

IDENTIFICATION

Species: *Solanum tuberosum*

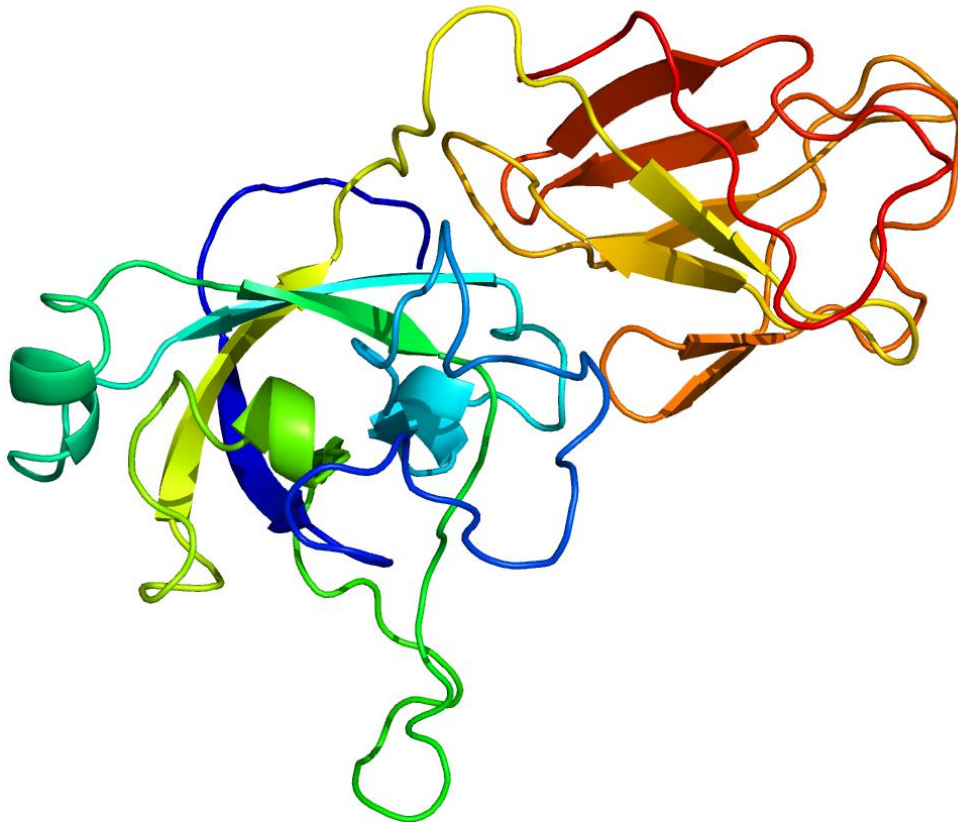
Locus: PGSC0003DMP400017571

Gene Model: PGSC0003DMP400017571

Description: StEXPA-08

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

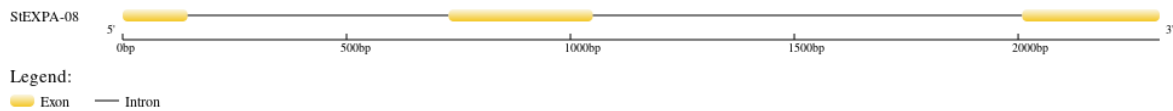
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Stuberosum_v4_03

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02981>

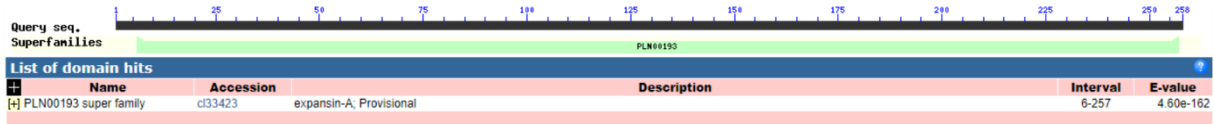
EXTERNAL RESOURCES

<http://spuddb.uga.edu/>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>StEXPA-08

MAKIGILTLGFIVFCNILVSTANAFSASGWMSAHATFYGGSDASGTMGGACGYGNL
YSTGYGTNTAALSTALFNDGASCGQCYKIMCDYNQDSKWCIKGTSTITATNFCPPNF
ALPSNNGGWCNPPRPHFDMAQPAWEHIGIYRGGIVPVMYQRIPCCKKGGVRFTINGR
DYFELLMISNVGGAGSIQSVQIKGSRTNWMAMARNWGANWQSN AFLNGQSLSFKV
TTSDGVTKTFLNVASSNWQFGQTYSSSINF*

CDS (coding sequence)

>StEXPA-08

ATGGCCAAAATTGGCATTTTAACATTAGGTTTCATATTTGTTTTTTGTAACATTTT
GGTTAGTACTGCAAATGCCTTCTCTGCTTCTGGATGGATGAGTGCTCATGCTACTT
TTTATGGAGGATCTGATGCTTCTGGCACAATGGGGGGTGCTTGTGGCTATGGGAA
CTTGACTCAACAGGTTATGGTACAAACACTGCTGCATTAAGTACTGCGTTGTTCA
ATGATGGGGCATCATGTGGTCAATGTTACAAAATTATGTGTGATTATAATCAAGA
TTCTAAATGGTGCATAAAGGGAACATCTATTACAATTACAGCCACTAATTTTTGTC
CACCAAATTTGCACTTCCTAGCAATAATGGTGGATGGTGCAATCCACCAAGGCC
ACATTTTGACATGGCTCAACCTGCTTGGGAACACATTGGTATCTACAGAGGTGGC
ATTGTTCTGTGATGTACCAAAGGATTCCTTGTGTGAAAAAAGGTGGAGTTAGAT
TTACAATAAATGGAAGGGACTATTTGAGCTATTAATGATAAGCAATGTAGGAGG
GGCTGGATCAATTCAATCAGTACAAATTAAGGTTCAAGAACCAATTGGATGGCA
ATGGCTAGAAATTGGGGGGCCAATTGGCAATCAAATGCATTTCTTAATGGACAAT
CTTTGTCATTTAAGGTCACAACATCAGATGGTGTCACTAAAACATTCTTAAATGTT
GCTTCATCCAATTGGCAATTTGGGCAAACATATTCAAGCTCTATTA ACTTCTAA

Nucleotide

>StEXPA-08

ATGGCCAAAATTGGCATTTTAACATTAGGTTTCATATTTGTTTTTTGTAACATTTT
GGTTAGTACTGCAAATGCCTTCTCTGCTTCTGGATGGATGAGTGCTCATGCTACTT
TTTATGGAGGATCTGATGCTTCTGGCACAATGGGTTAGTTTTGCAAATTTTGTAT
ATGAAGAATTACACTTGGTTTGCTCTGTTTTATACGACACTCTTTTCTTTTAAATCT
GTTATATAAATAACTATATAATTTTCTCTCTAATCATGACATGCTACTCTTATAGC
TATAGAAATGTCGCGTGTGATATTTAAAACCATAATTTT TAGGTATACTTTTGATA

TATCATGAAACTTTTTATATTGTTTTAAATTTTCATGTTCCCTTCAAATATTTTTATGAA
ATCAGAATTTAAAACCTTGTGAATTTGTAGTTTTGGTCTTTTTGAGTCACTAGATTC
TAAATTGATAGTAGTATATATAAATTTCTTGAGTCAAATATAAAAGTATTAGTCA
AATTAGTGAATTTTGTCAAACCTTGATTCTTACCCTTTAGCTCTGTCCATCCCTCTGT
AAAATGAGAGAGTAGTGAAAAAGATATGGATATTTTTTAATAGATCCAAAAAAA
AAAAAATACGAAAATTTTGTGCTCAATCAAATACCGTGCTACGAAATAAGATAG
AAGGATAATAATGATGACATGAATCTTGATAATTAACAAATGATTGTGTATGGAA
CAGGGGGTGTCTTGTGGCTATGGGAACTTGTACTCAACAGGTTATGGTACAAACAC
TGCTGCATTAAGTACTGCGTTGTTCAATGATGGGGCATCATGTGGTCAATGTTAC
AAAATTATGTGTGATTATAATCAAGATTCTAAATGGTGCATAAAGGGAACATCTA
TTACAATTACAGCCACTAATTTTTGTCCACCAATTTTGCACCTCCTAGCAATAAT
GGTGGATGGTGCAATCCACCAAGGCCACATTTTGACATGGCTCAACCTGCTTGGG
AACACATTGGTATCTACAGAGGTGGCATTGTTCCCTGTCATGTACCAAAGGTACCC
TTTTCTTACTGTTCCATCCGTTTTAATTTCTTTGTCTGGTTTTAATTTGACATGAAG
TTTAAGAACGTAAAAAAGATTTCTGAATGTAGTGGGCTTAAGTTAAAGATATATA
GAATAGATTACAATGTTTTTTAATATTGTGGTCAGTTTTAAACATGTCATATAAAA
TTCAGAATTAAGAATTGTCAAAAAAGAAAAAGTGACATTTGTTTTGAAATGGAA
AAGTAATAAACAAATCGAAATGAAAAGAATATGATTTAAGGTTGTCTGGTTTTATC
CCAAAAAATATGATTTGTCGAATTTGTTTAAGCTTGAACGAATTGATATATCCA
TGGGTCCCAAGTTGGATGGGCTAGATTATAAATGTAACATTTGCATAAATAACCA
CATTTTGCGGCTATTTAAAATTTGTCCTCTTAATAGCCTAGTGGGCAAGATTTTGT
CTACAAAAGGAGAAGTCTCGTCAACTACTTTTAAAGACAATTTATTTCACTAAC
TAACACTGAGTGAATTTAAAGAGTAGCCTCAAAAATAGGCTATAAAATTAAGA
GGTATAAATACTTTTATTATTTAGCCCAACTTGGCCTGTTTATCTTGATTCAAAAA
TATTCTGGATGGATTATGCCTCAACCATTTTAACGCGTTCAAATTTAGGTCAACCA
CATATTTTGACACAATGTTTATTTATAATAATATATCTAGTGAAATTAGGCTAATA
GTGTAAGAGTTTTATACACTATTCATATATATACATTTCAATAGACAATATATACC
ATCAAATCTCTTTATAATATCATTTACCCCGATATATTGACCACTACCACCATATA
ATATAACATAGCACGAAATACCAAATTCAGATAAAATATAACTATTATAGTGAAA
TGTTATTACATACGATAACTGTTATATAGAGGTCTGACTGTAACGTGATATTTGTA
TGTTTACAGGATTCCTTGTGTGAAAAAAGGTGGAGTTAGATTTACAATAAATGGA
AGGGACTATTTTGAGCTATTAATGATAAGCAATGTAGGAGGGGCTGGATCAATTC
AATCAGTACAAATTAAGGTTCAAGAACCAATTGGATGGCAATGGCTAGAAATT
GGGGGGCCAATTGGCAATCAAATGCATTTCTTAATGGACAATCTTTGTCATTTAA
GGTCACAACATCAGATGGTGTCACTAAAACATTTCTTAATGTTGCTTCATCCAATT
GGCAATTTGGGCAAACATATTCAAGCTCTATTAACCTTCTAA