

## IDENTIFICATION

**Species:** *Trifolium pratense*

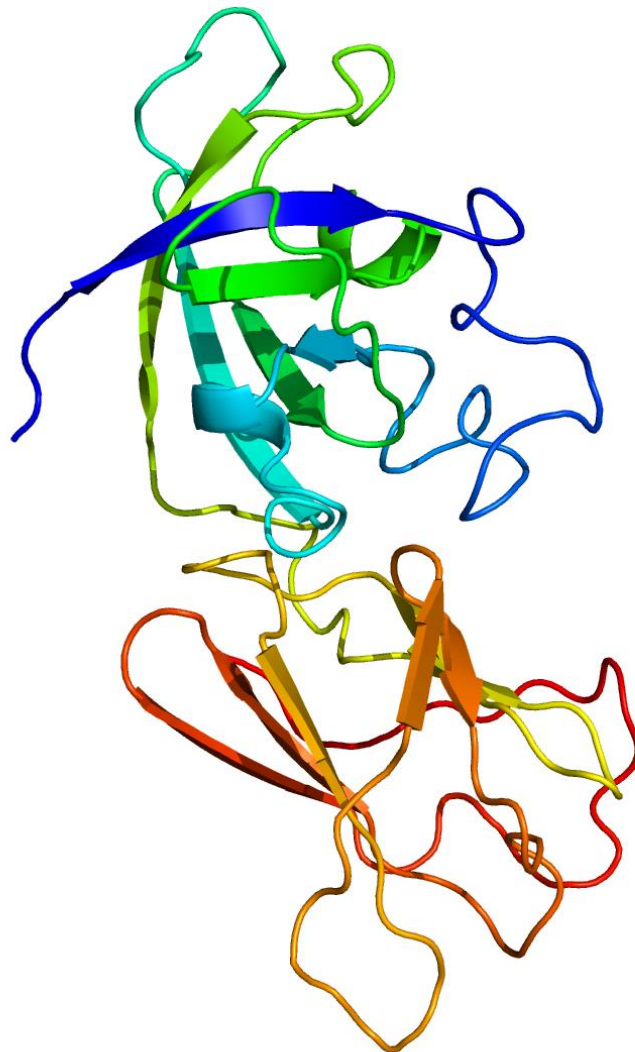
**Locus:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA8673

**Gene Model:** Tp57577\_TGAC\_v2\_mRNA8673

**Description:** TprEXPA-17

**Family:** Alpha Expansin

**3D structure:**



## GENOME DATABASES

Phytozome: [https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense\\_v2](https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Tpratense_v2)

KEGG:-

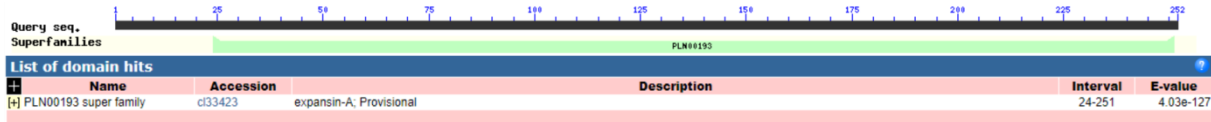
## EXTERNAL RESOURCES

-

## GENE STRUCTURE



## DOMAIN ARCHITECTURE



## SEQUENCES

### Peptide

>TprEXPA-17

MEKFIISCVLILLMNLRLVESAVWQQAHAATFYGGSDASGTMGGACGYGNLNIDGYGI  
KTAALSTALFNDGKSCGGCYQIVCDARKVPQWCHKGTSITITATNFCPPNFAQPSDN  
GGWCNPPRPHFDMSQPAFETIAIYRAGIVPILYRRVGCCKRSGNIRFTINGRDYFELVLIS  
NVGGGGEISKVWIRGSKKNKWESMSMNWGANWQSLSFNGQSLSFIIQLKNGKTRT  
AINVAPSNWKFGQSFKSNVQF\*

### CDS (coding sequence)

>TprEXPA-17

ATGGAAAAATTCATTATTAGTTGTGTTCTTATATTGCTAATGAATCTACTTAGAGT  
GGAATCTGCTGTTTGGCAACAAGCTCATGCAACTTTCTATGGTGGAAGTGATGCC  
TCAGGAACAATGGGTGGTGCATGTGGCTATGGAAATCTGAACATAGATGGATAT  
GGTATAAAAACAGCTGCATTGAGTACTGCTCTGTTAATGATGGCAAGTCATGTG  
GTGGTTGCTATCAAATAGTTTGTGATGCAAGGAAAGTTCCTCAATGGTGCCACAA  
GGGAACCTCCATTACTATTACTGCCACAACTTTTGTCCACCAAACTTTGCACAAC  
CTAGTGACAATGGTGGTTGGTGTAACTCCTCAAGACCACACTTTGACATGTCTCA  
ACCTGCCTTTGAACTATAGCTATTTACAGAGCTGGAATTGTTCCCATCTTGTACC  
GAAGAGTTGGGTGCAAAAGAAGTGGAACATAAGATTTACTATAAATGGGAGAG  
ATTATTTTGAGCTAGTTCTTATAAGCAATGTAGGTGGAGGTGGAGAGATATCTAA  
AGTATGGATCAGAGGGTCAAAAAGAATAAATGGGAATCAATGTCAATGAATTG  
GGGTGCTAATTGGCAGAGCCTAAGCTTTCTCAATGGTCAGAGTTTATCCTTTATAA  
TTCAACTCAAAAATGGAAAGACTCGTACAGCTATAAATGTTGCACCATCCAATTG  
GAAATTTGGCCAATCTTTCAAAGTAATGTTCAATTCTAA

### Nucleotide

>TprEXPA-17

CTCCCTAAGTGCACCTATAAATTCTCAAGAGAGTCTGCCATATTTAGCAACAAAA  
ATCAAGCAATTCCTTCTTTAATTTGTGTCAGAGAGATAGAAAAAATTAAGAGGATGG  
AAAAATTCATTATTAGTTGTGTTCTTATATTGCTAATGAATCTACTTAGAGTGGAA  
TCTGCTGTTTGGCAACAAGCTCATGCAACTTTCTATGGTGGAAGTGATGCCTCAG  
GAACAATGGGTAACCTTCTGTCTCTATTTTATTTTATTCATAATTCTTTACTTCA  
TGATCATAAATAGCTACAATATTAATCAAGGCGTGTGCGAGGTGTCCAACATGGTC

ATTATCCGAAACCGACACGGCACCGACACATATAATTACATTCAATTATGTCATT  
TTTTCAAATAATTACCAGTGTCTTGTCTAGTGTCAATGTGTTTGTGTCTATTTTCAGT  
GTTTCATCGATAAACTCATATTTACATGGACAAAGATATATTTAAGTGTTAATCA  
AATTATCATAAGTATATAACTTTGTTTTGATTAACCTTGTAGGTGGTGCATGTGGCT  
ATGGAAATCTGAACATAGATGGATATGGTATAAAAACAGCTGCATTGAGTACTGC  
TCTGTTTAATGATGGCAAGTCATGTGGTGGTTGCTATCAAATAGTTTGTGATGCAA  
GGAAAGTTCCTCAATGGTGCCACAAGGGAACCTTCCATTACTATTACTGCCACAAA  
CTTTTGTCCACCAAACCTTTGCACAACCTAGTGACAATGGTGGTTGGTGTAAATCCTC  
CAAGACCACACTTTGACATGTCTCAACCTGCCTTTGAAACTATAGCTATTTACAG  
AGCTGGAATTGTTCCCATCTTGTACCGAAGGTAAGTCCCTCTGGTCTCATATATAAG  
CAAAAATTTATTTTTTAAGTTTATTCAATAACTAATGTATCTGGTCTATAAATATG  
TGTTTTATACAAAGTTTTGTTGTATATATGCAGAGTTGGGTGCAAAAAGAAGTGGA  
AACATAAGATTTACTATAAATGGGAGAGATTATTTTGAGCTAGTTCCTTATAAGCA  
ATGTAGGTGGAGGTGGAGAGATATCTAAAGTATGGATCAGAGGGTCAAAAAAGA  
ATAAATGGGAATCAATGTCAATGAATTGGGGTGCTAATTGGCAGAGCCTAAGCTT  
TCTCAATGGTCAGAGTTTATCCTTTATAATTCAACTCAAAAATGGAAAGACTCGT  
ACAGCTATAAATGTTGCACCATCCAATTGGAAATTTGGCCAATCTTTCAAAGTA  
ATGTTCAATTCTAAATTGAATATATGAATTATGGATTAATTATTACTATGATATCA  
CTTTTATTATTGTGCATTCTTATATATATATTTTGGTTTCTTGTGTAACAATTATTT  
ATATATTGTGTAAGGAATTATATATTCCAAGTGGTTGTTTGTGGCTCAGCAATATG  
TTTTAGTATTTGCGATGAAGGCCACCAACTTTGGTATAATAATATATTTGTAATAA  
TGTGTATTTTTTATTTGTATGAACACATTTGTGAGCCAAAGCATATTTTTAAATTA  
TACTATAAAATAGAGTCATTTTTTTGCCTCAAATATTATTATGTTGTATGATGAG  
TGCCAACGATGATAATGATATCAACCTTCTACCTATAACAAAGTTTTCTAAAAAA  
A