

IDENTIFICATION

Species: *Arachis ipaensis*

Locus: XP_016207540

Gene Model: XP_016207540.1

Description: AipEXPA-16

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

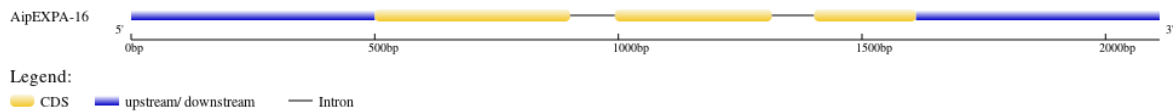
NCBI: https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/35711?genome_assembly_id=315604

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T04301>

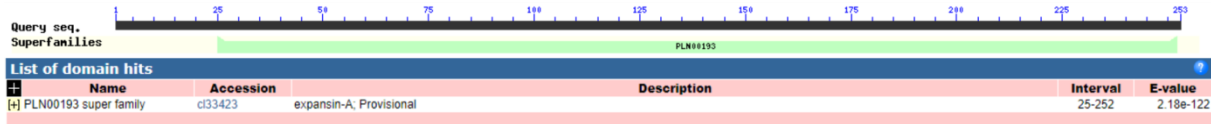
EXTERNAL RESOURCES

<https://peanutbase.org/organism/Arachis/ipaensis>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>AipEXPA-16

MKTFFLLCLVLFIAQHRVECAPWQKAHATFYGGADASGTMGGACGYGNLYTDG
YGTKTTALSTVLFNDGKACGGCYQIVCDASQVPQWCLRGTFITVTATNFCPPNYALP
NDNGGWCNPPRPHFDMSQPSFLTIKYYKAGIVPILYRKVWCRRSSGGIRFSIKGRDYFE
LVTISNVGGVGEIGQMWVKGSKKNVWEAMSRNWGVNWQSLSYLNGQSLFSFMVQL
TNGRTVIAYNVAPSNWKFGQSFISNVQFN

CDS (coding sequence)

>AipEXPA-16

ATGATTTTGCCATAAAATAATCAAGTACGTTACATTTCCCTTAGCTTGATTAGACAA
ATTAACGGGAGATATATATAGAGAGAATGAAAACATTCTTTTATTATTGTGT
TTAGTGTTATTCATTGCACAACATAGAGTTGAATGTGCACCGTGGCAGAAAGCTC
ATGCAACTTTCTATGGTGGAGCCGATGCCTCAGGAACAATGGGTGGTGCATGTGG
CTATGGGAATCTGTACACAGATGGTTACGGTACGAAGACGACGGCTCTGAGTACC
GTTCTGTTTAACGACGGGAAGGCATGCGGCGGTTGCTATCAGATAGTTTGTGATG
CAAGCCAAGTGCCGCAATGGTGTCTTAGGGGCACTTTCATCACAGTTACTGCCAC
AACTTTTGTCCCTCAAACATGCACTCCCTAATGACAATGGCGGTTGGTGTAAATC
CTCCAAGACCACACTTCGACATGTCTCAACCTTCTTTCTAACTATTGCCAAATAC
AAGGCCGGCATCGTACCCATACTGTACAGAAAAGTTTGGTGTAGAAGGAGTGGA
GGGATAAGATTTAGCATCAAAGGAAGGGATTATTTCTGAATTAGTGACGATAAGC
AATGTAGGTGGAGTTGGGGAGATAGGGCAAATGTGGGTAAAAGGGTCAAAGAAG
AATGTGTGGGAAGCAATGAGCAGGAAGTGGGGTGTAACTGGCAAAGTTTAAGC
TATCTCAATGGACAGAGCTTGTCTTCATGGTTCAACTACCAATGGAAGAACCG
TCATTGCTTATAATGTAGCACCTCCAATTGGAAATTTGGCCAATCTTTCATCTCT
AATGTTCAAGTTCAACTAATTAATCACTGTGTGTTTGGATTTGGATTGTGGTTTGT
AACTCAAATTTAAATAAAAATAATTTTATAAAATTGATTTTGGGTAGAA

Nucleotide

>AipEXPA-16

CTGCACACAATGTTTGAATTGTTGAGCCTATTTGAATGGATAACAAGTGGATATGT
ATAGGAGGTGTTTTTGAAGAGAAAGAAATACTTACAACTTTTTGAAGTTTTTCAT
TTTTGGTTTGGCTAATTTTCTTTTCTATAAAAACACAAGTAATTTTATTCACAAA

CCAAGTTTACAAGAAATAATAATTTTTAATTTCTCTATTGCATTAACGGACTTTTA
ATCACTATATTCAATATTTATTTTTTTTACCAATTTTATCTTTTATACATGTTATTG
CATTATTTATAAAATTTTTATTATTTCTCTTTATATGATTTTTTTTATTATTTATTATT
TATTTTTTTATTAATTTTTTTATTGAAATTATATATTTTTTATAGTTATGATAATTAT
CAATCTAAAAGTGATTTTAACTAATATTATCTAAATAATATTTATTTTTATCAAAT
CAATTTTAATATAAAGTTACCAAACATAAATCATGTTGACACAAACTTACTTCTA
CCAAAATCAATTTTATAAAATTATTTTTATTTAAATTTGAGTTTTACAAACCACA
ATCCAAATCCAAACACACAGTGATTAATTAGTTGAACTGAACATTAGAGATGAAA
GATTGGCCAAATTTCCAATTGGAGGGTGCTACATTATAAGCAATGACGGTTCCTC
CATTGGTGAGTTGAACCATGAAGGACAAGCTCTGTCCATTGAGATAGCTTAAACT
TTGCCAGTTAACACCCCAGTTCCTGCTCATTGCTTCCCACACATTCTTCTTTGACC
CTTTTACCCACATTTGCCCTATCTCCCAACTCCACCTACATTGCTTATCGTCACTA
ATTCGAAATAATCCCTTCCTTTGATGCTAAATCTTATCCCTCCACTCCTTCTACAC
CAAACCTCTGCATAATTAATATATATGTTAGGATTGGATTTTTTTTTTTAAATATA
TTGACTAAATTATCGTATATGTTATACGAATAACGACATACTTTCTGTACAGTAT
GGGTACGATGCCGGCCTTGTATTTGGCAATAGTTAGAAAGGAAGGTTGAGACATG
TCGAAGTGTGGTCTTGGAGGATTACACCAACCGCCATTGTCATTAGGGAGTGCAT
AGTTTGGAGGACAAAAGTTTGTGGCAGTAACTGTGATGAAAGTGCCCCTAAGAC
ACCATTGCGGCACTTGGCTTGCATCACAACTATCTGATAGCAACCGCCGCATGC
CTTCCCGTCGTAAACAGAACGGTACTCAGAGCCGTCGTCTTCGTACCGTAACCA
TCTGTGTACAGATTCCCATAGCCACATGCACCACCTACAACAAGAACTCACAATG
ATAAGTTAATGAATCCGAACAAAAAATATATCAAGATGAATAATCTTGATTATAC
AAGTTAGGTACCCATTGTTCCCTGAGGCATCGGCTCCACCATAGAAAGTTGCATGA
GCTTTCTGCCACGGTGCACATTCAACTCTATGTTGTGCAATGAATAACACTAAAC
ACAATAATAAAAAGAAGAATGTTTTTCATTCTCTCTATATATATCTCCGTTTAATTT
GTCTAATCAAGCTAAGGAAATGTAACGTACTTGATTATTTTTATGGCAAATCATA
TGGTAATTTATAGAAGCTCACGATGCTTGTGTCATTGTTTTTATTTTCATTTTAAA
ATAATCAGGATGACATAAAATTATCGAACTAATTCAAGATGAGATAATTGTATG
TTACAGAAATGAAAAGACAAAAGAAATGATATATGCATGATGAATGTAACAAC
TTCTTTTATTATAGCATAAATGCATAACAGTGGATATTAATACTATAGGATTAA
TATTTCTCCCACTCATCCATTAATATCCATTATTCCGTTTGTCTGTTCACTGTCAA
TTAATGTTATTTTTTATTAGTATTTGTTTTTGTTTTAATTATTCATTATATTTTTATA
ATTTTATTAATTTGTAATTAATTTTTATATATTTTTTAATTAATTTTTATATTA
TTTTTAATTTGTAGTTCGATCTTTTTGTATTAATAAATATTAATAAATAAATA
TTTTCTCAAAAGATAAGTGATCAAAAATTTAATTAGATTTTTTAATTGT