

IDENTIFICATION

Species: *Mimulus guttatus*

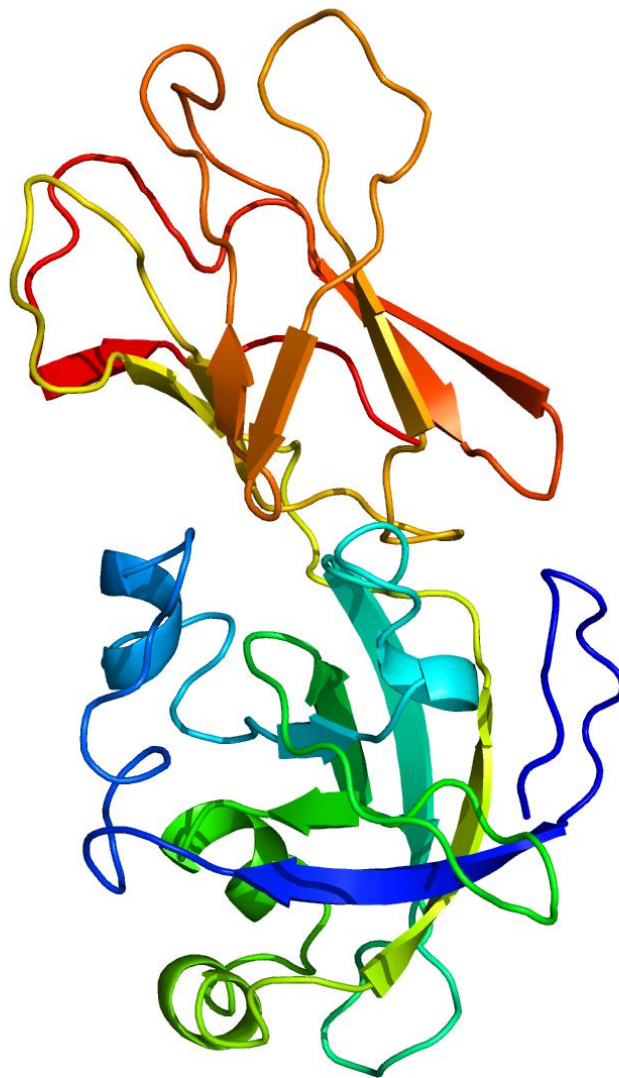
Locus: Migut.F01689

Gene Model: Migut.F01689.1.p

Description: MgEXPB-06

Family: Beta Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

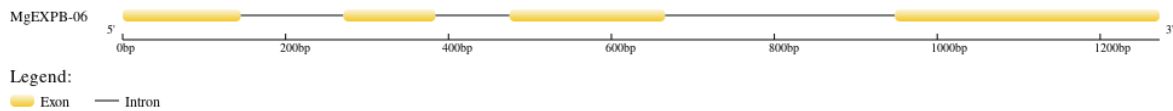
Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Mguttatus_v2_0

KEGG:-

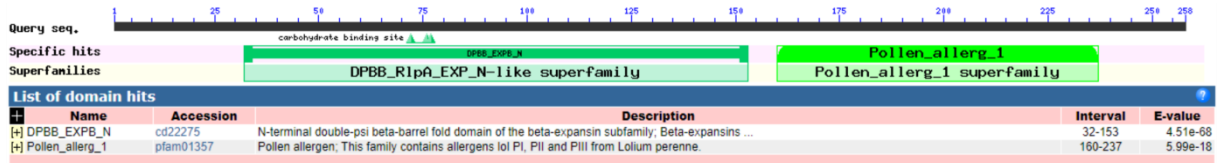
EXTERNAL RESOURCES

-

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>MgEXPB-06

MFNYLILFFLITNNCVCMGSSLSLNNLSVSGFSPAVATWYGSPNGAGSGGACGFADD
VANPPYNGLISAGNQNIKHGEGCGTCYQVKCTENPACSGFPIVVTITDECPGTCNNE
AFHFDMSGKAFGYLAKLGQADKLRNAGRINVQYQRPCKYNMGITFKIDTGSNANY
IAFAIEFVSGDGDVGSVELLPSNSKSSLSMQKSWGCTWKVGPVGVKGPYSVRLTTIE
SRNTITANNVIPGNWSPGQYYRSEANFS*

CDS (coding sequence)

>MgEXPB-06

ATGTTTAATTATTTAATTTTATTTTTCCTTATTACAAACAATTGTGTTTGTATGGGT
TCTTCACTATCATTGAACAATTCTTTGGTTAGTGGTTTCTCACCTGCAGTTGCAAC
ATGGTATGGAAGCCCTAATGGAGCTGGAAGTGGTGGAGCTTGTGGATTTGCAGAT
GACGTTGCAAATCCTCCATAACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAAACCAAAATATATT
CAAACATGGAGAGGGTTGTGGGACTTGTATCAGGTAAAGTGCACAGAAAATCC
AGCGTGCTCGGGTTTTCCAATCGTTGTAACGATTACGGACGAATGTCCCGGTACA
TGCAACAATGAAGCATTTCACTTTGACATGAGTGGAAAAGCTTTCGGGTATTTGG
CGAAGCTCGGCCAAGCTGATAAGTTACGGAATGCAGGAAGAATTAATGTCCAAT
ATCAAAGGGTTCATGCAAATACAACATGGGTATAACTTTCAAGATCGATACGGG
ATCCAACGCGAACTATATTGCGTTTGAATTGAGTTTGTGAGTGGAGATGGCGAT
GTTGGTTCGGTTGAATTATTGCCTTCAAACCTCGAAAAGTTCGTTGTCCATGCAAAA
ATCTTGGGGTTGCACATGGAAAGTTGGAATACCCGTTGGAGTAAAGGCCCTTAT
TCCGTAAGGCTAACTACTATCGAGTCGAGAAACACAATTACCGCGAACAATGTAA
TCCCGGGGAATTGGTCCCCCGGCCAATACTATCGCTCGGAAGCCAATTTCTCTTA
A

Nucleotide

>MgEXPB-06

ATGTTTAATTATTTAATTTTATTTTTCCTTATTACAAACAATTGTGTTTGTATGGGT
TCTTCACTATCATTGAACAATTCTTTGGTTAGTGGTTTCTCACCTGCAGTTGCAAC
ATGGTATGGAAGCCCTAATGGAGCTGGAAGTGGTAATATTAATATAATTTAATAT
TTAATTTATCTTTTTTTTTTTTATGTTCAAATATTATATATATTTATAATTTAAAAT
AAATAAAAAGATATATTTATGTTATATATTTTATTGTAATTTCCAGGTGGAGCTTG
TGGATTTGCAGATGACGTTGCAAATCCTCCATAACAATGGTCTTATTTCTGCTGGAA

ACCAAAATATATTCAAACATGGAGAGGGTTGTGGGACTTGTTATCAGGTTTTAAT
TAATATTATTTATTTATAGAATTTTTATATATAGAGAATTTTTTTTTTTTTTTGAAA
AATAATCTAATTTATTTATATTTTCAGGTAAAGTGCACAGAAAATCCAGCGTGCTC
GGTTTTCCAATCGTTGTAACGATTACGGACGAATGTCCCGGTACATGCAACAAT
GAAGCATTTCACTTTGACATGAGTGGAAAAGCTTTCGGGTATTTGGCGAAGCTCG
GCCAAGCTGATAAGTTACGGAATGCAGGAAGAATTAATGTCCAATATCAAAGGT
AATTAATAATCAAATTTTAGATCAACCCGATTAGGGAAAATCGTACATTGGTCTA
GTTAGGAATTTAATCATCTCGTTTAATTTTGTCTGTTTCAAATTTACACGCAATA
ACTTTGTAAATTTATCATCTTTCATCCTATCTTGCAAAAAAAAAAAGTCATTTTGTTC
AATTTATTTTTATGGATATATATATGCTAAATTAAGTATATAAATTTTCCATTT
TCTTAATTATCTTGGAAATTTAACTAGGCGAGTTTTTTCACGACTTCGAATTTTGCA
GGTTCCATGCAAATACAACATGGGTATAACTTTCAAGATCGATACGGGATCCAA
CGCGAACTATATTGCGTTTGCAATTGAGTTTGTGAGTGGAGATGGCGATGTTGGT
TCGGTTGAATTATTGCCTTCAAACCTCGAAAAGTTCGTTGTCCATGCAAAAATCTTG
GGTTGCACATGGAAAGTTGGAATACCCGTTGGAGTAAAAGGCCCTTATTCCGTA
AGGCTAACTACTATCGAGTCGAGAAACACAATTACCGCGAACAATGTAATCCCG
GGGAATTGGTCCCCCGCCAATACTATCGCTCGGAAGCCAATTTCTCTTAA