

## IDENTIFICATION

**Species:** *Cicer arietinum*

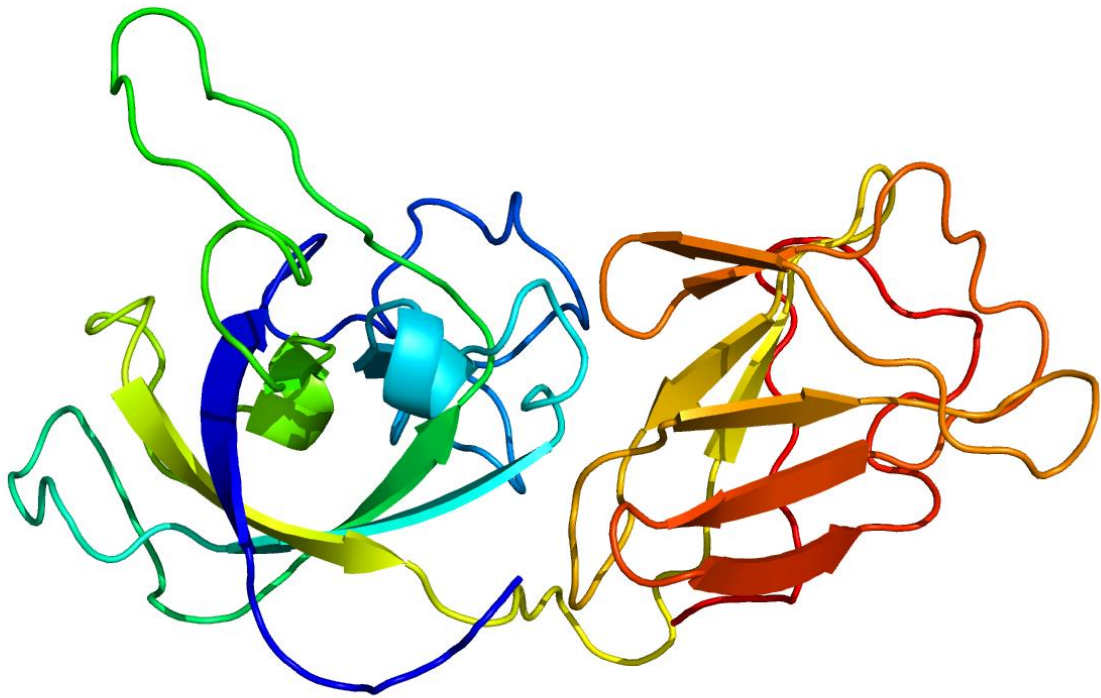
**Locus:** Ca\_20760

**Gene Model:** Ca\_20760

**Description:** CarEXPA-11

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum\\_v1\\_0](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Carietinum_v1_0)

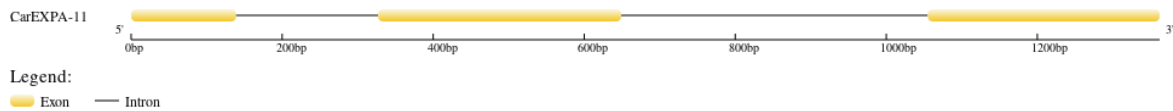
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02819>

## EXTERNAL RESOURCES

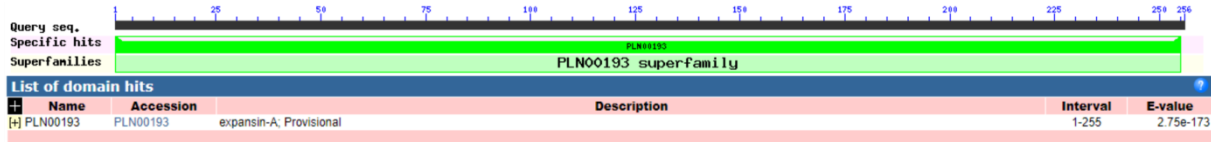
[https://www.pulsedb.org/bio\\_data/80](https://www.pulsedb.org/bio_data/80)

<http://www.cicer.info/databases.php>

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>CarEXPA-11

MTKLLFILTTLIGLCFFTLNSYAFSPSGWTNGHATFYGGSDASGTMGGACGYGNLYS  
TGYGTRTAALSTALFNDGASCGECKYKICDYKTDPRWCIKGRSITITATNFCPPNYDLR  
NNNGGWCNPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIIPVLFQRPCKKHGGARFSVNGRDY  
FELVLISNIGGAGSIQSVSIGKSGKSGWMAMSRNWGANWQSNAYLNGQSLSFKVTTTD  
GDTRIFQDIVPSNWAFFGQTFSSRLQF\*

### CDS (coding sequence)

>CarEXPA-11

ATGACCAAAC TTTTGTTTATTTTGACCACCCTCATTGGATTATGCTTTTTTCACATTA  
AATTCCTATGCCTTCTCACCTTCAGGATGGACCAATGGTCATGCCACTTTTTATGG  
GGGTAGTGATGCTTCAGGGACTATGGGAGGAGCATGTGGTTATGGGAATCTGTAT  
TCAACAGGATATGGAAGTAGAACAGCTGCTTTAAGTACTGCTTTGTTTAATGATG  
GAGCTTCATGTGGGGAGTGCTATAAAATCATTTGTGATTATAAAACAGATCCAAG  
ATGGTGCATAAAAGGAAGATCTATTACCATAACTGCCACTAATTTCTGTCCCTCCT  
AATTATGATCTTCCAAACAACAATGGAGGATGGTGCAACCCACCTCTCAAGCATT  
TTGATATGGCTCAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGAATCTACAGAGGTGGGATCAT  
CCCCGTTTTATTCCAAAGGGTTCCTTGCAAAAAGCATGGAGGGGCTAGGTTTCAGT  
GTGAACGGGAGAGACTACTTTGAACTAGTGTTAATCAGCAATATAGGTGGTGCTG  
GATCAATCCAATCTGTGTCCATTAAGGCTCCAAATCTGGTTGGATGGCTATGTC  
AAGAAATTGGGGTGCTAATTGGCAATCAAATGCTTATTTGAATGGCCAATCTTTG  
TCATTTAAGGTCACAACCACTGATGGAGACACCAGAATTTTCCAAGATATTGTTT  
CTTCTAATTGGGCATTTGGCCAACTTTCTCTAGCCGCTCCAATTCTAA

### Nucleotide

>CarEXPA-11

ATGACCAAAC TTTTGTTTATTTTGACCACCCTCATTGGATTATGCTTTTTTCACATTA  
AATTCCTATGCCTTCTCACCTTCAGGATGGACCAATGGTCATGCCACTTTTTATGG  
GGGTAGTGATGCTTCAGGGACTATGGGTAAGCCCTTGTTACTCCACCTTTCAATAT  
TATACTATTAGTAGTTTTAAGTATTTTTAGTTTTTGATGTTTCTGCAGCCACAATTG  
AGACTGCATTTGTCGTCTGTCATATTTGACTGTGATTCTCTACAAAATTGACCGAG

ATTTAAAAGTTTGATTGTTTAATGTTTTGTTTATGAGGAGTGCAGGAGGAGCATGT  
GGTTATGGGAATCTGTATTCAACAGGATATGGAACTAGAACAGCTGCTTTAAGTA  
CTGCTTTGTTTAATGATGGAGCTTCATGTGGGGAGTGCTATAAAATCATTGTGAT  
TATAAACAGATCCAAGATGGTGCATAAAAGGAAGATCTATTACCATAACTGCC  
ACTAATTTCTGTCCTCCTAATTATGATCTTCCAAACAACAATGGAGGATGGTGCA  
ACCCACCTCTCAAGCATTTTGATATGGCTCAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGAAT  
CTACAGAGGTGGGATCATCCCCGTTTTATTCCAAAGGTTAGAATTTAATGAATTT  
GTACTGTATCTTTCAGTAATAATCATGTCCGGCACTAACTAGACATAATTTAAAAA  
ATGGAAGATATTTAATGTAACATATCATAAGTTGGGATCAAACACTTATATATG  
TTAGATATTAGACATGTCTTTAATCAATGACATGTTTTTTATATTAACCTCTCTGATT  
CATCAAGAAAACGCATCTTGTTAATCTGGAGCTCGGCTAAAAGTTAAGTAAAGTC  
TAACTAAACATAGTTTTAGTCATGATTTGAATTCAATATTCTCGAACGATCTATTG  
ATAATTAGAGCTTATTATACACTTAAACTCATTCAATTTTGTGTTAGAGCAATGACA  
TGTC AATTATATTGTTGTGACAATTTAAAATGTTTTGATTGTATTTTTGGCAGGGTT  
CCTTGCAAAAAGCATGGAGGGGCTAGGTT CAGTGTGAACGGGAGAGACTACTTT  
GAACTAGTGTTAATCAGCAATATAGGTGGTGCTGGATCAATCCAATCTGTGTCCA  
TTAAAGGCTCCAAATCTGGTTGGATGGCTATGTCAAGAAATTGGGGTGCTAATTG  
GCAATCAAATGCTTATTTGAATGGCCAATCTTTGTCATTTAAGGTCACAACCACTG  
ATGGAGACACCAGAATTTTCCAAGATATTGTTCCCTTCTAATTGGGCATTTGGCCA  
AACTTTCTCTAGCCGCCTCCAATTCTAA