

IDENTIFICATION

Species: *Nicotiana sylvestris*

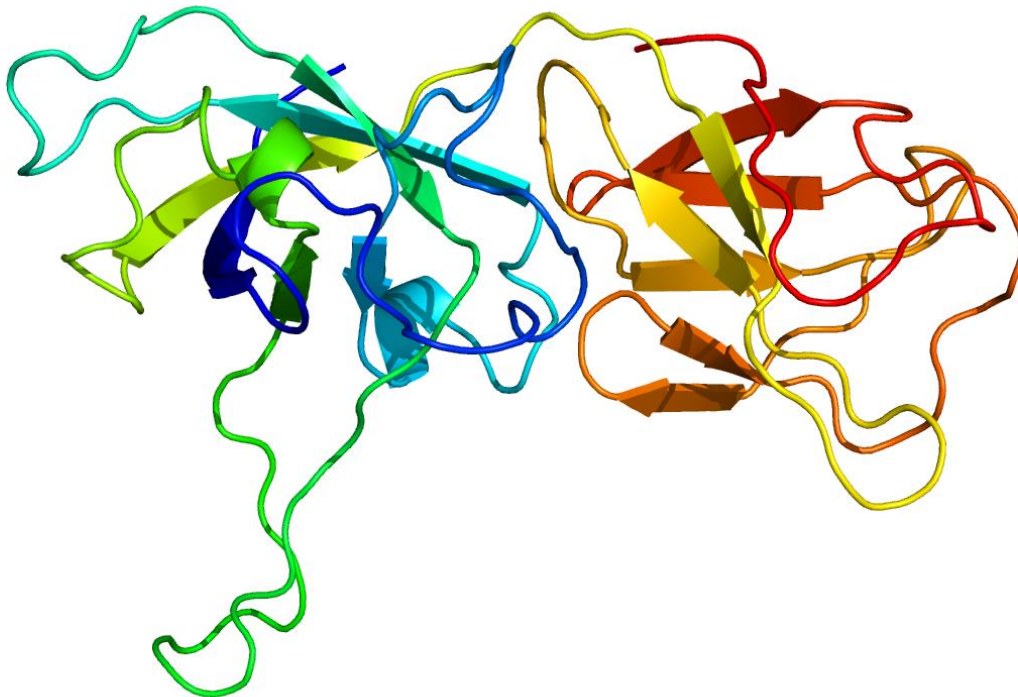
Locus: XP_009780854

Gene Model: XP_009780854.1

Description: NsEXPA-04

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

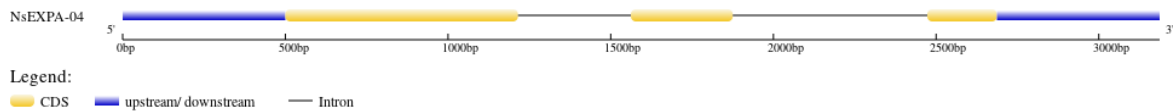
NCBI: <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/genome/?term=Nicotiana%20sylvestris>

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/gn:T05026>

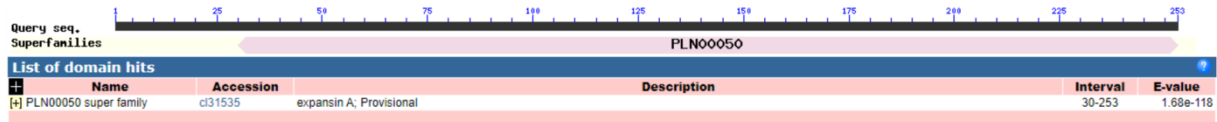
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>NsEXPA-04

MANLATFSIISLLFFFFSFCFHATFADYGGWQNAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTNTAALSTALFNGLTCGACYELTCNNDGQSCLQGSIIVTATNFCPPNPSLP
NNGGWCNPPHQHFDLAQPAFLQIAKYRAGIVPVSFRRVPCRRKGGVRFRTINGHSFF
NLVLVTNVGGAGDVQSVSIKGSNTGWQTMSRNWQNWQNNANLNGQSLSFQVTTSD
DGRTLTSNNAAPANWQFGQTFEGAQF

CDS (coding sequence)

>NsEXPA-04

ATAACCCTCAGCTCATATATCCTACCACTCTCTCATTCTCTTCTTACCTATATCAA
AGGTTCCCTCATTAATGGCTAATCTAGCAACATTCTCCATTATCTCACTTCTCTTCTT
CTTTTTAGCTTTTGCTTTTCATGCAACTTTTGCTGATTATGGTGGCTGGCAAATG
CTCATGCCACTTTCTATGGTGGTGGTGATGCCTCTGGCACTATGGGGGGTGCTTGT
GGATATGGAAATTTATATAGCCAAGGGTATGGAACCAACACTGCAGCACTAAGT
ACAGCACTATTCAACAATGGTTTAACATGTGGGGCTTGTTACGAGCTGACTTGCA
ACAACGATGGTCAATCGTGCCTCCAAGGGAGCATTATTGTGACTGCAACTAACTT
CTGCCCTCAAATCCATCCCTCCCTAACAACAATGGTGGTTGGTGCAATCCCCCTC
TCCAACACTTCGATTTAGCTCAGCCTGCTTTCTTGCAAATTGCCAAATACAGAGCT
GGAATCGTTCCTGTTTCTTTCCGAAGGGTGCCTGCAGGAGAAAGGGGGGAGTAA
GGTTTACAATAAATGGACACTCATTCTTCAACTTGGTTTTGGTGACAAATGTTGGG
GGTGCCGGTGATGTTCAATCAGTTTCAATTAAGGGTCTAATACTGGATGGCAA
CAATGTCCAGAAATTGGGGCCAAAACCTGGCAGAACAAATGCTAATCTCAATGGCC
AGAGTCTTTCAATTTCAAGTCACCACTAGTGATGGAAGGACTCTCACTAGCAACAA
TGCTGCACCAGCAAATTGGCAATTTGGCCAAACTTTTGAAGGGGCTCAATTTTAA
TTAAGTAGTTTTTACTACTATAAAACAACTTAAGAAAAAAGCAAAAGGAAAAT
AGAGGTTTTTTCAACTTCTAATTTGTATATGGCATTGAAAGGGTGAGTAGGTTTTCG
AAGAGGCTGGGGGAGTTTGGCGGTAACATCCGAAATTTTTTACCGAGTTTGGC
TTTATTGCTGTGGTGGCTGGTTAGCACCCGCTTAGGCCTATAGTAGATATGATTGG
ATCTTGAGTTGAAATTTTTACAACCTTATGTATTTTTATCCTTTTTTAGAGATATTAT
TAGTGGCCATTTATGGATTTGTAGGCCACTTAAATATCGCTAGATTTATCTGGGCC
ATTTTTATCTGTTAGTCCCTAATTCATTGTGTAAGCAGAATTGGGGCGACTTAATG
TCACGTTATCCTTTTGTATAA

Nucleotide

>NsEXPA-04

TTACAAAAATGTTGTATCCAAGTTTGCTATTGTTAACAATTGAGAATCGTTGTAAC
ATTAGTATTACTTTTTAGGAAAAAAGTGCTTAAACTAACAGGTTGGAGAGA
AAGTGAGATCATTGGAATGGTATGAAAAACCTAACTTTGGCCATACACAATAAAT
TAACCGAAAAAGTTGGTTGATATAAATTTCTTAGGAATAGGCAAACATAACCATT
GACATCCCTAGACAACATATTGGGAAATTCATCACTGAAGTTGTAAATTCAGTA
GCATCATTAATTTTATCGCCGTAAACTATGTTTTAATATAAAGACATTTTGGTAGT
TTCATAGATTATAAGAAAGGCGTCAAGCAATCTTGTTGAAATAGAGACGGATTAG
TGTAACATCGTCTTTCCTTAATCGTATTGGTCATTTGCCTAATGCCAAGCAAATTA
TTCAGTTGGAAGGCAAATATAAAAGAAAATGTAGCAGAAGAAGAGTTGCTAATG
CGATTATACAAAAGGATAACGTGACATTAAGTCGCCCAATTCTGCTTACACAAT
GAATTAGGGACTAACAGATAAAAATGGCCAGATAAATCTAGCGATATTTAAGT
GGCCTACAAATCCATAAATGGCCACTAATAATATCTCTAAAAAAGGATAAAAAT
ACATAAGTTGTAAAAATTTCAACTCAAGATCCAATCATATCTACTATAGGCCTAA
GCGGGTGCTAACCAGCCACCACAGCAATAAAGCCAAACTCGGTAAAAAATTTTCG
GATGTTTTACCGCCAAACTCCCCCAGCCTCTTCGAAACCTACTCACCTTTCAATG
CCATATACAAATTAGAAGTTGAAAAAACCTCTATTTTCCTTTTGCTTTTTTTCTTA
AGTTTGTATTATAGTAGTAAAAACTACTTAATTAATAATTGAGCCCCTTCAAAAGTTT
GGCCAAATTGCCAATTTGCTGGTGCAGCATTGTTGCTAGTGAGAGTCCTTCCATC
ACTAGTGGTGACTTGAAATGAAAGACTCTGGCCATTGAGATTAGCATTGTTCTGC
CAGTTTTGGCCCAATTTCTGGACATTGTTTGCCATCCAGTATTAGACCCTTTAAT
TGAAACTGATTGAACATCACCGGCACCCCCAACATTTGTCACCAAAACCAAGTTG
AGAATGAGTGTCCATTTATTGTAAACCTTACTCCCCCTTCTCCTGCAGGGCAC
CCTGCAATAGACCAAAAACAAAGTATCTTATATCAGCAAATAACTTCTATTCACT
TGAGTTTAACAATTAGGTCACCTAAAATATAAGGCATCTTACATAAATAGCCAA
TTTTATTAAGTGTATTTTTTTCTAGCAAGTATGGATTAGATACGGTTAATGGTTA
TATACTATATGTGGATTATACATATATTATACATTTGCCAACTATTTTTAGTTT
AAACGGTTGGGTGAACGACGATATAGGTTAATTTCTTCAAATTGGGTGTAACATA
CATATAACTGTCCATAAAAAAAGAGATTAGTAATCTTGAAAATAAGGCAAGTTTT
CTACTATAACACGTACCTTCGGAAAGAAACAGGAACGATTCCAGCTCTGTATTTG
GCAATTTGCAAGAAAGCAGGCTGAGCTAAATCGAAGTGTTGGAGAGGGGGATTG
CACCAACCACCATTTGTTGTTAGGGAGGGATGGATTTGGAGGGCAGAAGTTAGTTG
CAGTCACAATAATGCTCCCTTGGAGGCACGATTGACCATCGTTGTTGCAAGTCAG
CTCGTAACAAGCCCCACATGTTAAACCATTTGTTGAATAGTGCTGTACTTAGTGCT
GCAGTGTGGTTCCATACCCTTGGCTATATAAATTTCCATATCCACAAGCACCCCC
TGCATTTGGCCAATCATAAATACTTTTAGTTACTAATTAGTAGTATATAAATTAAT
CAACTTCTATACTGACAGTGCAAAAACAAGTTTTACTACTATCAAGTCACATAAAT
ATACTCTCTCCGTCAATTTGGATATGTAGTTTGACTTGACACAAAGTTTAAGAAAT
AAAAAAAATAATTTAAAATATGTGGTCTAAAAACTTAAGGGGCAAAATTTTTGT
GGAGCCATGACATTTGTGTGGCTATAATAGCTTCTCATTATGGATAAAGTGAGTA
AAAAAAAAGTTTAAAGTTATATTATTTCAAATACAGAAACATGTAATTCATTT
TGGAACGGACCAATAAGGAAAGTATGTCGTTTAAATTGAAATGGAGGGAGTACT
AACTTTGGTAACCTAGAAAATAAGGCATGTTACCTAGTAAAATAAATGAAAATGT
ACAGCTAGTGTAATAAATTGTGTATATTTTCAATGTATATGAGTTAAATTTGAAGCT
AACTAATGCTATGAGGATTGTATTTCTATATAGTCAAACCTTGATTTTAACGGAAA

AAACATAGAAAGGAAGAAATGAAAAGCAGATGACTTTGGACATACCCATAGTGC
CAGAGGCATCACCACCACCATAGAAAGTGGCATGAGCATTGTCAGCCACCATA
ATCAGCAAAAGTTGCATGAAAGCAAAAGCTAAAAAGAAGAAGAGAAGTGAGA
TAATGGAGAATGTTGCTAGATTAGCCATTAATGAGGAACCTTTGATATAGGTAAG
AAGAGAATGAGAGAGTGGTAGGATATATGAGCTGAGGGTTATGGACAAAGCTAG
CTAGCTATTTATACAGAAAAATAGAAGCTGAAATTTAGGCATAAGATATGGCAAT
TGCAAACAATATAAACATAGTAGAAAGTGACAACCTTAGCAGGGCTCACATTTT
GAGAGAGTAGTCGAAAAGTGTAGAACCATTAGTTTTAGGTCATAAAACAATA
CCAAAACGCACATGCCCTTGTCCACTTCAAATTGATTGGCATAGCACA
TGCATTTTCGAAATAAATTAATTTGTTTTCTCATTCCCCTAAAATTTGCGCCATT
CAGGTAGGTGATAAGTGACATCTAAGAAAGTTGGATGCTTAATTGCTTCAACAAA
CTTTTAAATCATAACTACTACCTCTACAGTGCATAAAAAGCTTACTAATTACCGG
ACATGATTTAACATATATAAACTAACAATGTTATATATTTAACATGTTGACTGCCT
TATTTTTTCAGGTTATTGATATAACTTATTATGACAAAATAACC