCAGAAATTGGGGCCAAAACCTGG
CAGAGCAATTCCTATCTCAATAGTCAGAGTCTTTCATTTCAAGTTACTACAAGTGA
TGGAAGGACTATCACAAGCTATAACGTTGCACCACATAACTGGCAATTTGGACAA
ACTTTTGAAGGGGTTCAATTTTAATTCTAGCAACAACTTAGTAGATAAAAAAAA
AATAAACAAAGGGGCTTTCAACAGTCAAATTTCCAATTTCTGTATGGCTCTATTGTT
GTGGTGTAGCACCCGCTTAGGCCTAAAGTAGATATTTGGTAAACTAGTTAATAC
TGCATTTTCGAGTCTTTCCAGTGCATATTTATATCCTTTCCAATGATATACAATTG
GTCACATTTATCAAATAGCGGGTCACTTTTTTTTTGTT

Nucleotide

>NtmEXPA-27

GCGCACTTTCGTCCCAAATCGCATCCGAATGATTCCTGCACATAGAAATACCACA
AATTAGCACAAATCATTATATTATACATCCGAAATTACGGCACATGAGCATAATG
TGAGGCAATATACATCAAATATGCATACATTAAGCCGAATATCAATCTTGAAGC
AACTATATATGTTATTTTTACCCCTAACCGACTAGCTCAATTTTAGGAGAATCAG
AGAATATAAATAAAATTTGTCATGATGTAGAAAATGGCAATATTGCAGAAAATG
AAGCGAAAGAAATTAAGAGAGGATTGGGAAATGCATGTGCTGCGGGTCTATAA
TTTTGATAGTTCATGTGGGGAGCCTTGGCCCCGTCACCGGTTCTGGTAGAAAGGT
AAGATAACTGTCTATATAAGATCCAATGTAACCAATTTGTAATACGTATATAA
TTACATAAGTAGTATACACAGAAAAGTGTGAAGGAGAAAACGTTATTTTCACC
AGCTTTCAGGACCTGAGCACGGCTAGCTTGTCACTATCTACGTATATACTTACATT
TGCCTACCCGATCTTAAGCCCGAATTTCTGCCTCCAGTTTACTACATAAATAAAAA
AATAGCGTCTCCATACCCCTTCAACTGGTAGTAAGTCACTTAGTACTCTCTCCCC
TCTCCTAATCCTTAATTGACTTACCAACTTCTTCATCAATGGCTGTTCCCTGCAACA
TTCTCCACACATTATTCTCTCTTTTTCTTTTGTTTAAGCTTTTGCTTCCATGGAACTT
TTGCTGATTATGGAGGCTGGAAAAATGCTCATGCCACCTTCTATGGAGGGGGTGA
TGCATCAGGCACAATGGGTACGTGCGTTTAGAGGCGGATTCAAATTTAATCTTT
ATGGTTCAAGATTTTGAGCTGTTTTAAAATATGAGTTCAAATCAATTTATACCGTA
ACTGAAAAAGGAACTTATAAATACACCGACAGTGTGAGTATATATCAACCTATTA
TAGCAAGTAATCTGTCATATTTATCTTTTAAGTGGCATGATAATATAAAATTCTGA
AGAAACATGCCGTATTTGGAACATGCAGGTGGTGCTTGTGGTTATGGGAATTTGT
ACAGCCAAGGATATGGAACCAACACTGCAGCACTAAGCACAGCACTATTCAACA
ACGGATTGAGCTGTGGGGCTTGCTACGAGCTCACTTGCAGCAATGACGCTCAATG
GTGCCTACAAGGGACTATTACTGTCACTGCCACAAATTTCTGTCTCCGAATCCAT
CCCTACCTAATGACAATGGCGGCTGGTGCAATCCTCCTCTCCAGCACTTCGATTTG
GCTGAGCCTGCCTTCTTGCAATTAGCTCAATACAGAGCAGGAATTGTCCCTGTAT
CTTTCCGAAGGTAAAGTTTGATCTTTAAGTCACATTATAACAAAATTCTTACAAA
ATCGGTGTAGTAACATGTGATACTTTATAAAAAAAATACATTTTTATTTTTACTT
GTCCATTTTAGCAAATCAAGGGAAAGACAAATATTTTTTCTGCTTTACCCTTACC
ATTAACTACTCATTCCCAAATATTCTTGGAAATCATTGTTAGGGGTATTATAGTA
AAATATGTACTTCATTTATTATTTCTTAAAGGGAGTGCAAAATCTATTAATGTGGA
CAAGTAAAAGTGAACGGATGTAGTATTATTTTTATCATGTTACTAATTACTAATGT
TTATTAAGGAGATTTAATTTAATTACTCATATCTTTTAATTAACCTAAATATGTA
GTGCACATAACTTAAACTCCTTTGATTTTCTTGGAAATGTTAAGTTTAAATTTTTTAA
CACTGGACAATGTGCACGTTTGTAAACACTAAGGTAACCTACCATAATAAGAGGA
ATATACTAAAAAAGCAAGACTTTTTGTTGTAAGTTAAATTGCATTGACAATGTAA
TACTTGCATTGTGTGTCTGAATATAAGTTAAATCTGAATAAATTTTGTTTAGGCA
AGAATTTAGTATCTTATAGGTAGTGTGCGCCGGCTGACATGGAGTTTGTACTGGTC
AATGACAGGGTGCCCTTGCAAGAAGAAAGGAGGAATAAGGTTTACAATAAATGGA
CACTCTTACTTCAACTTGGTTTTTGGTGACAAACGTTGGGGGTGCTGGGGATGTTA
ATTCAGTCTCCATTAAGGGATCTGGTTCTGGATGGCAAACAATGTCCAGAAATG
GGCCAAAACCTGGCAGAGCAATTCCTATCTCAATAGTCAGAGTCTTTCATTTCAA
GTTACTACAAGTGATGGAAGGACTATCACAAGCTATAACGTTGCACCACATAACT
GGCAATTTGGACAAACTTTTGAAGGGGTTCAATTTTAATTCTAGCAACAACTTA
GTAGATAAAAAAAATAAACAAAGGGGCTTTCAACAGTCAAATTTCCAATTTCT
GTATGGCTCTATTGTTGTGGTGTAGCACCCGCTTAGGCCTAAAGTAGATATTTGG

TAAACTAGTTAATACTGCATTTTCGAGTCTTTCCCAGTGCATATTTATATCCTTTCC
AATGATATACAATTGGTCACATTTATCAAATAGCGGGTCACTTTTTTTTTGTTACCC
CTCCTCGGGAGCTCCCTATCCGAATTTACAATCTTAAGGTTGGAGGTGGAGAATA
CTTATTATAACTTGAGCAATCATCACTTATCAATAGTCAATTGAATATCATATCGA
TTTATTTGTTTAAACCCTAATTCTGACAAAAGCTGAGTTGGGGCAACTTATTGTCA
CATACTATTATTTTTCTGTATTCACCTTATACGTTGATTCCTTGAATATTTTTATT
CTAAAGGAACTTCTTGGAAAAACAGGAATACACATAAAATTAGTTAATCGAAA
GAATGGTAATATTAGAAAAGGCAAATAGGTTAGATTGTTGTAATTATTTTGCATC
ATAATAAAAATAGTATTAACAATTGTTACAGTGAAATTAACAAGTGAATA
CTGCAAATCATAAAAAATGTTAATGTTACGAACTCAAATCGAGAGGGAGTTATCT
GAAAATCATCCCAATTAATAATAGGTACTGGATCACATTTTCAGTCCATACATA