

IDENTIFICATION

Species: *Manihot esculenta*

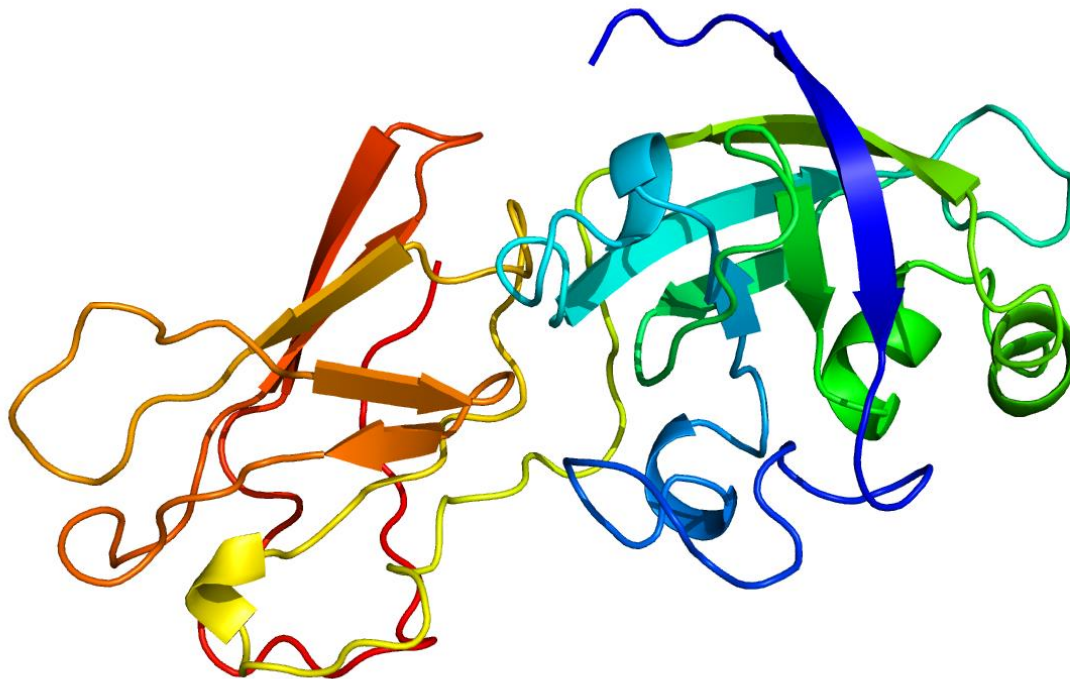
Locus: Manes.02G044700

Gene Model: Manes.02G044700.1

Description: MsEXLB-03

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mesculenta_v7_1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05761>

EXTERNAL RESOURCES

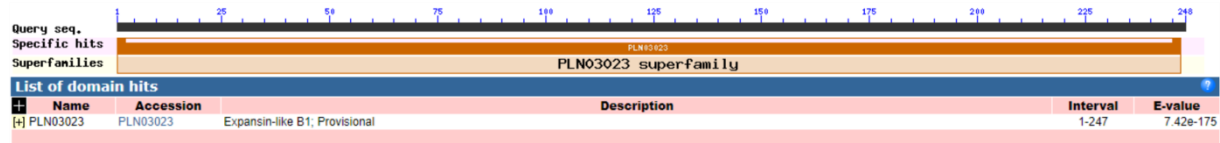
<https://cassavagenome.org/>

<https://cassavabase.org/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MsEXLB-03

MGFTYGYCLSCFLVLLPVICYSQDFTCSRATYYGSPDCLGTPSGACGFGEYGRTVND
ANVAGVSRLYKNGTGCGACYQVRCKVSQLCTDDGVNVVATDYGEGDNSDFILSTR
AYARLANPNMVLDFAYGVVDVEYRRISCRFADYNIMFKVHEHSRFPEYLAIVILYQ
GGQNDVLA VQIWQEDCKEWIGMRRAFGAVWDMPPNGYITLRLQVSGSAGLTWL
QATNAIPNDWKAGVAYDSNIQLT*

CDS (coding sequence)

>MsEXLB-03

ATGGGGTTCACATATGGTACTGCCTTCTTGTTTCTTGGTGCTACTGCCTGTAAT
ATGTTACTCCCAAGACTTCACATGTTCTAGGGCAACTTACTATGGTAGCCCTGATT
GCTTGGGGACACCAAGTGGAGCTTGTGGATTTGGCGAATATGGAAGGACGGTCA
ATGATGCTAATGTCGCCGGAGTTTCTAGGTTGTATAAGAATGGCACTGGCTGTGG
TGCTTGCTATCAGGTTAGGTGTAAGGTCTCACAACTTTGCACTGATGATGGGGTG
AATGTAGTGGCAACTGACTATGGTGAAGGGGACAACAGTGACTTCATTCTTAGCA
CACGAGCTTATGCAAGATTAGCAAATCCAAACATGGTCTTAGACTTGTTTGCATA
TGGTGTGGTCGATGTAGAATACCGGAGGATTTCTTGTCGATTTCGCGGATTACAAC
ATCATGTTCAAAGTTCATGAGCATAGCAGGTTTCCCGAGTACTTGGCCATTGTCAT
TCTTTACCAAGGTGGCCAAAATGATGTCTTAGCCGTGCAAATATGGCAGGAAGAT
TGCAAGGAGTGGATAGGCATGAGAAGGGCCTTTGGAGCAGTTTGGGACATGCCG
AACCCACCAAATGGTTACATTACCTTGAGGTTGCAAGTAAGTGGGAGTGCAGGGC
TAACATGGCTACAGGCAACAAATGCTATCCCAAATGATTGGAAAGCTGGGGTTGC
TTATGACTCAAACATTCAGCTCACTTAA

Nucleotide

>MsEXLB-03

TACTTCTCATTTTTCATTTTCTGTGCCTTGTAGCTTTGTTTCTTGGTGCTACTAATATTAAGCT
ATGGGGTTCACATATGGTACTGCCTTCTTGTTTCTTGGTGCTACTGCCTGTAAT
ATGTTACTCCCAAGACTTCACATGTTCTAGGGCAACTTACTATGGTAGCCCTGATT
GCTTGGGGACACCAAGTACGTGACTCAATCCTTGTCTGCGTATAAAATAATGAAT
ACAAGAACACTTTCTTAATTAGACATGAAATGTCCCTCATATGTACCTTTAAATA
ATTATGTTTCAATTACTGTTTTTCTTTTCTTCTGTTTATGATGCTTTAGGTG
GAGCTTGTGGATTTGGCGAATATGGAAGGACGGTCAATGATGCTAATGTCGCCCG

AGTTTCTAGGTTGTATAAGAATGGCACTGGCTGTGGTGCTTGCTATCAGGTATAT
AAAAACATAAATTCAAATCAAGTTTATAAAGTGCTTGCTACCATCAAGAAGCTAGT
TAAGGAAGCACTCATTAGTTAATGAAAAGATTGCAACTGATCTAATGATGATGGT
TTGTGGTTCAATAATATTCAGGTTAGGTGTAAGGTCTCACAACCTTGCCTGATGA
TGGGGTGAATGTAGTGGCAACTGACTATGGTGAAGGGGACAACAGTGACTTCATT
CTTAGCACACGAGCTTATGCAAGATTAGCAAATCCAAACATGGTCTTAGACTTGT
TTGCATATGGTGTGGTCGATGTAGAATACCGGAGGATTTCTTGTGCGATTCGCGGA
TTACAACATCATGTTCAAAGTTCATGAGCATAGCAGGTTTCCCGAGTACTTGGCC
ATTGTCATTCTTTACCAAGGTGGCCAAAATGATGTCTTAGCCGTGCAAATATGGC
AGGTACATTTCCAAGTCCTTTTTCAATTACAACAGTAGGGGACAGGACAGGAATA
AAGGGAAAGGGATAGAGAGAAATAGAGAAAAAGGGACAATCGAACATATACTT
TTAATATGTCTGATTTGCCAAGTGCTATTAGTTTATTCTGAACGCTATTA AAAAAG
GTTTTGTCTGATTTGCCAAGTGCTATTAGTTTATTCTGAACGCTATTA AAAAATGTT
TTCTTTTTCCTAATGTATTGCGTTTTTGTAAAACGGAATGATGCAGGAAGATTGC
AAGGAGTGGATAGGCATGAGAAGGGCCTTTGGAGCAGTTTGGGACATGCCGAAC
CCACCAAATGGTTACATTACCTTGAGGTTGCAAGTAAGTGGGAGTGCAGGGCTAA
CATGGCTACAGGCAACAAATGCTATCCCAAATGATTGGAAAGCTGGGGTTGCTTA
TGACTCAAACATTCAGCTCACTTAAATGTGCAATCAGCGAGTTAGTTATTATTTTA
GCATATGGTTTGGGGCTACTAGCTAGTTGTTCTTAGTATGTCTTTTTTCCATGTAA
GCCAATAAGCACAGCTTCCCATGTTCAATTAGAAGGTATCTTGTACTCTGCATATT
TAGCATTTGCATTGTTAAATATTTATTTTAATTTATAATTTTGTACCCTTT