

IDENTIFICATION

Species: *Daucus carota*

Locus: DCAR_007168

Gene Model: DCAR_007168

Description: DcEXPA-05

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

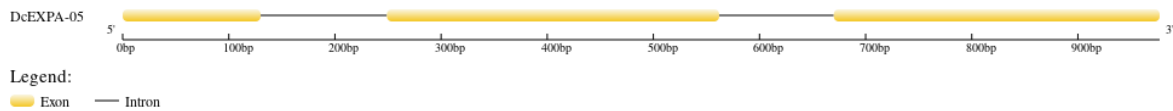
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Dcarota_v2_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05350>

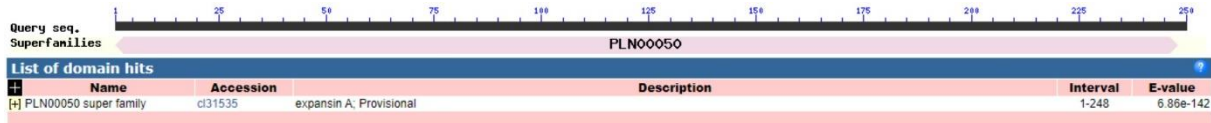
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>DcEXPA-05

MGMRGIFLVTFLAMTSSVLGDGGEGWVNAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNLYS
QGYGTNTAALSTALFNGLSCGSCYEIKCVDDPKWCLPGSIQVTATNFCPPNNALPN
NAGGWCNPPQQHFDLSQPVFQHIAQYKAGIVPVSYRRVPCGRKGGIRFQINGHSYFN
LVLITNVGGAGDVHAVSIKGSRTGWQAMSRNWGQNWQSNTYLNGQALSFKVTTSD
GRTVVSDNVVPAGWSFGQTFTGAQFT*

CDS (coding sequence)

>DcEXPA-05

ATGGGTATGCGTGGGATTTTCTTGGTGACTTTTCTTGCAATGACCTCCTCTGTTCTT
GGGGATGGTGGTGAAGGTTGGGTAAATGCTCATGCCACCTTTTATGGTGGTGGTG
ATGCCTCTGGAACAATGGGGGAGCATGTGGGTATGGAAATCTTTACAGCCAAG
GGTATGGTACAAACACTGCAGCTCTGAGTACAGCTCTGTTCAACAATGGTCTGAG
CTGTGGTTCTTGCTATGAGATCAAGTGTGTGGATGACCCCAAATGGTGCCTGCCT
GGATCCATTCAAGTCACAGCCACTAATTTCTGCCACCCAACAATGCATTACCAA
ACAATGCAGGGGGCTGGTGCAACCCTCCTCAGCAGCATTTTGATCTTTCTCAGCC
TGTTTTTCAACACATTGCTCAATACAAAGCTGGCATTGTCCCTGTTTCTTACAGAA
GGGTTCCATGTGGGAGGAAAGGTGGCATAAGGTTTCAAATAAATGGACACTCCT
ACTTCAACTTGGTATTGATAACAAACGTTGGGGGTGCTGGAGATGTTTCATGCAGT
GTCCATCAAAGGTTCCAGGACAGGATGGCAAGCCATGTCAAGAACTGGGGTCA
AACTGGCAAAGCAACACCTACCTTAATGGCCAAGCTCTGTCTTTTAAGGTGACA
ACAAGTGATGGTAGAACTGTGGTCTCAGACAATGTTGTCCCAGCTGGTTGGTCCT
TTGGCAAACATTCACCTGGGGCTCAGTTCACCTAG

Nucleotide

>DcEXPA-05

ATGGGTATGCGTGGGATTTTCTTGGTGACTTTTCTTGCAATGACCTCCTCTGTTCTT
GGGGATGGTGGTGAAGGTTGGGTAAATGCTCATGCCACCTTTTATGGTGGTGGTG
ATGCCTCTGGAACAATGGGTATGCATGTGTACACACTTACAGATCCAAGATTT
TTAATTTTTAAAAGGCCAAGATTTGCTTGACCTATTAGGCCAAGGCTTCAAAG
TTAACTAACAATGTTGTTTTATTACAGGGGAGCATGTGGGTATGGAAATCTTTA
CAGCCAAGGGTATGGTACAAACACTGCAGCTCTGAGTACAGCTCTGTTCAACAAT

GGTCTGAGCTGTGGTTCTTGCTATGAGATCAAGTGTGTGGATGACCCCAAATGGT
GCTTGCCTGGATCCATTCAAGTCACAGCCACTAATTTCTGCCACCCAACAATGC
ATTACCAAACAATGCAGGGGGCTGGTGCAACCCTCCTCAGCAGCATTTTGATCTT
TCTCAGCCTGTTTTTCAACACATTGCTCAATACAAAGCTGGCATTGTCCCTGTTTC
TTACAGAAGGTACCAAATCTTGTAGTACCTAATATCTTACATAAGGTCTCAGAAT
GTAATCTTTTATTAGACATTTAAAATTAATCTTGGTATTTTTTTCCTTATAATTTG
GGTAGGGTTCCATGTGGGAGGAAAGGTGGCATAAGGTTTCAAATAAATGGACAC
TCCTACTTCAACTTGGTATTGATAACAAACGTTGGGGGTGCTGGAGATGTTTCATG
CAGTGTCCATCAAAGGTTCCAGGACAGGATGGCAAGCCATGTCAAGAAACTGGG
GTCAAAACTGGCAAAGCAACACCTACCTTAATGGCCAAGCTCTGTCTTTTAAGGT
GACAACAAGTGATGGTAGAACTGTGGTCTCAGACAATGTTGTCCCAGCTGGTTGG
TCCTTTGGCCAAACATTCCTACTGGGGCTCAGTTCACCTAG