

## IDENTIFICATION

**Species:** *Chenopodium quinoa*

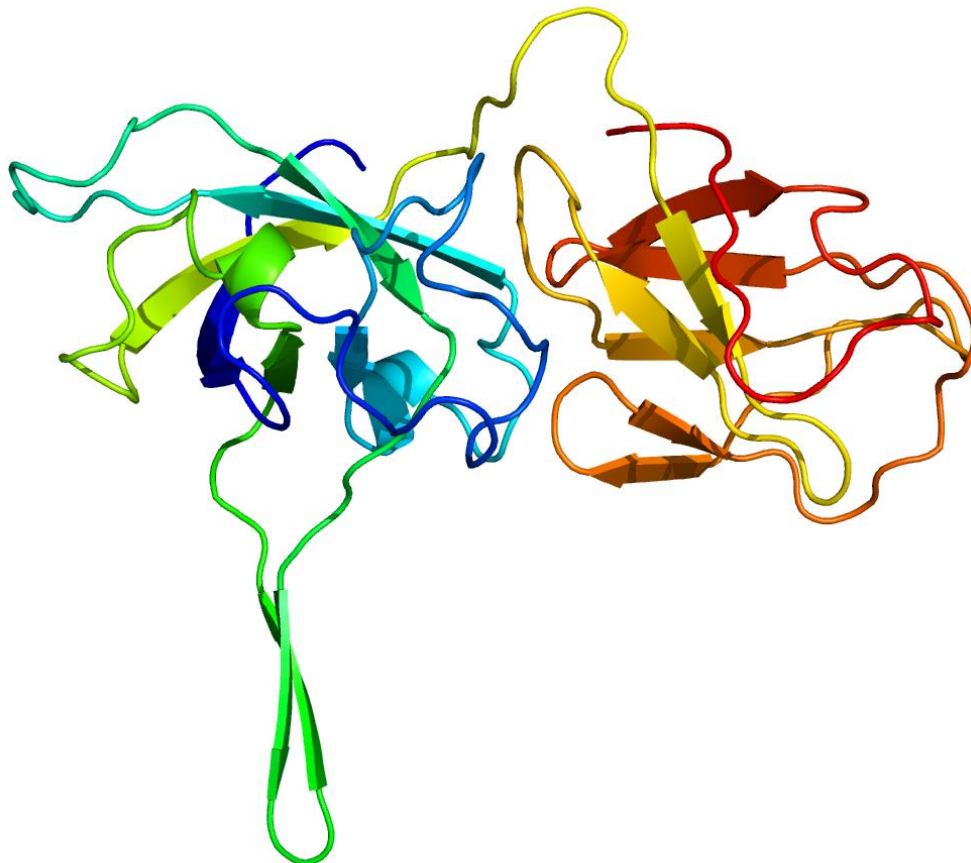
**Locus:** AUR62030622

**Gene Model:** AUR62030622

**Description:** CqEXPA-44

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0)

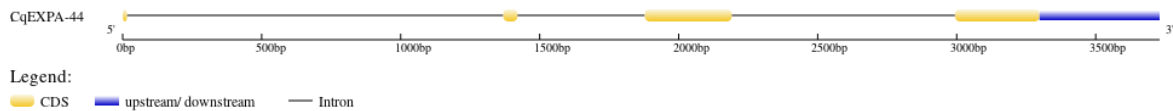
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

## EXTERNAL RESOURCES

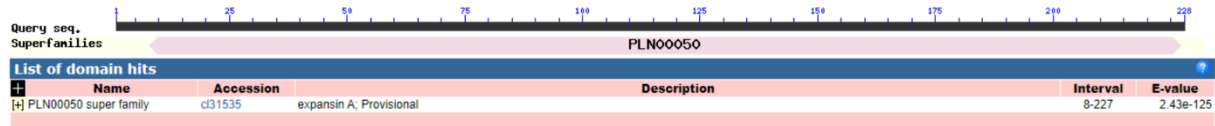
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CqEXPA-44

MNHMEDLGHATFYGGEDASGTMGGACGYGNLYSQGYGTSTAALSTALFNGLSCG  
SCYELTCNGDPKWCLPGSIIVTATNFCPPNYALSNDNGGWCPPLQHFDLAEPFLKI  
AQYRAGIVPVSFRRVPCVRTGGIRFTINGHSYFNLVLITNVAGAGDVHAVSIKGSKTG  
WQPMSRNWQNWQSNGYLDGQSLSFQVTASDGRITISYDVAPANWQFGTSYEGGG  
F\*

### CDS (coding sequence)

>CqEXPA-44

ATGAATCATATGGAAGACTTAGGTCATGCTACTTTTTATGGCGGAGAGGACGCAT  
CCGGCACAAATGGGGGGAGCTTGTGGATATGGAACTTGTACAGCCAAGGGTACG  
GGACTAGCACGGCTGCCCTAAGTACCGCGCTATTCAACAGTGGATTGAGTTGTGG  
CTCGTGCTACGAACTTACATGTAACGGAGACCCGAAATGGTGTCTTCCAGGGAGC  
ATTATTGTGACAGCTACCAATTTTTGCCCCCAAATTATGCCTTATCTAATGATAA  
TGGTGGATGGTGCAATCCCCCTCTTCAACACTTTGATTTGGCTGAACCATCTTCT  
TGAAAATTGCCCAATATCGCGCTGGAATTGTTCCCGTTTCTTCCGAAGGGTACCT  
TGCGTGAGAACAGGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGACATTCCTACTTCAACT  
TGGTCCTAATACCAATGTAGCCGGAGCCGGTGACGTGCATGCGGTTTCAATCAA  
GGGTTCAAAGACCGGGTGGCAACCCATGTCTAGGAATTGGGGTCAAATTGGCA  
AAGCAATGGTTATCTCGACGGCAAAGCCTCTCTTCCAAGTTACGGCTAGTGAC  
GGGAGAACAACTACTAGCTACGATGTTGCTCCTGCTAATTGGCAATTTGGCACGT  
CTTATGAGGGTGGTCAATTCTAA

### Nucleotide

>CqEXPA-44

ATGAATCATATGGAAGGTATGTTAGACTATGAAATTCACCTCATTAAGGGTTTTT  
TTTTTTTTTGGTTGATCTTCTCTAAATTGTTAAGTTTATAATTTTTCCGAGAGTTT  
GGTTTACTATGATCTGAATAAATTTTTGGATTTGGTTAGATTTAAATTTATATTGT  
TCTCAATCGTTTTCGGTATAATTTGTCTGAATTAATTTCTAGATTTGTATACTGG  
CCTAATTAATTAATCTACTCTAATATGATATGGCTTGATTAAGTAATAACTAT  
AAAGTGGAGAAAACAAAGCCTAATTGAATTTGATCTTCAAAAATCTTTGTATAAT  
TGATAAAAACCAATTGGTAATAACATGTGGGGTAATCCATGTTATTTATTTTTTC

ATCAGTTGTTTCATTTTCCCTATTCTTCTATATTAATTGAAAATTCTCCAGTTACATA  
CTCCCTTCGTCCTTTTTTTGTTCTACATACTCACTTACATTTTATGAGGTCTTCAACA  
TGTATGTTTGATCAACTATATCTTTAATTACGTACTAAGGTAACCTATAAAAACTT  
GATATTTGGATACACATTGAAACAATCCTAATAAGGTCACAAATGATAGTTTTAG  
ATTTGCACTTAAGTAGCAATTTACCGCCTATTCAAAGTGTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTGACCCAATGAATAGTAGGTGAGTAGGGAAAAAAAAAAGTAGTATAAAATT  
CTAACAGTCCTCTATTAGACCTTAGTTTAATCCTAATTGAAAAAGAAAATATTT  
TTATTGAAACAAATAGATAATCTATGACACCAATAATAATAATAATAATAAT  
ATAATAATTATTATTATTATTATTATTATTATTGTAATAATTGTAAGGATAATAAAATA  
ACCAATTAACACAAAACATAATACCTTGATCATCAACCATGATTTAGAAGTGCA  
TGTGGAGATGGGACCAATTTACTTAAGCAATTGAGAAGTCCTACCATGTGCATTC  
ATTAAGTACTCAAATACGTGATATTGGCCTACCTAAATCAAATATTATGTCATTG  
AATTTAATTTAATTAGTCATATTGAGGCATTGCAAGCTAAGATAGTCATTATCATT  
TATAGACAACCTTAATTTGCTCATACTATAACATAACCCTACCTAATGCCTATATAA  
ATCATACTTACTCGATAATGTACTACCAATCATCACTTAATTCATCCCCTACTTT  
GTTTCTAATCCCTAGCTAGTCTACCATTAAAGCTAATTTTGTCAATTAACAACGACA  
TAATGACAATCCCGTCAACATTATCTGCTACTTTACTTTCCTTCATTTTGATTAATC  
TATTATCGCTTTATGGCGTTTTTCGCAGACTTAGGTCATGCTACTTTTTATGGCGGA  
GAGGACGCATCCGGCACAATGGGTAAGCCTAATATTATCTAATTAGAATGCTACA  
TTTTACCTAATTAATACTTAGTACATACTGGTGGTTTAATTTTCAGTCAATTAGTC  
CATTATCCATCGTTAGTTTTATTGGTCATTACTCTACATCCACTACAATACCAAAA  
AAAGGTTATATATATAGAAAGTGAAACAAAAAACTTAAAGAAAGAAATATAATT  
AGGGCTCTTTACGAACAAATTGATTCCATCGCCATTTATCATGAGTTAAGTTAGTT  
GAAAGTTAACTTATTGGTTGTTGTCTTCAATTTTTAGATTTTAATAGTTTTTCGAATT  
TCTATTAACTCAAACTGCCTAAGAAACACGCCGTATGTTTTGTATAAAATTGCA  
AAATAGGAACAGTACACACCATATGTTTTGAAGACTAACGTGTCATTTTTTTACT  
AGTTCATTATTTTTATTATTATATTGGAATATGTAGGGGGAGCTTGTGGATATGGA  
AACTTGTACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACGGCTGCCCTAAGTACCGCGCTAT  
TCAACAGTGGATTGAGTTGTGGCTCGTGCTACGAACTTACATGTAACGGGAGACCC  
GAAATGGTGTCTTCCAGGGAGCATTATTGTGACAGCTACCAATTTTTGCCCCCA  
AATTATGCCTTATCTAATGATAATGGTGGATGGTGAATCCCCCTCTTCAACACTT  
TGATTTGGCTGAACCATCTTTCTTGAAAATTGCCAATATCGCGCTGGAATTGTTC  
CCGTTTCTTCCGAAGGTAATTTTATGACCAACTATTACACAAGTAATTTATTATA  
CAAAGTAACTAAATACTTCGTATATATCATATTTAACTAACGTTTTTCATAGGAATT  
TCCTCGTATTATATATAGAGGTTTTTATACATAGACCATTAGTGCATGATTACAAA  
TTATAGTTTCCGTACTACATGTTGGCTAATTTTTGATAATTTTGCTAATTATTGTA  
ATTCTTTGTTAAAATGTCTTGTTAAGAATACGTTTCATGTGAAATTGTCTTATTTCA  
TTTGACAAAGAAAATCTGAGAAATACGAAGTAATGAAATAATTGAAGTGAAAAA  
GACAACAAGATAATAACAAGAGTACGTTTTTTGAAAAGTCGCACGTGAACACTTCAT  
TTCCGGCCCTACGCTCTTAATCAAAGTTGGTTGTAATTACAACAATTGTTTCGGTAA  
GACGGTTATTAGCTTAATTATTAGAAGATGCTTGTACGAAATCTTTTGTGATTTTC  
GGGTGTACACTAATTTTATTGTGATATCACGTATTATGTTAAGGTTTAAAGTATCAG  
TTTAATTGTTAACGTGTTTTGACTAATCTTTGTAATTTAACATTTTTACCGTAATT  
TTACAAATTACACTCATCTTATATTAATTACTGTACAACCTGCTTAATTAAGAGTT  
TGTGATGCTTTTAAAAGTATAAGATAACCAATTTAGTAAATTAGTTTAATTATAAC  
ATTAAATAAAAAATAAATAAATAAATAAGGGTAAGAACTTATGGCCTACCTTTGAA  
TTTTGTGTTGCTTACCCTCTAACTAAACACTTTGACAGGGTACCTTGCCTGAGAACA

GGAGGAATAAGATTCACAATCAATGGACATTCCTACTTCAACTTGGTCCTAATCA  
CCAATGTAGCCGGAGCCGGTGACGTGCATGCGGTTTCAATCAAGGGTTCAAAGAC  
CGGGTGGCAACCCATGTCTAGGAATTGGGGTCAA AATTGGCAAAGCAATGGTTAT  
CTCGACGGCCAAAGCCTCTCTTTCCAAGTTACGGCTAGTGACGGGAGAACAATCA  
CTAGCTACGATGTTGCTCCTGCTAATTGGCAATTTGGCACGTCTTATGAGGGTGGT  
CAATTCTAAAAAATAAAATCAATTTAATTAACAATTGATAACAAGGAATCGATA  
ATATTTAAAAGGAGA ACTCGAGTTGATTTTATCTACGTCCAAATTAAGTTGCCAG  
ACTTGCCTCATAAGTATTTTCATGCTAAATTACGAATGTCACAATTAACACGGAC  
GGATACAATAGCTTATAATTGCCGTGGTGTATATTGCCTCCC GCAAAAATTCTTGT  
CAACTTACTCCTTGAACATTAGATAGATGCTTAGGCAAGCTAAGGTGTTCTTTTC  
TTGTTTTATTTTCAAAAAGCTTATTTTGCCTGATAGAACTGAATTAATTGGCATT  
AACAGCCAAGATTTTCAATCAGTTTCAATATATATACACGATTAAGCCTTGTA  
CTATGATTATCATGAATGAATTTGATTGAGCTTGATATTTTTGGAGTTCAAAT