

IDENTIFICATION

Species: *Medicago truncatula*

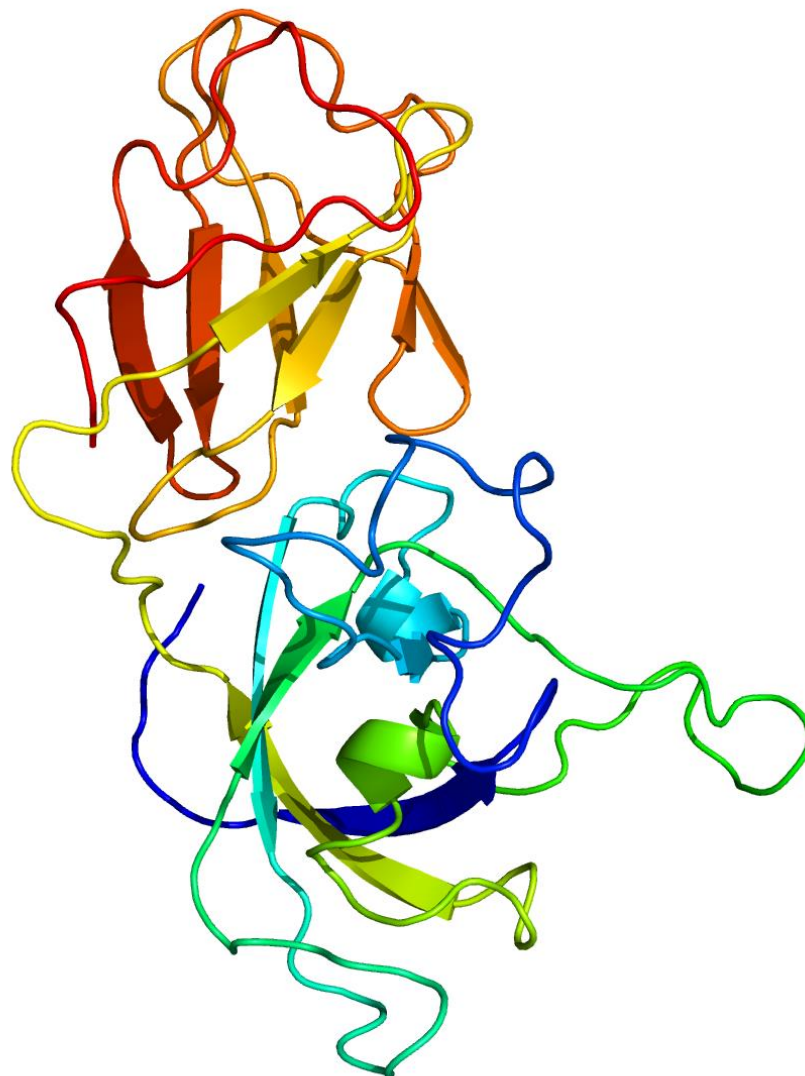
Locus: Medtr1g026020

Gene Model: Medtr1g026020.1

Description: MtrEXPA-01

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

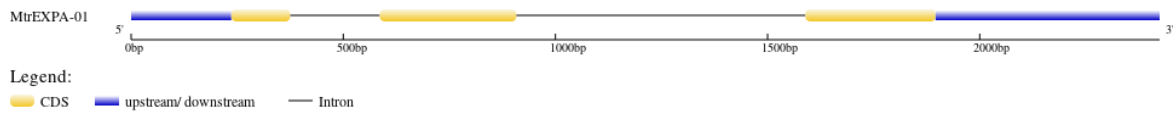
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mtruncatula_Mt4_0v1

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T01716>

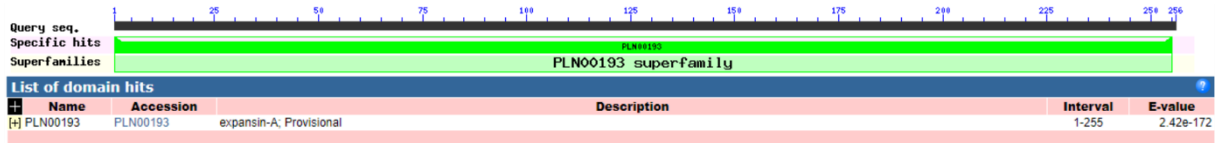
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MtrEXPA-01

MTKVMFILGTLIGLCCFTINSYAFKASGWTNAHATFYGGSDAEGTMGGACGYGNLY
SQGYGTRTAALSTALFNDGASCGQCYKIICDYKTDPRWCIKGRSITITATNFCPPNFDL
PNDDGGWCNPPLKHFDMAQPAWEKIGIYRGGIVPVLFRVPCKKHGGVRFVSVNGRD
YFELVLISNLAGAGSIQSVSIKGSKTDWMAMSRNWGANWQSNAYLNGQSMSFKVTT
TDGVTRTFQDIVPSNWGFGQSFSSKIQF*

CDS (coding sequence)

>MtrEXPA-01

ATGACCAAAGTTATGTTTATTTTGGGCACACTCATTGGACTATGTTGTTTCACAAT
AAATTCCTATGCCTTCAAAGCTTCTGGATGGACCAATGCTCATGCAACTTTTTATG
GGGGTAGTGATGCGGAAGGCACTATGGGAGGAGCTTGTGGTTATGGGAATCTGT
ATTCACAAGGGTATGGGACAAGAACAGCTGCATTAAGTACTGCTTTGTTTAATGA
TGGAGCTTCATGTGGGCAATGCTACAAAATCATTGTGATTATAAAACAGACCCA
AGATGGTGCATAAAAGGAAGATCTATTACCATAACAGCCACAAATTTCTGTCCCTC
CAAATTTTGATCTTCCAACGACGATGGAGGTTGGTGCAACCCACCTCTAAAGCA
TTTTGATATGGCACAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGAATCTATAGAGGAGGGATC
GTCCCTGTCTTATTTCAAAGGGTTCCTTGCAAAAAGCATGGAGGAGTTAGGTTCA
GTGTGAATGGAAGGGACTACTTTGAGTTAGTGTTGATCAGCAATCTGGCTGGTGC
TGGTTCAATCCAATCTGTTTCCATTAAAGGTTCCAAAACCTGATTGGATGGCTATGT
CAAGAAATTGGGGTGCAAATTGGCAATCCAATGCTTATTTGAATGGTCAATCTAT
GTCCTTCAAGGTCACAACCTACCGATGGAGTAACCAGAACTTTCCAAGACATTGTT
CCTTCCAATTGGGGATTTGGTCAATCTTCTCTAGCAAGATCCAGTTCTAA

Nucleotide

>MtrEXPA-01

TCTTGCACTCATTATAAATTAAAATTATTTCTTAGCTATCTCATCTTGCAGTACCT
CACATGTTCCATCGTTACCTTAGACCCTCTGTTCCCTTATTTAAACCCAAACCTTTT
GTGGATTCAAATAACAAACAATATATGTAATACAATTACAAATTCATTTTTGT
ATTGTATCCTTCTACAATCCTTACATTGGGTTTTAAGCATTCAACATATTAATTA
GCAAGATCAAATGACCAAAGTTATGTTTATTTTGGGCACACTCATTGGACTATG

TTGTTTCACAATAAATTCCTATGCCTTCAAAGCTTCTGGATGGACCAATGCTCATG
CAACTTTTTATGGGGGTAGTGATGCGGAAGGCACTATGGGTAAGCCCTTGTCACA
CCACTTTTCAACATTTTATTTCTAGTTTTTTTTTTATAGATTTCTTTTATTTGTAGCG
ATGCCTTCCATTCATGTGTAATTTTCTGTATATATAATCATGTTAGAATTAGTC
GAATATTGTTTAAGGTCTTTACATAAGTTAGTCATGATTAGTTGTAATCGGTAAC
GATAATTTGAATATGTGTGATTCAGGAGGAGCTTGTGGTTATGGGAATCTGTATT
CACAAGGGTATGGGACAAGAACAGCTGCATTAAGTACTGCTTTGTTTAATGATGG
AGCTTCATGTGGGCAATGCTACAAAATCATTTGTGATTATAAAACAGACCCAAGA
TGGTGCATAAAAGGAAGATCTATTACCATAACAGCCACAAATTTCTGTCTCCAA
ATTTTGATCTTCCAAACGACGATGGAGGTTGGTGCAACCCACCTCTAAAGCATTT
TGATATGGCACAACCTGCTTGGGAAAAGATTGGAATCTATAGAGGAGGGATCGT
CCCTGTCTTATTTCAAAGGTTAGAATTTTGATCTGTGCTATATCTTGTCTTGTTTA
ATAATTATAAATGTTAATATCCTTATAATAAGACCAATGACATCCCTCTAAAAAA
AAATTATATTTTCACACCAAATTAGATGGTTATCGCATTTTAAATATGTGGTTAAT
ATAACAAGTTGTTACCCTTCATTA ACTATGCACTCAATACTGCATGAAAAATGAT
AGGTTTACACCCTTTTTTTTTATGTACCCTCATGTACACCCTCATATGGAAGGGG
TATTTTAGTCATTTACGTCACACCATCACCTTTTTTTTTGGATGAGTTTTACTATT
TTTGCTACATGTCACAATTGTGTGGATTTACGTGTATGCCACCTAAGGTGGTCTA
TGTATAAGTGCTCATACTGCAGGGCCGGTCTAAAGGTAAAGCCTCCAAAACCCTC
ACTTTAGGCCCCCAACAAAAAAGTTATTTTTTATTAGATTTTACGAGGAAAAAGA
CCTCATATTCTAATAAAAAGGCACCATATATTCAACCTTGCTTTAGGCCCCACTTA
TTTTTAAAAAGTATTAGATCGGCCTTGTAACACAATTAGCCATAATTTTAAAGTG
GTTAACGACGATTTTCAAGTGTATATTTGTACACAAATTGTGTTGTGATTAATGAG
TATGATATATATTTGAACATTTTTGGGCAGGGTTCCTTGCAAAAAGCATGGAGGA
GTTAGGTTCAAGTGTGAATGGAAGGGACTACTTTGAGTTAGTGTTGATCAGCAATC
TGGCTGGTGTGTTCAATCCAATCTGTTTCCATTAAGGTTCCAAAACCTGATTGG
ATGGCTATGTCAAGAAATTGGGGTGCAAATTGGCAATCCAATGCTTATTTGAATG
GTCAATCTATGTCCTTCAAGGTCACA ACTACCGATGGAGTAACCAGAACTTTCCA
AGACATTGTTCCCTTCCAATTGGGGATTTGGTCAATCTTCTCTAGCAAGATCCAGT
TCTAAATAACCCCAAAAATTAATCATAAGGATAAGGGTCTCTAAAGTTATGGGT
TTTGGGTTTAATTTGGATTCAACATTTTCACATAATCATTAGAAAATTTCTCAAT
TCGCCCCAGCTCAAATAAAAATACTATCAGAAGCGTGCTTCCGATAAAAATGTGCG
CATTTTTGGACGGTGGTTGAGCAATCACCAGAACGGCTGAGGCATGCTTTTTTATT
TACTGGAGCAGCCCGCCACCCTTCTTCTGAATTAAGCCATATGGCTTGCATTGCA
TGAATTGACAATCATCATCCTATCAAGCATGTAGAAATTAATAAGCATTTTTTCTA
GTTTCTATATTTTATATATATACTATTA AACTCATTGTTGTAATATGAATAGTA
CTATTGTTCTAGCTTTACTGCAAGAATTGGGAAATTATTGATTTCCTAAGATTTA
AATTTATATAGAGTCTTGTTCATTGTCTATGTTTTTTTTATTTATTAATTCTATGTAG
AATTTCTTCTCTATGACAACAAAAGTTTTT